

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

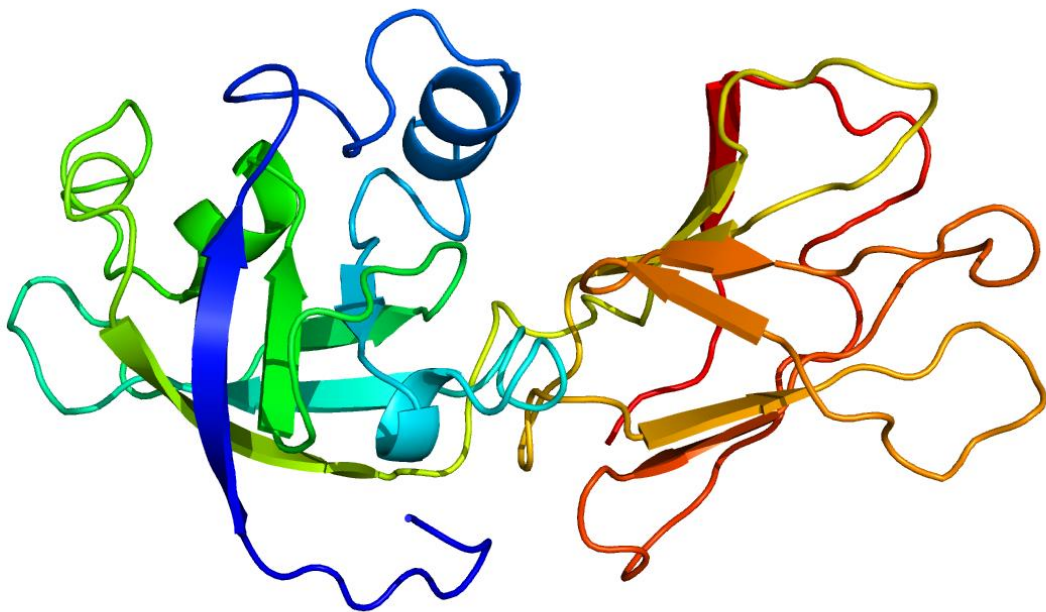
Locus: XP_016175121

Gene Model: XP_016175121.1

Description: AipEXLB-06

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

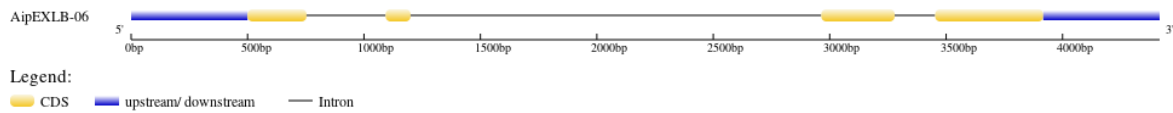
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

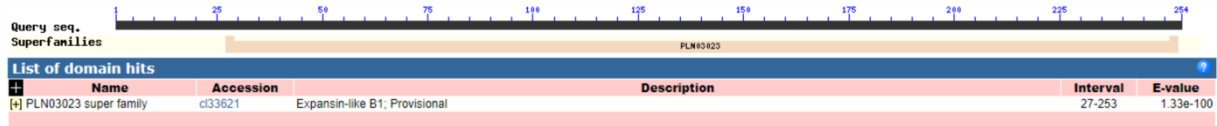
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXLB-06

MELKHQLGLLCVILLPALSSATNKDYCPPYKNSRATYYGTRDGYGTPRGACGFGEY
GRTVNDGMVA AVSGLWNDGRGCGACYQVKCKVPKLCNVNGVTVVATDYGGQDR
TDFILSPRAFNSLGVNPDASKELKKYGTLDIAYKRVPCCTYPGRNIVVKVQESSNPGY
FAVVLQNLGGSYDVTNVELWEDSRKQWSPLRRVYGA VFDYANPPKGQLFLRFQVIG
CYGTYWQIPKKPIPADWKPKMTYDTGLQLK

CDS (coding sequence)

