

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

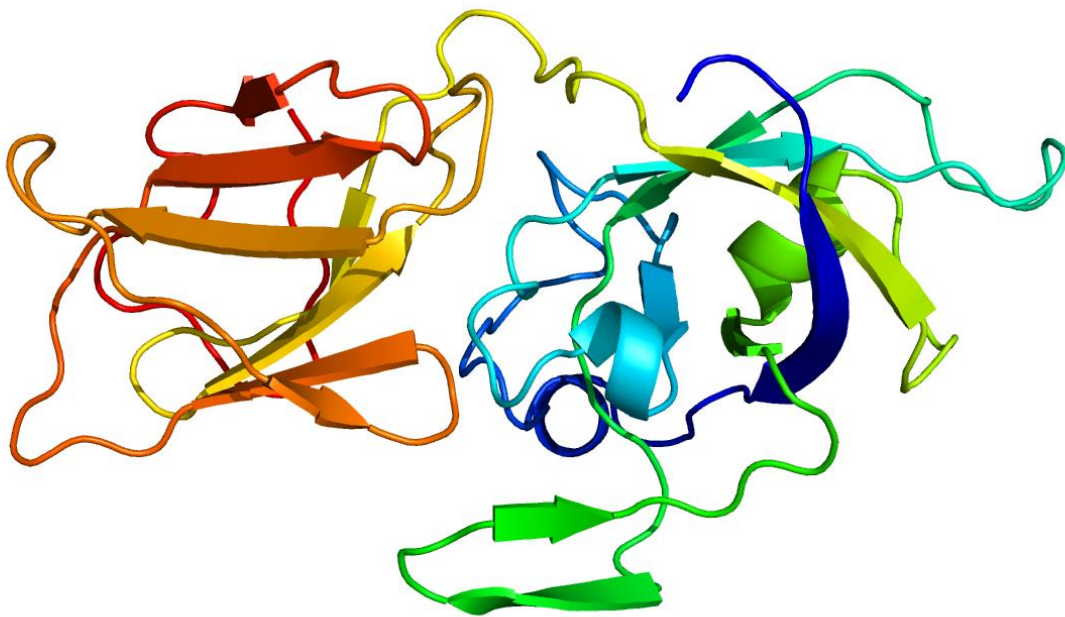
**Locus:** AUR62024923

**Gene Model:** AUR62024923

**Description:** CqEXPA-14

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

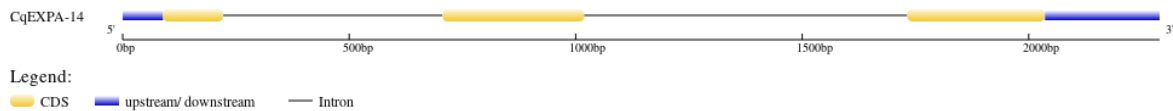
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

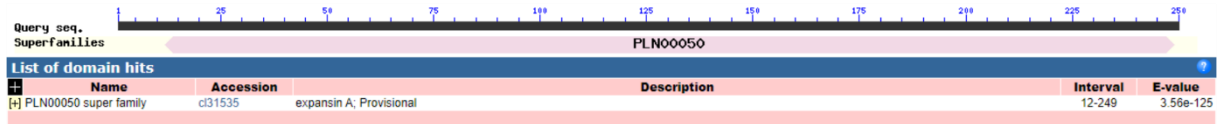
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPA-14

MTISSTLLRASLSFILINLLSLYGVFADLGHATFYGGEDASGTMGGACGYGNLYSQGY  
GTSTAALSTALFNSGLSCGSCYELTCNGDPKWCLPGSIIVTATNFCPPNYALSNDNGG  
WCNPPLQHFDLAEPSFLKIAQYRAGIVPVSFRRVPCVRTGGIRFTINGHSYFNLVLITN  
VAGAGDVHAVSIKGSKTGWQPMsrNWQNWQSNGLDGDGQSLSFQVTASDGRITIS  
YDVAPANWQFGTSYEGGQF\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPA-14

ATGACAATTTTCGTCAACATTATTACGTGCTTCACTTTCCTTCATTTTGATTAATCTA  
TTATCTCTTTATGGCGTTTTTCGCAGACTTAGGTCATGCTACTTTTTATGGCGGAGA  
GGACGCATCCGGCACAATGGGGGGAGCTTGTGGATATGGAACTTGTACAGCCA  
AGGGTACGGGACTAGCACGGCTGCCCTAAGTACCGCGCTATTTAACAGTGGATTG  
AGTTGTGGCTCATGCTACGAACTTACATGTAACGGAGACCCTAAATGGTGTCTCC  
CAGGGAGCATTATTGTGACTGCTACCAATTTTTGCCCTCCAAATTATGCCTTGTCT  
AATGACAATGGTGGATGGTGCAATCCCCCTCTTCAACACTTTGATTTGGCTGAAC  
CTTCTTTCTTGAAAATTGCCCAATATCGCGCTGGAATTGTTCCCGTTTCTTTCCGA  
AGGGTACCTTGCGTGAGAACAGGAGGAATAAGATTCACAATCAATGGACTCTCC  
TACTTCAACTTGGTCCTAATCACCAATGTAGCCGGAGCCGGTGACGTGCACGCGG  
TTTCAATCAAGGGTTCAAAGACCGGGTGGCAACCCATGTCTAGGAATTGGGGTCA  
AAATTGGCAAAGCAATGGTGATCTCGACGGCCAAAGCCTCTCTTTCCAAGTTACG  
GCTAGTGACGGGAGAACAATCACTAGCTACGATGTTGCTCCTGCTAATTGGCAAT  
TTGGCACGTCTTATGAGGGTGGTCAATTCTAA

