

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

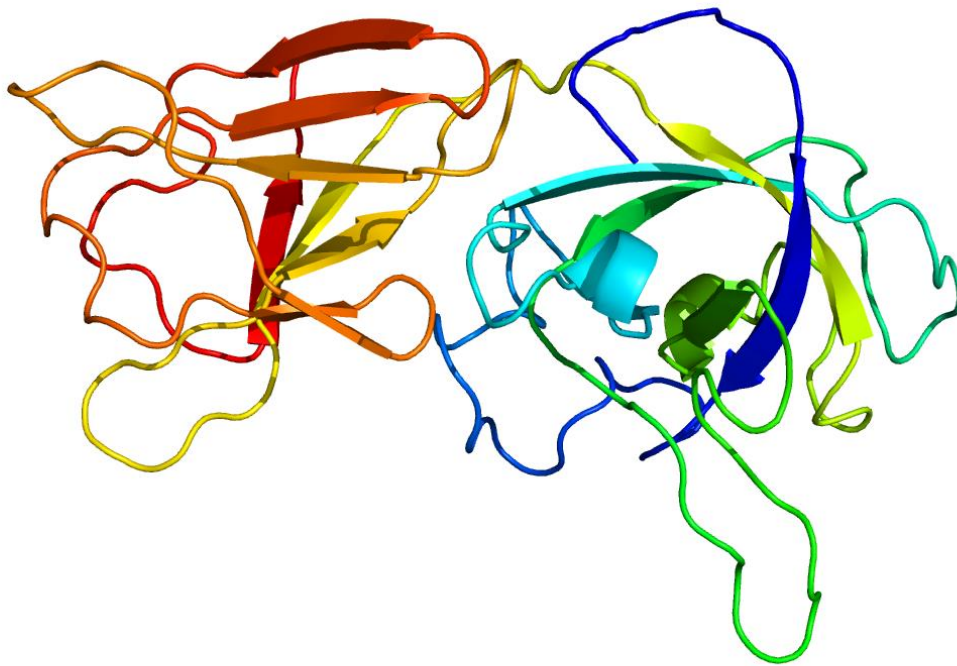
Locus: CsGy2G016740

Gene Model: CsGy2G016740.1

Description: CsEXPA-05

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

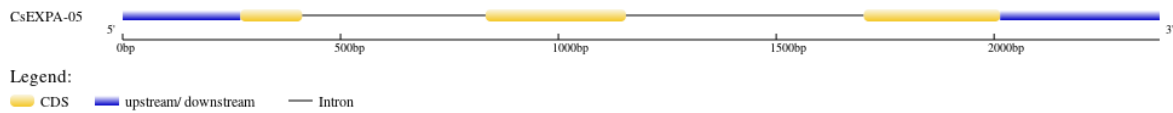
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

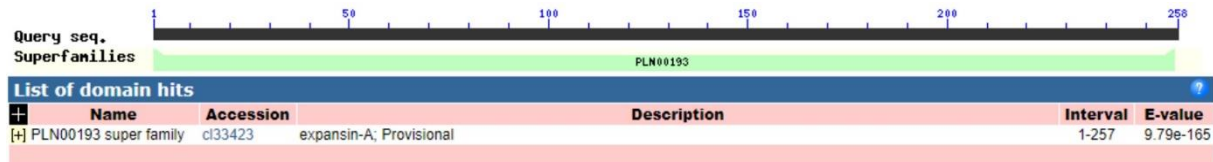
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXPA-05

MEKLPFAFAFFLALSNIFFLFVNAFTASGWAPAHATFYGESDASGTMGGACGYGNL
YQTGYGTRTAALSTALFNDGASCQCCKIICDYKTDPRWCIKGASVTITATNFCPPNY
ALPNNNGGWCNPPLKHFDMAQPAWQKIGIYRGGIIPVLYQRVPCCKRGGVRFVNG
RDYFELVLITNVGGAGDIKSVSIGSKSSNWTTPMSRNWGANWQSNSYLNQSLSKV
TTSDGQVQVFNNVVPSSWRFQTFASKVQFS

CDS (coding sequence)

>CsEXPA-05

ATGGAGAACTTCCTTTTCGCATTTGCCTTCTTTCTTGCTCTATCCAACCTTCTTCTTC
CTTTTTGTCAATGCATTTACCGCCTCGGGATGGGCTCCCGCCCATGCTACCTTCTA
TGGCGAGAGCGATGCCTCTGGAACAATGGGTGGAGCTTGTGGGTATGGAACTT
ATACCAGACGGGTTACGGGACGAGGACAGCAGCGCTGAGCACAGCATTGTTCAA
CGACGGAGCATCGTGCGGTCAGTGTTC AAGATCATATGCGATTACAAGACAGAT
CCACGGTGGTGCATTAAAGGAGCATCAGTGACGATAACAGCAACAAATTTCTGCC
CACCAAACCTACGCTCTACCAAACAACAATGGAGGGTGGTGTAAACCCTCCGCTTAA
GCATTTTCGACATGGCTCAGCCTGCTTGGCAGAAGATCGGCATTTACAGGGGCGGA
ATCATCCCTGTCCTCTACCAAAGGGTTCCTTGCAAAAAGAGAGGAGGTGTAAAGAT
TCACAGTGAATGGAAGAGATTATTTTGAACCTGTTCTAATAACCAACGTGGGAGG
AGCGGGTGACATCAAGTCAGTGTCTATTAAAGGCTCTAAATCAAGCAATTGGACC
CCAATGTCAAGGAATTGGGGGGCCAATTGGCAATCCAATTCCTATCTAAATGGCC
AATCTTTGTCCTTCAAGGTCACCACAAGTGATGGGCAAGTCCAAGTTTCAACAA
TGTTGTGCCTTCATCTTGGAGATTTGGCCAAACATTTGCCAGCAAGGTCCAATTCA
GCTGA

