

## IDENTIFICATION

**Species:** *Capsella grandiflora*

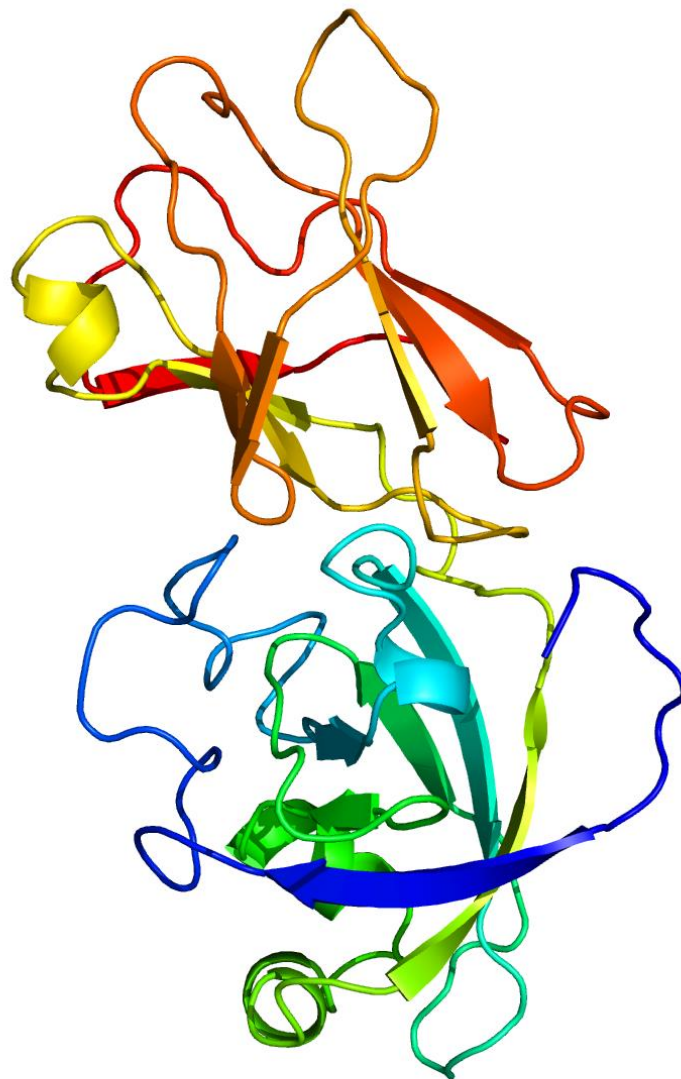
**Locus:** Cagra.0812S0006

**Gene Model:** Cagra.0812S0006.1.p

**Description:** CgrEXLB-01

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



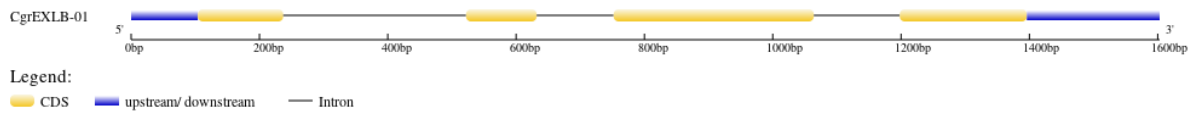
## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cgrandiflora\\_v1\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cgrandiflora_v1_1)

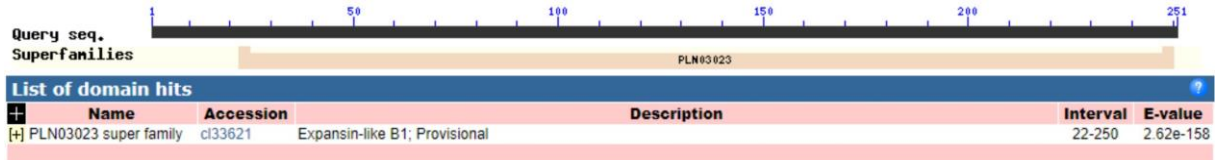
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CgrEXLB-01

MKQSHVLLLLLVQVIVLLPLHCLSDGFVSSRATYYGSPECKANPRGHCGYGEFGRDI  
NNGEVSGVSWRLWNNGTGCGACYQVRCKIPPHCSEEGVYVVATDSGEGDGTDFILS  
PKAYGRMARPGTENQLYSFGVVDVEYQRIPCRYAGYNLVYKIHEKSYNPHYLAAILVL  
YVGGVNDILAVEVWQEDCKEWIRMRRVFGAVHDLQNPPRGTLTLRFLVYGSAGIN  
WVQSPNAIPADWTAGATYDSNILLT\*

