

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

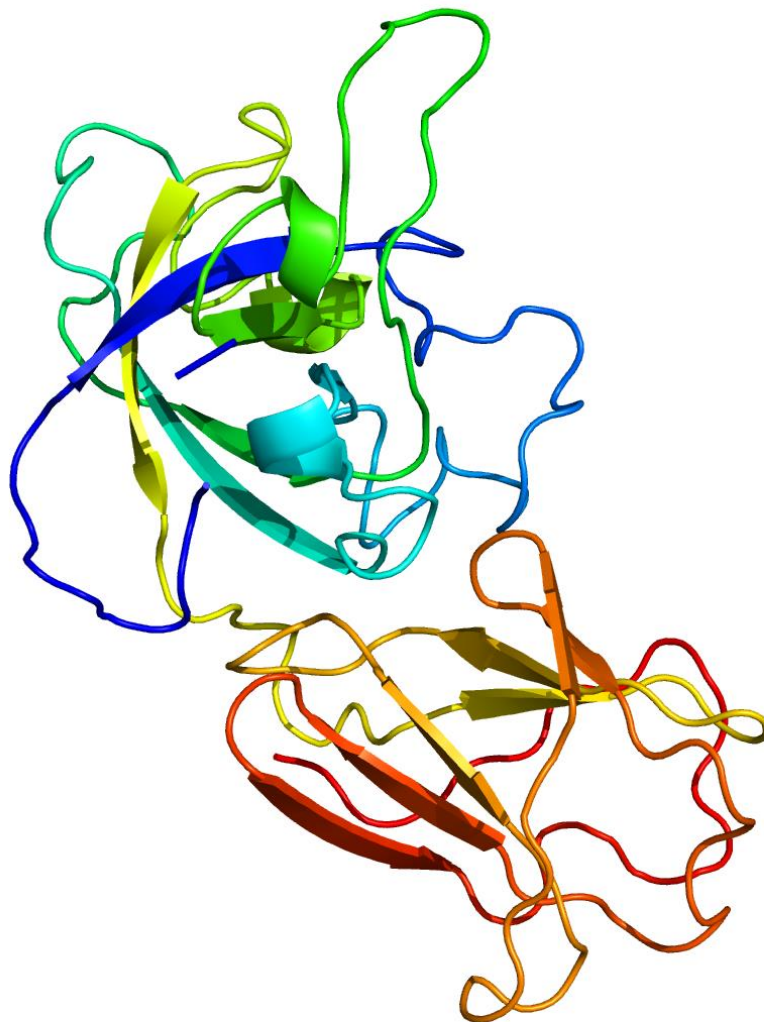
Locus: Medtr0040s0140

Gene Model: Medtr0040s0140.1

Description: MtrEXPA-30

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

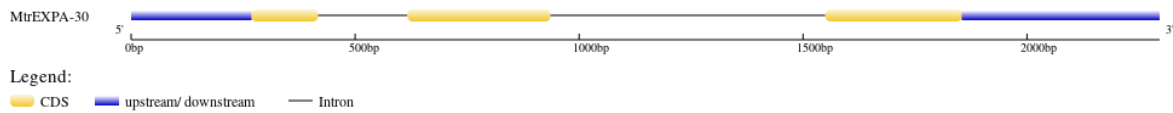
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

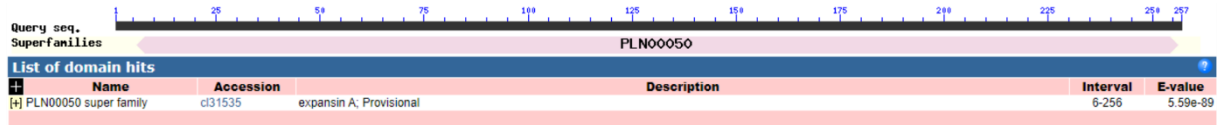
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-30

MLLSKMGVLLFTFLYLILLYSINIVAYKIQEWWKATATYAKDTEGSLITEGACGYGD
LHKASYGKHSVGLSTILFNRGSTCGACYEIRCVDHILWCMLGSPSVIVTATDFCPPNF
GLSVDYGGWCNFPREHFELSQAFAEIAKKGKADIPIQYRRVKCERSGGLKFTMSGSS
HFYQVLITNVGLDGEVFAVKVKGSRGTGWIPMARNWGMNWHCNVNLQHQPFSFEVT
SSTGKTLTSYNVAPPNWQFGQTFQGGKQF*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-30

ATGCTGTTATCTAAAATGGGTGTTCTTCTGTTACATTTCTCTACTTGATTTTATTA
TATTC AATCAACATTGTTGCTTACAAGGATCAAGAATGGAAGAAAGCCACTGCAA
CTTATGCCAAAGACACAGAAGGATCTCTAATTACAGAAGGAGCTTGTGGTTATGG
AGATCTTCACAAAGCTAGCTATGGAAAACATAGTGTGGATTAAGCACAATTTTG
TTCAACAGAGGGAGTACATGTGGGGCTTGCTATGAGATCAGATGTGTTGACCATA
TCTTGTGGTGTATGCTTGGAAGTCCTTCTGTTATTGTTACTGCCACTGATTTCTGTC
CTCCTAATTTTGGCCTCTCAGTTGATTATGGTGGTTGGTGTAAC TTCCAAGAGAA
CATTTTGAGTTGTCACAAGCTGCATTTGCTGAAATTGCTAAGGGGAAAGCTGATA
TTATTCCATTCAATATAGAAGAGTGAAGTGTGAAAGAAGTGGAGGGTTGAAATT
CACAATGAGTGAAGTTCTCATTCTATCAAGTCCTGATAACTAATGTGGGGTTA
GATGGTGAAGTTTTTGTGTGAAAGTGAAGGGATCTAGAACAGGATGGATACCA
ATGGCAAGGAATTGGGGAATGAATTGGCATTGCAATGTCAACCTTCAACATCAGC
CTTTGTCCTTTGAGGTAACCAGCAGCACTGGAAAAACACTCACATCTTACAATGT
AGCACCTCCAAACTGGCAATTTGGACAAACATTTCAAGGAAAACAATTTTAG

