

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

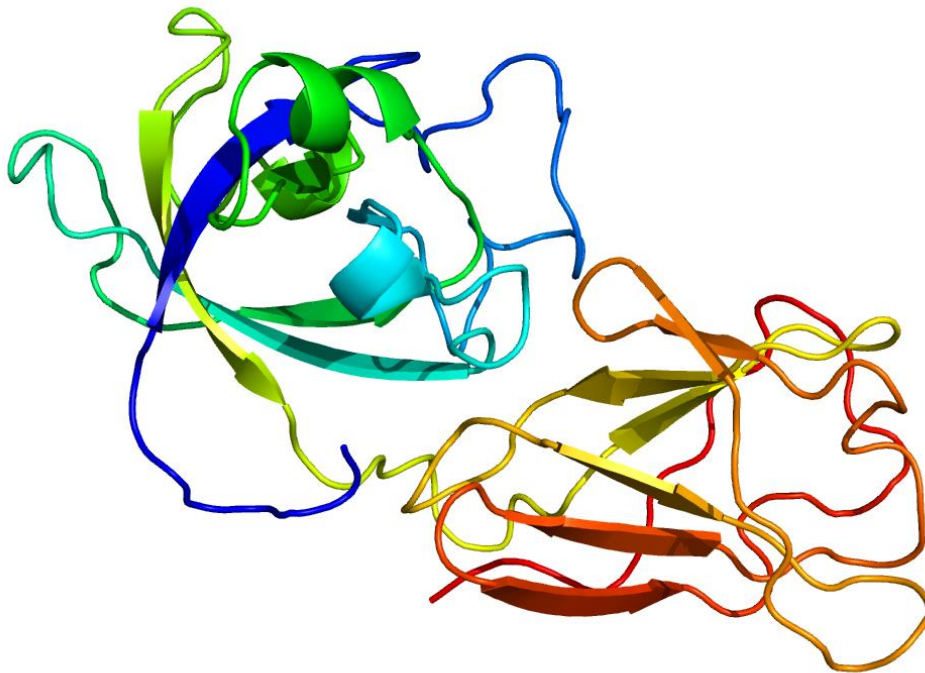
Locus: Medtr6g012520

Gene Model: Medtr6g012520.1

Description: MtrEXPA-20

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

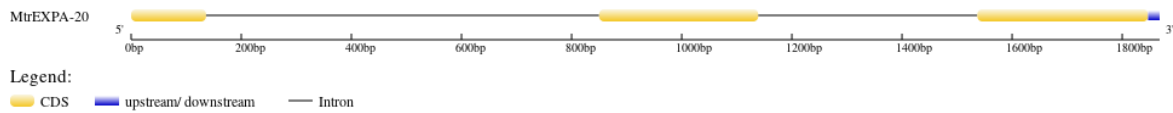
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

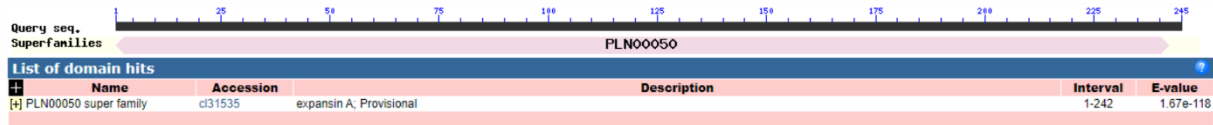
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-20

MSHLGFLVLGIIFSLISYVHGYGRNWGWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNGLSCGACYEIKCASDPKWCLHGSIVVTATNFCPPGGWCDP
PNHHFDLSQPVFQHIAQYKAGIVPVVYRRVRCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLVTNVG
GAGDVHSVAIKGSRTRWQAMSRNWGQNWQSN SYLNGQSLSFVVTTGNHGSIVSFN
VAPPSWSFGQTYTGRQFLY*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-20

ATGTCTCATCTAGGCTTTCTTGTCTAGGAATTATTTTCTCCTTGATCTCATATGTT
CATGGCTATGGTAGAAATTGGGGTTGGATTAATGCACATGCAACCTTCTATGGTG
GCAGTGATGCTTCTGGCACAATGGGTGGTGCATGTGGATATGGAACTTGTATAG
TCAAGGTTATGGGACTAATACAGCAGCACTTAGCACTGCATTATCAACAATGGT
TTGAGTTGTGGTGCATGCTATGAAATTAATGTGCTAGTGACCCAAAATGGTGTC
TCCATGGCTCCATTGTTGTTACTGCCACTAATTTCTGTCCACCTGGTGGTTGGTGT
GACCCTCCTAATCACCATTTTGATCTCTCTCAACCTGTTTTCCAACACATTGCTCA
ATATAAAGCTGGTATTGTTCCCTGTTGTTTATAGAAGGGTAAGGTGTAGAAGAAGA
GGTGAATAAGGTTCAACAATCAATGGTCATTCTTACTTCAATTTAGTCCTTGTGAC
TAATGTTGGAGGCGCTGGTGTATGTGCATTCTGTAGCAATTAAGGTTCAAGGACT
AGATGGCAAGCCATGTCAAGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGAGCAACTCTTAT
TTGAATGGACAAAGTCTTTCATTTGTAGTCACCACTGGTAATGGTCATAGTATTGT
GTCATTTAATGTTGCCCCACCCAGTTGGTCCTTTGGACAAACCTACACTGGAAGG
CAGTTCCTCTACTAA