>AipEXLB-06

GTAATCTCACAAAACCTTCTTTCCATAATATATATTATTAGTTAATTATATTCTTTC
ATACACTTTGGTTTACTACATTTACTTGCTACATTTCTTACCTCTTTAGATATGGAG
CTTAAGCACCAACTTGGTCTTCTTTGCGTTATACTGCTTTTACCAGCACTAAGCAG
TGCCACTAATAAAGACTACTGCCCTCCTTATAAGA ACTCTAGAGCAACCTATTAT
GGTACCCGTGATGGTTATGGCACTCCAAGGGGAGCATGTGGATTTGGCGAATACG
GAAGGACGGTGAATGATGGCATGGTTGCAGCTGTATCTGGGCTATGGAATGATG
GACGTGGCTGCGGTGCATGCTATCAGGTTAAATGTAAAGTACCAAAATTGTGCAA
TGTC AACGGGTAACAGTGGTGGCAACAGATTATGGTCAGGGAGACAGAACAGA
CTTCATATTGAGCCCACGAGCCTTTAATAGTTTGGGTGTGAACCCTGATGCATCTA
AAGAGCTAAAAAATACGGTACTCTTGATATTGCATACAAAAGAGTCCCTTGCAC
ATACCCTGGCCGCAACATTGTTGTTAAGGTTCAAGAAAGTAGCAGCAACCCTGGA
TACTTTGCTGTGGTTCTTCAAACCTTGGTGGATCATACGATGTC ACTAATGTTGA
ATTGTGGGAGGATTCACGCAAACAATGGAGTCCATTGCGTAGGGTTTATGGGGCA
GTGTTTGACTATGCTAACCACCAAAGGGTCAACTCTTCTTGAGGTTCCAAGTGA
TTGGTTGTTACGGA ACTTATTGGCAAATACCAAAGAAACCTATCCCTGCTGATTG
GAAGCCCAAATGACCTATGACACTGGACTTCAGCTTAAATAAGCTAATACAAA
AAACATCACTTTGGACCCGAAATCATATAGTCTATCATAAATAAATAAATAGGTA
CCCTTATCAATACCAAAAAAACA ACTAGGTACTCTTATTCCATTGAAAGTCTGA
TCTGATTGTTGTATTATATTCTGTGAATCTTAATGTGTGCATTGCTTAGTGACTTA
GTCTTCTCGGAGACCACAATAATACATATTCATCATGTACCTGTATGTAAAATAA
ATTGTCAACAATAAATAGTGTCAATTTCTCCATTA

