

IDENTIFICATION

Species: *Citrus sinensis*

Locus: orange1.1g044689m

Gene Model: orange1.1g044689m

Description: CisEXPB-04

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

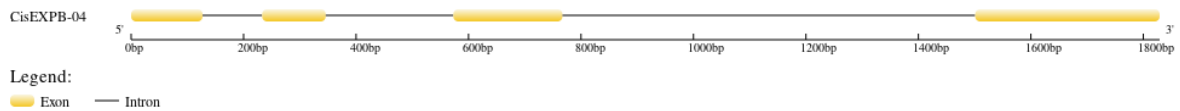
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Csinensis_v1_1

Kegg: <https://www.genome.jp/entry/T02983>

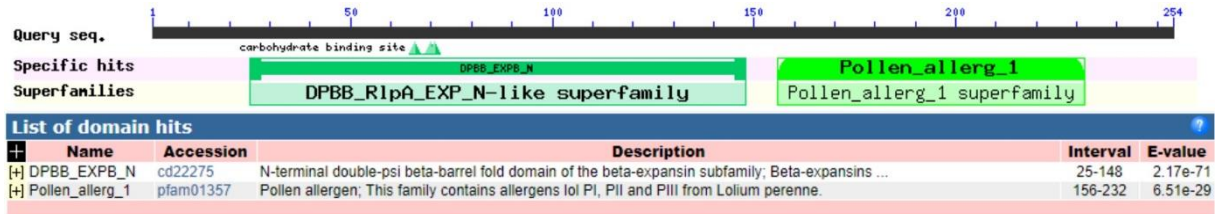
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.citrusgenomedb.org/organism/Citrus/sinensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CisEXPB-04

FLCYLELCSCFYPKHLNLSAVGTHWSTAGATWYGSPDGAGSDGGACGYGNAVSQSP
FSSFVTAIGPSLYKSGKECGACYQVKCTRH PACSGRAVRVVITDFCPGGPCVSESAHF
DLSGTAFGAMAIPGQEEKLRDAGVLEVRYARVACDYSGRNIAFHVDQGSNPNYLAV
VVEFEDGDGDLAGVDVKEGSGEWRAMQQSWGATWKLDAGSELHPPLSLRLTSQYS
SQTLVANNVIPQGWMPGATYRSLVNYNV*

CDS (coding sequence)

>CisEXPB-04

TTTCTTTGCTACTTGGAGCTGTGCTCTTGCTTTTACCCCAAACATCTCAACTTGTC
GCCGTGGGAACCCACTGGTCGACCGCCGGAGCCACCTGGTATGGCAGCCCTGAC
GGTGCCGGAAGTGACGGAGGTGCTTGTGGGTATGGCAATGCAGTGTCAAAAGC
CCTTTCTCTTCTTTGTGACCGCCATAGGTCCAAGCCTTTATAAATCCGGCAAGGA
ATGCGGTGCTTGCTATCAGGTCAAGTGCACAAGGCATCCAGCATGTTTCAGGCAGA
GCAGTTCGAGTTGTGATAACAGATTTTGTCCC GGCGGTCCATGTGTGTCGGAAT
CTGCACATTTGACCTCAGCGGAACAGCTTTCGGTGCCATGGCCATCCCCGGCCA
AGAAGAGAAGCTTCGCGATGCCGGAGTTTGGAAAGTCCGATATGCACGGGTTGCT
TGTGATTACTCCGGAAGGAACATAGCCTTCCATGTTGACCAGGGATCAAACCCTA
ACTACTTGGCCGTGGTGGTTGAGTTCGAAGATGGAGACGGTGACCTAGCCGGCGT
CGATGTGAAGGAGGTTCCGGTGAATGGCGAGCCATGCAACAGTCATGGGGTGC
AACGTGGAAGCTCGACCGGCTCGGAATTACACCCTCCACTCTCACTCCGGCTG
ACATCTCAGTATTCAAGCCAAACCCTGGTGGCCAACAATGTGATTCCCTCAAGGAT
GGATGCCCGGAGCTACATATAGATCCTTGGTTAATTATAATGTCTAG