Nucleotide

>MtrEXPA-20

ATGTCTCATCTAGGCTTTCTTGTCTAGGAATTATTTTCTCCTTGATCTCATATGTT
CATGGCTATGGTAGAAATTGGGGTTGGATTAATGCACATGCAACCTTCTATGGTG
GCAGTGATGCTTCTGGCACAATGGGTATGTATGTATGAAATTAATGTGTGCATAA
ACATAGCCATAGTTTTAAAATGTGGTTAATTGTTATGCTGCAAACCTTTACATTGC
GGTAAAATGCAGTTGAAATTGTGTCTGCATGTCGTTGTAGAGACCTCAAATCCT
TTATACTGCAGTTGCGAATAGCAATATGAAACCATGAGCATAGCTATGAATTTTG

TTGGTCAAAGTTATATATTTTTATGTTTCTAGCTATACTTTGTGGATATGTAACCA
TTGTTTTAATTACCGAACCAGACATCGAACCGTTGAGACTTCTTATTCATGGTTGA
ACTACCTTAAATTGCTCGAACTTCAACAAAACCCTAATTGAATTGCCAAAACCTAT
CAAGTCATTGTAAAGGGTGGTTCAAGGTTCAACTTGGTTGAACTGTCTGGTTCAC
TTCGGTTTTTAAAACATTGTTCCATAACTAACAAGAGGGGGGTAACCTTGGCGCA
ACTGGTAAAGTTGTTGTCATGTGACTGAAATGTCACGGGTTCAAGTCCTGGAAC
AGACTATTGTGTAAAAAATATGGTACGACTGCGTACAATACACCAAATGGTGGG
ACCCTTTCCCGAACCTACGTATGCGGAAGCTTTAGTGCACCGGGTTCATAAGT
AACAAATGTGTTTGCTAAAGTTTTGTACTTTATGTTTATACTATAATGGTTATGTA
ACAAAATCTAAAATTTTCAGGTGGTGCATGTGGATATGGAACTTGTATAGTCAA
GGTTATGGGACTAATACAGCAGCACTTAGCACTGCATTATTCAACAATGGTTTGA
GTTGTGGTGCATGCTATGAAATTAATGTGCTAGTGACCCAAAATGGTGTCTCCA
TGGCTCCATTGTTGTTACTGCCACTAATTTCTGTCCACCTGGTGGTGGTGTGACC
CTCCTAATCACCATTTTGATCTCTCTCAACCTGTTTTCCAACACATTGCTCAATAT
AAAGCTGGTATTGTTCCCTGTTGTTTATAGAAGGTAATTTAATGTTCTCATTTTTTT
TTTTTACCTTTATCCTTAACAATGTAGGAGGGTTTCTATAGTATTTTTATTTGGC
TTAATTTTAGTAATTTTATGTTTTTGTTCAGTTTGTATTTCGACCCATTAGAAT
TTTGTATTTCCTATTTAAGCTTAACAATTGTAGTCTAAGAGACAATTTGTATTC
ATTCAATAATATTTTAAAGGCCACCTCTGAAGAACTTCTGACGTCGTTATTAACA
ATTTAGATTCTTTACTTTAAAAAAGTTACAATAAGATCTTAAAAATGACTATATA
AGTGAATTTGTGCAAATATCATTATAATATTTTACTACTTGTTTGGCCATGATGC
TACTTTTTTCCTTCATGCATGCTTTTTGATTGAAGGGTAAGGTGTAGAAGAAGAG
GTGGAATAAGGTTCACAATCAATGGTCATTCTTACTTCAATTTAGTCCTTGTGACT
AATGTTGGAGGCGCTGGTGTGATGTGCATTCTGTAGCAATTAAGGTTCAAGGACTA
GATGGCAAGCCATGTCAAGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGAGCAACTCTTATTT
GAATGGACAAAGTCTTTCATTTGTAGTCACCACTGGTAATGGTCATAGTATTGTGT
CATTTAATGTTGCCCCACCCAGTTGGTCCTTTGGACAAACCTACACTGGAAGGCA
GTTCTCTACTAACAACCCTTTAAATGCATATA