### Nucleotide

>CqEXPA-14

ACCAATCATCACTTAATTCATCCCCTACTTTGTTTCTAATCCCTAGATAGTCTCCA  
ATTAACGCTAATTTTGTCTTTAACGACGACATAATGACAATTTTCGTCAACATTATT  
ACGTGCTTCACTTTCCTTCATTTTGATTAATCTATTATCTCTTTATGGCGTTTTTCGC  
AGACTTAGGTCATGCTACTTTTTATGGCGGAGAGGACGCATCCGGCACAATGGGT  
AAGCCTAATATTGTCTATTTTGAAGGCTACATTTTCCCTAATTAATACTTCAATTC  
GTACGTACTAATTAAGCTAGTGGTTTCCAATTCAATTAATTAGTCCATTGTCCATC

GTTAGTTTTTATCGGTCATTACTCTACATCCACTACAATACCAAACAAGGTTATA  
TAAATTAAGTAAAAGCAAAAACTTAAAGAAAGAAATATAATTAGGGCTCTTT  
ACATACAAATTAATTCCTTTTTGCAATTTATCACGAGTTAAGTTATTAGTTAGTTG  
AAAGTTAACTTATTAATTATTGTCTTCAATTTTTATATTTTAATAGTTTTTGAATTT  
CTATTAATTCATATGCCTAAGGAACAGTATGTTTTGTATACAATTGCAAAATAG  
ATACAGTACACGTCGTATGTTTTAAAGATTAACGTGTCATTTTTTTTTACTAGTTC  
GTTATTTTAATTTATTCATTATATTGGAAAATGTAGGGGGAGCTTGTGGATATGGA  
AACTTGTACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACGGCTGCCCTAAGTACCGCGCTAT  
TTAACAGTGGATTGAGTTGTGGCTCATGCTACGAACTTACATGTAACGGGAGACCC  
TAAATGGTGTCTCCCAGGGAGCATTATTGTGACTGCTACCAATTTTTGCCCTCCAA  
ATTATGCCTTGTCTAATGACAATGGTGGATGGTGCATCCCCCTCTTCAACACTTT  
GATTTGGCTGAACCTTCTTCTTGAAAATTGCCCAATATCGCGCTGGAATTGTCC  
CGTTTCTTTCCGAAGGTAATTTTTATGACCAACTATTACACAAGTAAATTATTATAC  
ATAGTAATTAATACTTCGTATATATTATCTATAGAGGTTTAAAAAAAAAAAAAAAA  
GTTTTTATACATACATAGACCAATAGTGCATGATTACAAATTATAGTTTCACGTAC  
TACATGTTGGCTAATCTTGACAATTTTGCTAATTATTGTAATTCTTCATTA AAAATG  
TCTTGTTAAGAACACGTTTCATATGAAATTGTCTTATTTCAATTTGACAAAAGAAAATC  
TGAGAAATACGAAGTAAAATGAAATAATTGAAGTGAAAAAGACAACAAGATAAT  
ACAAGAGTACGTTTTTGAAAAGTCGCACGTGAACACTTCATTTTCGGCCCTACGC  
TCTTAATCAAAGTTGGTTGTAATTACAACAAGTGTTCCGGTAAGACGGTTATTAGC  
TTAATTATTAGAAGATGCTTGTACGAAACTTTTGTGAGTTTCGGGTGTACACTAA  
TTATTTTAATGTACAATATCATGTATTATGTTATGGTTTAAATATCAATTTAATTGT  
TAACGTGTTTTGACTAATCTATATACATTAACATTTTTACCCTA ACTTTACAAATT  
ACAGTCATTTTACATTAATTAATGTACAACCGTCTAAATTAAGAGTTTGTGACGAT  
GTTAAAAGTATAAGATATCCAAATTTGTGTTGCTTACCCTGTA ACTTAACTTTG  
ACAGGGTACCTTGCGTGAGAACAGGAGGAATAAGATTCACAATCAATGGACT  
CCTACTTCAACTTGGTCCTAATCACC AATGTAGCCGGAGCCGGTGACGTGCACGC  
GGTTTCAATCAAGGGTTCAAAGACCGGGTGGCAACCCATGTCTAGGAATTGGGGT  
CAAAATTGGCAAAGCAATGGTGATCTCGACGGCCAAAGCCTCTCTTTCCAAGTTA  
CGGCTAGTGACGGGAGAACAACTACTAGCTACGATGTTGCTCCTGCTAATTGGCA  
ATTTGGCACGTCTTATGAGGGTGGTCAATTCTAAAAAAATAGAATCAAATTAATT  
AACAATATGATATTAAGAAATCGATGATAATTA AAAGGAAA ACTCGAGTTAATTT  
TATACATGTCCAAATAAAATTGCCAGACTTGTCATATAAGTATTTTATGTTAAAAT  
ACGAATGTGACAATTAATCAGGAACAAAGACAATAATTGCCGTGGTGTATATAG  
CCACCCGCGAAAATTCTTGTGACTTTTTTCGCTAGTATTCAACAATTGATAGAGGT  
TAGGCAAGGTG