Nucleotide

>CisEXPB-04

TTTCTTTGCTACTTGGAGCTGTGCTCTTGCTTTTACCCCAAACATCTCAACTTGTC
GCCGTGGGAACCCACTGGTCGACCGCCGGAGCCACCTGGTATGGCAGCCCTGAC
GGTGCCGGAAGTGACGGTACATATATAATGTGTATACACATCCATACGTACGTAC

ATACGTAAATATATACATATAGGTCTTCGTTATTTATTAATTATATGCTGTGTATA
TATTCATGCAGGAGGTGCTTGTGGGTATGGCAATGCAGTGTACAAAAGCCCTTTC
TCTTCTTTTGTGACCGCCATAGGTCCAAGCCTTTATAAATCCGGCAAGGAATGCG
GTGCTTGCTATCAGGTAGTTTATAAAAACAAAACCTTGTTTAATGAAAATTAATCA
ATTAATATTGTCTTGAATGCACAAAATCAAATATGCTTAAGACTTTTTATGGTCA
CGTTACACGTACTIONTATTAATAATTCTTCACGTTCTTTTTGACTGATTCTAAATCTT
CCACAGTTTATTATTTTTTATTACGTAACATTGAGACTACTTAATTAAGAGTGGT
GCATTATTTGTTATTAGGTCAAGTGCACAAGGCATCCAGCATGTTTCAGGCAGAGC
AGTTCGAGTTGTGATAACAGATTTTTGTCCCGGCGGTCCATGTGTGTCGGAATCTG
CACATTTGACCTCAGCGGAACAGCTTTCGGTGCCATGGCCATCCCCGGCCAAGA
AGAGAAGCTTCGCGATGCCGGAGTTTTGGAAGTCCGATATGCACGGTAAAATTGT
AATTAATTAATTAATCAACGATTAATCCCACAATAATTAACGTCGATCTCTTT
AGGCCAATGAAAAAAAAGAGTAATAAACTAACTTTCTAAGCGGTACCTTAA
CATTTGTAATTAACGAGTTATGAAATTGACTATCTATAATAGATGAGTATTATGTA
AATTATAATTAACCCTTGCTCTGGGTATATTAAGAAATTACTTTAGAACTTGAG
TGCTATTATAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAAAACGCTTGAGTATGAGGTCATTT
TCTTACGATATATTGTTAAAGATACAAATAACAAAATATCCTCGAGTCATTTTCG
AGTCTAACATTGATTTAGAATATTATTAAGTTTTATGTTAAGTAATCTTATTTTTTC
AAATACAAATTGAGCATAACCTATACCCATTTTTTTAAAATTTTATAAAATTTTATA
AAATTAAGGGGGAAACAGCGTATTAGCATCATGACAAAAACGCCCTGCTAGCA
AACTCAAACTTTTACGAAATTGTTTCAACTATACACGACCAAAAAGGCAAAAAGA
AACTAAGGGTGTGTTGTTTGAATACGCATGCATGCTGAAGCAATTATATTTGGTCA
CGGCATTGTTAGTCCTCTAATTAATTTGACTTAAATGTCAAATTACTIONTACTTA
TACAAGCACATTTTTTTTATTTAACATATATAAATATTTTATTTTTTGCTATATGCGC
ATAGGGTTGCTTGTGATTACTCCGGAAGGAACATAGCCTTCCATGTTGACCAGGG
ATCAAACCCTAACTACTTGGCCGTGGTGGTTGAGTTCGAAGATGGAGACGGTGAC
CTAGCCGGCGTCGATGTGAAGGAGGGTTCCGGTGAATGGCGAGCCATGCAACAG
TCATGGGGTGCAACGTGGAAGCTCGACGCCGGCTCGGAATTACACCCTCCACTCT
CACTCCGGCTGACATCTCAGTATTCAAGCCAAACCCTGGTGGCCAACAATGTGAT
TCCTCAAGGATGGATGCCCGGAGCTACATATAGATCCTTGGTTAATTATAATGTC
TAG