Nucleotide

>AipEXLB-06

CCATAAAAAAAAAAAGAAAAACAAAAA ACTCACATCACCCCTAATCTCTTTCATT
ACCACCCATGAGGAGAAGTTGTCAC TGTGCCATATCTACTTCAACATTTCCGTG
GCAACCTTCTTTGGAGGACTCCCAA ATTATTAATCAA AATTCCCTTCTATGCATG
CCAAGGTTTGTAAATAAGTTTGACCGCTACTTTATTTCCCTTTGTGCATGCATGGTAT
GTTTGAACCTCACCCCTCTGGTTTCTATTGTTGAATGAGTTTAAATCCGAAACAAAC
AAACTTTTGACATTAATACTAAATAGTTTTTTCTTGTATTTCTGTACTGATATTGT
GTGTAGACTATCTTATTCTCTGGGTTAGGTAGGGTCAATGTGTACTGGTGGTCCAC
ATCATCAATCCAATCCTAAATCATATTATTCCTATGGTCCCAATTGGGCTCACACC
ACTGGTATCTATACATATGGCATCACTATAAATATGACTCCATATCTATGCTTGTA
ATCTCACAAAACCTTCTTTCCATAATATATATTATTAGTTAATTATATTCTTTTCATA
CACTTTGGTTTACTACATTTACTTGCTACATTTCTTACCTCTTTAGATATGGAGCTT
AAGCACCAACTTGGTCTTCTTTGCGTTATACTGCTTTTACCAGCACTAAGCAGTGC
CACTAATAAAGACTACTGCCCTCCTTATAAGA ACTCTAGAGCAACCTATTATGGT
ACCCGTGATGGTTATGGCACTCCAAGTATGTTAATTATTACCCTCCTTTAATTATT
TTGTACGTCATCATTATCTAACATTATTTTTAGAAAAAAAATTGATTAATATTGAC
TAAAATAACAAGACAAATTAAATTATACAAAGGAAAATACTGATTAACATCTATT
TTTATAAAAGTAATTTTGTATTATTTATACCAATAATGTATATTTTCCTTTTGCAC
ATTTTACATGTTTAGTTTCACTTGTACCATGGTAATTATAACTAATATATGGTGTG
TATTTCCATTTCTCTAAGAATATATATATATCTCTTTTATGAACTTTTTTTTTTG
TCATGCACTGTCTCTCTCAATATATTAGGGGGAGCATGTGGATTTGGCGAATACG
GAAGGACGGTGAATGATGGCATGGTTGCAGCTGTATCTGGGCTATGGAATGATG
GACGTGGCTGCGGTGCATGCTATCAGGTTAATTTAAGGTGATTTCTTCCATACCCA
ACTAATTTGAGGGTATTATATACCCTTTTTACATGTTCTAATTAATTGGTGCCAAG
TGTATTCATTAATTCCAATCAGCAAATGAATTTTTAATAGAAAAAAAATTAGAAT
TGAGCTGTTGTATATGCTGTTGGAGAAAGAGAGAAGAACATAGAACCCTAATCCT
TTTCATCTAATTTTCGTCTTCTCTTTTTTATATTACAGAAAAAATTCGTTTTTCGTCT
TCTTTCCCTCTCCTTCGCTCTTAGGATATACCTTCTTTTTCCCTCCTTCTAATCTTCGA
AAGTCGTCGATCTTGTGCTGTAATTCAGAACAATCTATCGTTCTTTCACCCCATG
CCGTCACAATTTTATAATCATTGTTGGGAGGATTTAACCCAAGAATGATGGATTGTT
CTGAATTACAGCAACAAGATCAATGACTTTCGAAGATTAGAAGGAGGAAAAAGA
AGGTATATCCTGAGAGTGAAGGAGAGGGAAGAAGACGAAAACGAATTTTTTTGT
GAACATAGAAAAGAAAAGAAGACGAAATTAGATGAAAAGGATTAGCATTCTATG
TTCTTACCTCTTCTCTATCAGCATATAACAACAGCTCAATTCTAATTTTCTTTTCTT
TTTTTTCTTTTAAATAATTTATTTAAAGTTTACCACATATGATGGTTTAAATTAATC
AGAGTTAAATGTATGTACAATGTATTAAGATATGTATATATAAAGTCTTTAATAC
ATGTATTAATTCATTATTTTTTATTTTTAAAAATTA AAAATTTATTTGCTGATTGA
AATTAATGAATACACTTAGCACTAATTAATTGGAACATGTAAAAAGGGTATATAA
TACCTCAAATTAATTGGGTATCAAAGAAATCACCTTAATTTAAAGTTTTTTGACA
AGTTTAGACTGATTTTTTAAAGAGAGTAATGTTAAAAAGCCAACTTTTTTTACATTA
ATATCAGTTAATTTTTTAAAAATTTATTTTATTTTAAATTTTAGATTTTAAATT
GGAGAATTTTATTAATTTTGTATTTAATTTACTTTTTTATATTTAATAAATTATTGT
AATCCAATTTGTGTGTGTATAGATATATTATTGTTTGTAAATAATAAATTGTAAAG
AATGCATAATAAGTTTTCTATTGCTATTCCGATTCATTATTTATTTTAAACTCTTAC
ATAAGAAATAAGTTTTAAACATCTTTATCCATTATTCCTTCACTTTTCTTTTCCCTTC
TCTCCTTTCAAATGATTCAATCTCCTTTACCCAAAATTTGCAAGACACACTCTTAA

