

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

Locus: AUR62024921

Gene Model: AUR62024921

Description: CqEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

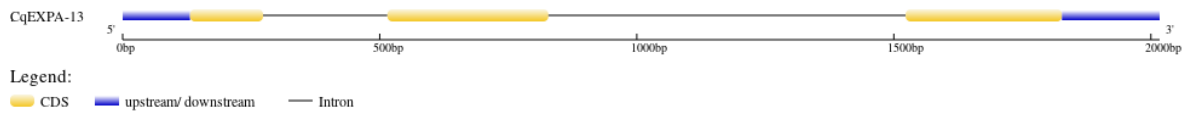
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. Superfamilies

PLN00050

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN00050 super family	cl31535	expansin A; Provisional	14-252	1.72e-124

SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-13

MAINTTFSISLVLILINVCVLGAYAGYGGWTNAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL
YSQGYGTSTAALSTALFNGLSCGSCYELRCNDDPRWCRPGSIIVTATNFCPPNPSLP
NNGGWCNPLQHFDLAEPSFLRIAQYRAGIVPVSFRRVPCVRKGGIRFTINGHSYFN
LVLITNVGGAGDVHSVSIKGSRTGWQPMSRNWQNWQSNLLNGQSLSFQVTASDG
RTVTSNNVVPANWQFGQTFEGGQF*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-13

ATGGCAATTAATACTACATTTTCAATTTCTTTGGTACTCATTTTGATCAATGTTTGC
GTACTAGGCGCTTATGCCGGTTACGGTGGTTGGACGAATGCTCATGCTACCTTTTA
CGGTGGAGGTGACGCTTCTGGCACTATGGGGGGAGCGTGTGGGTATGGAACTT
GTACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACCGCGGCACTAAGTACCGCGTTGTTTAAC
AATGGATTGAGCTGTGGATCATGCTATGAACTCCGATGCAATGACGACCCGAGAT
GGTGTGCGCCTGGTAGCATTATTGTGACTGCTACCAATTTCTGCCCTCAAACCCT
TCTTTGCCTAACAACAATGGTGGATGGTGTAAACCCTCCTCTTCAACACTTTGATTT
GGCCGAGCCTTCTTTCTTAAGGATTGCCCAATACCGTGCTGGAATTGTCCCTGTTT
CCTTCCGAAGGGTACCCTGTGTTAGAAAAGGAGGAATAAGGTTTACAATCAACG
GACTCTCTACTTCAACTTAGTCCTAATCACAAACGTTGGTGGTGCGGGCGACGT
GCACTCCGTGTGATCAAGGGTTCAAGGACCGGGTGGCAACCCATGTCAAGGAA
TTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCATTATTGAATGGGCAAAGCCTATCATTC
CAAGTTACAGCTAGTGATGGAAGAAGTGTACAAGTAACAATGTTGTTCTCTGCTA
ATTGGCAATTTGGACAAACTTTTGAGGGTGGTCAGTTTTAA

Nucleotide

>CqEXPA-13

ATTTGCAATTGCTTCCTTTGCTTGGCCTATATAAAGTAACACTTCTCCCAACTCAA
ACATCAACATTCATTTGCAACACTTACCCAAATACTCCAATCCTTATTTTCTCCA
CTTTTCTCAACAAAAAATGGCAATTAATACTACATTTTCAATTTCTTTGGTAC
TCATTTTGATCAATGTTTGCCTACTAGGCGCTTATGCCGGTTACGGTGGTTGGACG
AATGCTCATGCTACCTTTTACGGTGGAGGTGACGCTTCTGGCACTATGGGTAAGT
TCACAACACTACGGATTACAATATTAGACACGTACATTTACGTGTTTTAAACGTTAC

ATATTTAGCATTTCGCTAATATGTTAGCTAATTAATCATGATTAATTGTCACATTG
TCGCACATTATTATTATTTTTTTAATTATAATAATAATTATTTTAGAACAGAGG
GAGTATTTTTCTACACATAATGGTGTCCCGTGGTGATATATGTCTAATTGTAATAC
GATGAAAATGCAGGGGGAGCGTGTGGGTATGGAACTTGTACAGCCAAGGGTAC
GGGACTAGCACCCGCGGCACTAAGTACCGCGTTGTTTAAACAATGGATTGAGCTGTG
GATCATGCTATGAACTCCGATGCAATGACGACCCGAGATGGTGTGCGCCCTGGTAG
CATTATTGTGACTGCTACCAATTTCTGCCCTCCAAACCCTTCTTTGCCTAACACA
ATGGTGGATGGTGTAAACCCTCCTCTTCAACACTTTGATTTGGCCGAGCCTTCTTTC
TTAAGGATTGCCCAATACCGTGCTGGAATTGTCCCTGTTTCTTCCGAAGGTATAT
TATTTAATATCGTGTTCAATTTATTTCCACCTATCAAACGAGATACCTTTTACATC
GTCAAAAATTGACACGTAAGTGGTTTTCAACCGAGCAAAAAGTTAACACTAACTAA
GAGTACAGCCATTGGTTGCCCAAGCCAATGGTGGTCATCAAATATTTAATACATA
TCTCTTTTTTCCATCTCATTATGCTCAATTCTCATAACCCACCTATGACCATACATT
GGTTGCCCAACTTGCCTACTCATAAATAATTTCTTTATTATACTTGTACAAAG
AAAAATAAAATATAAATACTATCAGCCAATTACAAATGGACAAGTGGCGGACTC
AAATTCTTTGTCCACCTTTTGCCAAAGGTCATGGCCATGACCTGGTCATGGCATT
CTCTCTCCAAAATTGATGAAATTTATTTTTAAAATATTATTTTCAATTTCTCTCTCC
TCATGCCCACTACAAAAGGGCAACCAATGGGATTACCCTAAAAGAGTAACAGAG
TACTGTTAACCTTTAAAGTGGTTTTTATTAATAATATGTTTTTTTTGGACGTTTTTAG
CTGCCTAAGCGCTTAACTAGTTAGGCAAATAGACTTTTTATGTTGTACTCGTAACG
TTTTCTTTTGGTACCTATAATTGTACAAGTAGTCGAGTAGTACGCTAATACGTTA
CATGTTTGATAAATTGGCAGGGTACCCTGTGTTAGAAAAGGAGGAATAAGGTTCA
CAATCAACGGACACTCCTACTTCAACTTAGTCCTAATCACAAACGTTGGTGGTGC
GGGCGACGTGCACTCCGTGTCGATCAAGGGTTCAAGGACCGGGTGGCAACCCAT
GTCAAGGAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCATTATTGAATGGGCAAAG
CCTATCATTCCAAGTTACAGCTAGTGATGGAAGAAGTGTACAAGTAACAATGTT
GTTCTGCTAATTGGCAATTTGGACAAACTTTTGAGGGTGGTCAGTTTTAATTA
TTAAATTAATTAACATTTTATTGCCTAATTTTCTATAAAAATATTAATATTT
TGAAGAGTGTAATAAATAAATAATGTAATTATTTGGAAAGAGAGAGAAATT
GATAGGGAAAGGTGGTTGGCCATATATGTGGCTTGGAGTTGCTGTGGTGCCTAAT
GTTTGGCACCCGCTAAAGCC