Nucleotide

>MtrEXPA-30

GTAGTTTTTTTTTATAGTATTAATACATAAAAAATATTATTTTTAGAACAAAAGTA
TACCTAATAATCCACCGTAAAATTTGTCAATGTTTCATATGTGGATCTTTAAGCGG
AGGTATCCTGATATGTAGGTAGAAAATTA AAAACCCTTTTCTTATGGTTTAATTAAT
CCTCTACTATCTTAGCACCATTACCTCACATATGAGAAAAAAAACAAAAACCTAA
AAGTAAATTATATCATTTTAAAGTAATGATGATAATCAGTATCTAAATGCTGTTAT
CTAAAATGGGTGTTCTTCTGTTTCACATTTCTCTACTTGATTTTATTATATTCAATCA

ACATTGTTGCTTACAAGGATCAAGAATGGAAGAAAGCCACTGCAACTTATGCCAA
AGACACAGAAGGATCTCTAATTACAGGTACTTTTCTTGCTCCTCCTTTGGTTCATA
ACAGCAACATTAATAGTCTTGTTTTGTCAAATGTACATGATTTTGTCTCGTGAGC
TTAGCTCAGTTGGTATGGACAATGTATAATATATGCAAGGTCCAGTTTCAAACCC
CAGCCACCACAAAAAATAAATGTACATGATTTTGTGTGCATGTGAT
GCAGAAGGAGCTTGTGGTTATGGAGATCTTCACAAAGCTAGCTATGGAAAACAT
AGTGTGGATTAAGCACAATTTTGTTC AACAGAGGGAGTACATGTGGGGCTTGCT
ATGAGATCAGATGTGTTGACCATATCTTGTGGTGTATGCTTGGAAGTCCTTCTGTT
ATTGTTACTGCCACTGATTTCTGTCCTCCTAATTTGGCCTCTCAGTTGATTATGGT
GGTTGGTGTAACTTTCCAAGAGAACATTTTGAGTTGTCACAAGCTGCATTTGCTG
AAATTGCTAAGGGGAAAGCTGATATTATCCCATTC AATATAGAAGGTAGATAGA
TTTTTTAAAAGTGTTTTTGGGATGTTTTTGCATAAACAACCTTAATTAATCTTAT
TTGGTTAATGATGTTTATATAAGCGCTTATGTATAAACAATTTTATAATCATAGA
AAAATGTCCTTGAACGTTTTCATATAAACTTTTGACTCAATTACACATTTGGTTC
TTAAGTTATTTTAACTTTCATTTTAGTTCCTTGTGTTTTT TAGTTTCATTTTGGTT
GTGATTTAAGAGACTAATCTTAAATTGTAATTTAACCTAATCTTTTTTGCCCTTTT
TATTAGCTATGTTATAGAGCTTAGTAAAATAAGTCATAAAAATAATGGGTCTTGTT
AACCGGTGCTCCTGACGCACTGGTTAAAGAAGGCAAAAGAGGAAATTTTAACTC
AAAATAACACTTTTTTAACTTTTAATGCATTGATTACAGA ACTTTTTCAAGGTA
AATACTATCATATTTGATTTCTGTTTTTGTACTGCCACCGGTTAACCTGTTTTTGT
TACTGCCACCGGTTAACATTTTCTAAAACAATTTATAAACATGTTATAAGTTTTC
TTATAAACTCTTCAAATTTTGTGTTGTGAAAATGTGATGCAGAGTGAAGTGTGA
AAGAAGTGGAGGGTTGAAATTCACAATGAGTGGAAGTTCTCATTCTATCAAGTC
CTGATAACTAATGTGGGGTTAGATGGTGAAGTTTTTGTGTTGAAAGTGAAGGGAT
CTAGAACAGGATGGATACCAATGGCAAGGAATTGGGGAATGAATTGGCATTGCA
ATGTCAACCTTCAACATCAGCCTTTGTCCTTTGAGGTAACCAGCAGCACTGGAAA
AACACTCACATCTTACAATGTAGCACCTCCAACTGGCAATTTGGACAAACATTT
CAAGGAAAACAATTTTAGGCTTCAAAGAATCATGGTAGACCAAAAACGGTATAT
TTGCTCATGATTCATGATCAAAGAATTGTGCAAGTGTGATTGAAAATGATGGTTA
TAGAACATTTTGTATATAAAATTGAGCCAATGGTATACACGCACGACTCAAAGT
CTTACAATTCACCAACCAAAAAAGGAGTCATTGACGAAGTCTATTAACCAAGAA
GAGCAACTCATTTTATTCTCCATCATGCAAATTTAATTA CTATCTTGCTTTAGTTTT
TTATGGTAAATTAATTTTTATTTGTTTGATAGAATTTTACATTTTAATATTAGTTT
TAATTTAGACCTTTATTTTGAAAAAGTAAAAGCCATACCAAACAGGCTATTAGTC
CCTTATACCCGA ACTGAACTGAGGCTATGCTGCCCTTTGAATAATTGTGGATAAA
CGTATCCAATACCGATG