GATACGTTTGGTTTACGGTAAAGTCCACTCTCACTTTTATTACTCAACCAAACAGA
ATAAAAAAAAAATAAAAGAAAGCAAGAAAACAAAGTATATTGCAAAGTAAATTTAA
TTTCTCAATGAATAAATACCCAACCTTGATTCTTAAAAAAATTTAAATTAGACGCTT
TGATCTCTAACAAAATTTTGTCTATATAAGTCTTCAAGAATTACTTTTAACAGAT
TGATTCTTATTTTATTTGTCCAATACACATAAAAAATTGATTA AAAATGATTCAAG
GACGAATTTGTTCAAAGAGAATAATTCTTAAAGATTCTGAGAGAATAAAAATTTTA
TTGAAGACTAAAATGTCCAATCTAAAATTTTTTAAGAATCAAATTGAGTGTTTATT
CTTTATCAATTATACTTCTTTATTTATTATCAATACATATAACAAATAGTGATGAT
TCAGGTTAAATGTAAAGTACCAAATTTGTGCAATGTCAACGGGGTAACAGTGGGT
GCAACAGATTATGGTCAGGGAGACAGAACAGACTTCATATTGAGCCCACGAGCC
TTTAATAGTTTGGGTGTGAACCCTGATGCATCTAAAGAGCTAAAAAATACGGTA
CTCTTGATATTGCATACAAAAGAGTCCCTTGACATACCCTGGCCGCAACATTGTT
GTTAAGGTTCAAGAAAGTAGCAGCAACCCTGGATACTTTGCTGTGGTTCTTCAA
ACCTTGGTGGATCATAAGATGTCACTAATGTTGAATTGTGGGAGGTACAAATTA
ACATATAGTTAATAATAAGATTCTAATAACTTTTTTCATGTATATTATTGGCTAGC
TAGTTTTTATATAACTTGATTATTAACTAGTAAGTTATTTTCAATTTTGGAGCT
ATAACATCAATATAGTTATAGATTTATATGTTACCTCTCTAATTTTGCAGGATTCA
CGCAAACAATGGAGTCCATTGCGTAGGGTTTATGGGGCAGTGTTTGACTATGCTA
ACCCACCAAAGGGTCAACTCTTCTTGAGGTTCCAAGTGATTGGTTGTTACGGAAC
TTATTGGCAAATACCAAAGAAACCTATCCCTGCTGATTGGAAGCCCAAATGACC
TATGACACTGGACTTCAGCTTAAATAAGCTAATACAAAAACATCACTTTGGACC
CGAAATCATATAGTCTATCATAAATAAATAAATAGGTACCCTTATCAATACCAA
AAAAACAAC TAGGTACTCTTATTCCATTGAAAGTCTGATCTGATTGTTGTATTATA
TTCTGTGAATCTTAATGTGTGCATTGCTTAGTGACTTAGTCTTCTCGGAGACCACA
ATAATACATATTCATCATGTACCTGTATGTAAAATAAATTGTCAACAATAAATAG
TGTCATTTCTCCATTATTTTCGTTTTGTTTGGCTAATAATAATAATAATAATAA
TAATAATAATAATAATAATAATAATANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NNNNNNNNNNNNNNNAAACCACAATGAAATTA AATTAAATTG TACTAAATCAGTT
TAAAATTCAGAAAACCAAACCAACTATACTTTTTATTTTATCTTGGTGAACCGG
TTTTAAATTGTTGTAAAATAATTTAATTTACACGCGTTTTTTCAAATAATATCCT
TAGCTTCAACTATTTTCAGCTCTAAAACATGGGATGAATATCCAGCACATTGAAA
TCAACTATTCGAATCAAATCTTCACTTAGTTGGATAAGAATCTATCTTTTTCACT
TTTGCATGTATCGGTTTTTTTTATTTAAATTAATAAAAATACAATTTTACTTAATTATC
TAAATTGTCAAATAATTATCTATTTACATTACGTGACACATTTCGAATACTGTGTC
CCAAC TACTTTAAAAA