### CDS (coding sequence)

>CgrEXLB-01

ATGAAGCAGTCTCACGTTTTGCTTCTTCTACTCGTTCAAGTCATTGTCCTTTTGCCT  
CTCCATTGTCTATCCGACGGTTTTGTTAGCTCTCGAGCTACTTATTATGGCAGCCC  
GGAATGCAAAGCAAATCCTCGAGGACATTGTGGATATGGAGAATTTGGAAGAGA  
TATCAATAATGGTGAAGTAAGTGGTGTTCATGGCGACTATGGAACAATGGAACC  
GGATGTGGTGCTTGTACCAGGTGAGGTGCAAATACCACCACACTGCAGTGAGG  
AAGGAGTATACGTAGTGGCTACGGACTCCGGAGAAGGAGATGGTACGGACTTCA  
TCTTAAGCCCTAAGGCGTACGGACGTATGGCTCGACCCGGCACAGAGAATCAGCT  
CTACTCCTTCGGTGTGGTCGACGTCGAGTACCAGAGGATCCCTTGCCGGTACGCT  
GGATATAACCTAGTGTACAAGATCCATGAGAAAAGCTATAATCCTCATTATCTTG  
CCATCCTTGTCTTGTACGTTGGTGGTGTCAATGACATCCTCGCCGTTGAAGTATGG  
CAGGAGGATTGCAAAGAGTGGATACGTATGAGAAGAGTGTTTGGTGCGGTTCAC  
GATTTGCAAACCCACCAAGAGGCACTCTCACATTGAGGTTCTTAGTCTACGGAA  
GCGCCGGTATCAATTGGGTCCAATCGCAAACGCTATTCCCGCCGATTGGACCGC  
AGGAGCCACTTACGACTCCAACATTCTACTCACTTGA

### Nucleotide

>CgrEXLB-01

TTTTGTTATTACCAATTCCATTATTTTCTATATCGCTTGTTAAGATAAAGGTTTAC  
AACTAATAGTCTACAATATTTATAGAGTTAATTAAGATAGCACAATATGAAGCA  
GTCTCACGTTTTGCTTCTTCTACTCGTTCAAGTCATTGTCCTTTTGCCTCTCCATTG  
TCTATCCGACGGTTTTGTTAGCTCTCGAGCTACTTATTATGGCAGCCCGGAATGCA  
AAGCAAATCCTCGTATGTATTTAATTCATTATATTGCTATAAATTATGTACCTCT

TAATTAACTTTTTTTCATTAGTATAGTACGTAACATCTCATTATGAACCTAAACTA  
TTTAATTTATATATTTGTATGATTATATCTACGTGTAGGTTTATCCAAATTCTTAAT  
ATAGAACTGAAACGATTCCATTACGTGTCCATAATGAGACTTCTTCAAGAATCCG  
TTATTATTTGATAAAATGCCTAGGACTTTGATTTCTATTATGAATAATTAATCTTT  
GACTATTATGTATGCAGGAGGACATTGTGGATATGGAGAATTTGGAAGAGATATC  
AATAATGGTGAAGTAAGTGGTGTTCATGGCGACTATGGAACAATGGAACCGGA  
TGTGGTGCTTGTTACCAGGTTTATATAATTCAACCTCATTAAATATTTTCATCAATA  
TATAACACTGATCATGCTAATTTCAATACTAAATGTCCATTACTAACCTTATATAA  
TATTATAATTTATGAATTATACAAAGGTGAGGTGCAAATACCACCACACTGCAG  
TGAGGAAGGAGTATACGTAGTGGCTACGGACTCCGGAGAAGGAGATGGTACGGA  
CTTCATCTTAAGCCCTAAGGCGTACGGACGTATGGCTCGACCCGGCACAGAGAAT  
CAGCTCTACTCCTTCGGTGTGGTTCGACGTTCGAGTACCAGAGGATCCCTTGCCGGT  
ACGCTGGATATAACCTAGTGTACAAGATCCATGAGAAAAGCTATAATCCTCATT  
TCTTGCCATCCTTGTCTTGTACGTTGGTGGTGTCAATGACATCCTCGCCGTTGAAG  
TATGGCAGGTAATTATCTTGATCAAATATTATTACAAAACAAAACAAAACAAAAC  
ATGACAAGCTAAGTATCATGTAACGATCACTAGCTAAGACAATATATTTGTTAAT  
CAATATATGGTTTTTTGTATGTATGAATTATAGGAGGATTGCAAAGAGTGGATACG  
TATGAGAAGAGTGTGGTGGTGCAGTTTACGATTTGCAAACCCACCAAGAGGCACT  
CTCACATTGAGGTTCTTAGTCTACGGAAGCGCCGGTATCAATTGGGTCCAATCGC  
CAAACGCTATCCCGCCGATTGGACCGCAGGAGCCACTTACGACTCCAACATTCT  
ACTCACTTGAATTCATTCCAGTTTCATCAGTGTGTTTATAGATACTCATATATA  
TATGGTTTCTTCTCTATGTAATGGGCTAATATATTTAAATAATGCCCTCTAGAACA  
ATGGTAATAAATCATCCTCGTAGATTCATATAGTTTATTATGTATTGTGTCCTTATT  
AAAGAAGATTGTAATGATTTGTATGAGTTCGATTTCAATGGAATAAATC