Nucleotide

>CsEXPA-05

CATTCCTTTTAAACAAAATACATGATTTAAAATTCTCAACAAATTTGAAAAGGA
TAGTCATATATTTTTGTAATATATTTTCAGAAAGAAAAGAAAAGAGACAACAATTT
GCTTGCAGTTGCCAGAGGTCACATGTGAGGTTGTTGGATTGGGGGATTTAGGGTT
CTTATTTAAGACATTCATTTGCTTCTCAATTCCTAAACCATCCTTTCTTCTTCATCA

TCTTCTTCTTCTTCAAAACTCTATCTCTCTCTTTCTGGCAATTAATAATGGAGAA
ACTTCCTTTCGCATTTGCCTTCTTTCTTGCTCTATCCAACCTTCTTCTTCCTTTTTGTC
AATGCATTTACCGCCTCGGGATGGGCTCCCGCCCATGCTACCTTCTATGGCGAGA
GCGATGCCTCTGGAACAATGGGTAAGTACACAATATTATATATCATTTACAATAA
AGTTTCTCTTTCGTGTTTCCATACTCAAGTCTACATATTTTCTAATCGTCAAAATTT
AAAGTAAAAGAAAAAAAATCATGAGCATTGGTTTTTCTAAAAGGTGAACAATCAA
ATGTATTTAGTCATATTTAATTTAATTTTCTTAAGATATATTATAACTTGTTATATA
AAGACAATAACAATGGTATGAGATAATATATAATATTTATATATTTTTGCTACATT
TACAATTTTGTGGTAAGAAATAAAAATCTTAAATTTTGTAAATTTAAAATTA AAAA
ACGACCCTTACGGGAAAGTGCACCTTAGATTAATACCATTGTCTTTTCTATGTAGA
AAAGCACAATATTAATTAACCTTTCATTGTGTTTACATATGTGAATATGTAGGTG
GAGCTTGTGGGTATGGAACTTATAACCAGACGGGTTACGGGACGAGGACAGCAG
CGCTGAGCACAGCATTGTTCAACGACGGAGCATCGTGCGGTGAGTGTTC AAGAT
CATATGCGATTACAAGACAGATCCACGGTGGTGCATTAAGGAGCATCAGTGAC
GATAACAGCAACAAATTTCTGCCACCAAACCTACGCTCTACCAAACAACAATGGA
GGGTGGTGTAAACCCTCCGCTTAAGCATTTCGACATGGCTCAGCCTGCTTGGCAGA
AGATCGGCATTTACAGGGGCGGAATCATCCCTGTCTCTACCAAAGGTATATTAT
TAACTTTTAACTTTTTAACTTGGGTTCGATTTGGTCTTTTCACTTTGGTGTTTTTGTT
TTAATTGTTAAAAGATTCTTAAACATTTAACGTGAGTTTTCAACGTAAGATGCTCC
ATCAGCCATGTGACCTAAATCAGAATTCAATCTAAAACAATTGGAATCTAATTTT
TAAAATATGGTGAATACAAGGAGCCAAATTCGTCTTTAAATTTCAATTTTGTATT
AGTAAACTTTTTAGATGTTCTTTTTTTTAAAACATAACAAGTTTATGAATTTTAAACC
ATGGGAATTTTAAATTGGAGTCACCTAAAATGAATTGTGGTGGGTATTATTGGTTCT
CTATATTTTAAATATTAATATAATAACAACACTCTCAAAATAATTGAAAAAAAAT
TACACACCTGAAAGCTTAGCCACAAAAATTAATAAAAACAACCTTCATAGTTTAT
GGACTAAAATAAGAACATACTCCAACAAAAACAATATATTGTATATAGTTGTAA
CATAAATGAGTTTGAATGTGGTTGATGATGATACAGGGTTCCTTGCAAAAAGAGA
GGAGGTGTAAGATTCACAGTGAATGGAAGAGATTATTTTGAACCTGTTCTAATAA
CCAACGTGGGAGGAGCGGGTGACATCAAGTCAGTGTCTATTAAAGGCTCTAAATC
AAGCAATTGGACCCCAATGTCAAGGAATTGGGGGGCCAATTGGCAATCCAATTCC
TATCTAAATGGCCAATCTTTGTCCTTCAAGGTCACCACAAGTGATGGGCAAGTCC
AAGTTTTCAACAATGTTGTGCCTTCATCTTGGAGATTTGGCCAAACATTTGCCAGC
AAGGTCCAATTCAGCTGAGGAAATTAAGACCCCGCTCGGGTCTAGGATCGTGGGT
TTAGGGGTGATCGGATTGGCAGAGGCGTGCCCAAGTGGTTTTTTTTTAAATCTACGG
AAGCAGCCCGCCATCTTAATTTTCACTATCTGGTTACCGTTTTTATGAAAAGATC
CACGACATTATTCCTAACTGATGGAAGTTTGAATTTGTGTGAGGAAAGTAATAAG
AAGCTAAAGGAAATTACTTTTGTGGCTTCAAAATATAGGTATCTTCAATTA CT CAT
ATAAAGTTTTTCTTTTTCTTTTATCTCTTAAAGTCAATTTGTAAGGTTGGTTTGTA
CAAGCTATATAATATATATATATATCAACAACCTTATTTTGTGGTTGTTAAA