

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

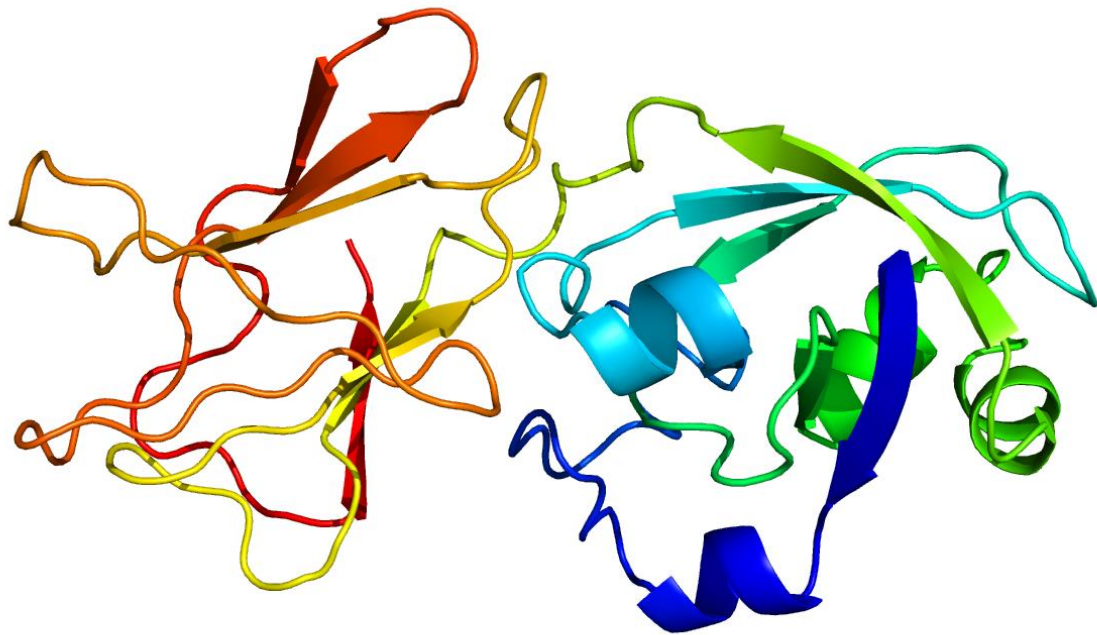
Locus: AUR62018846

Gene Model: AUR62018846

Description: CqEXLB-03

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

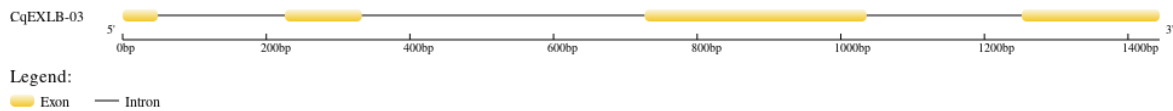
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

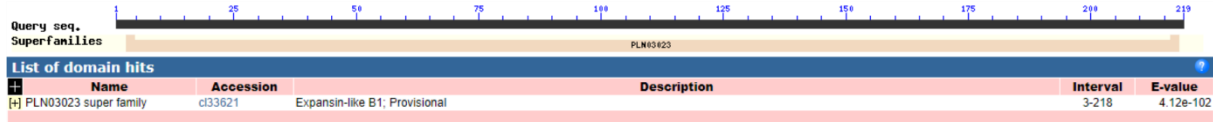
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXLB-03

MCKATYYGSSYCKSFVPGACGYGPYGKTANGVYVAAISKLFRNGTGCGACYQVKC
KAPECNEEGVKVVATDHAFTYDADFILSAKVYAKMAKPGKEMDLLDFEYVNIEYER
VPCKYPGKNVMVKVHEHSFFPHYLALVLLNQGGMYDITAVEIYEEDTQDRKAYGAV
WDMHNPPKGELTMRFYACSGTTEGKWMVASNVVPA YWKAGLTVETNVQLS*

CDS (coding sequence)

>CqEXLB-03

ATGTGTAAAGCAACCTACTATGGTAGCTCGTATTGTAAATCGTTTCCAGTTGGAG
CATGCGGATATGGTCCCTATGGTAAAACCTGCTAACGGAGTTTATGTAGCAGCAAT
CTCTAAACTCTTTAGAAACGGAACCGGTTGTGGTGCTTGTATCAGGTAATAATGC
AAGGCGCCAGAATGCAACGAAGAGGGTGTGAAGGTTGTAGCTACGGACCATGCG
TTCACCTACGACGCAGATTTTATCCTAAGTGCCAAAGTTTACGCCAAAATGGCTA
AGCCAGGAAAAGAGATGGACTTGCTCGATTTTGAGTATGTAAACATTGAATACGA
AAGAGTTCATGCAAATATCCTGGCAAAAATGTCATGGTTAAGGTCCATGAACAT
AGCTTTTTCCACATTACTTAGCCTTGGTCCTCTTGAATCAAGGTGGAATGTATGA
TATCACCGCGGTTGAGATTTATGAGGAGGATACACAAGATAGAAAGGCATACGG
CGCGGTTTGGGACATGCACAATCCTCCGAAAGGGGAGCTCACAATGAGGTTCTAC
GCTTGCGGCAGTGGTACCACTGAAGGCAAATGGATGGTTGCTTCTAATGTTGTTC
CTGCTTACTGGAAAGCTGGTCTTACCGTTGAACTAATGTTCAACTTTCTTAA

Nucleotide

>CqEXLB-03

ATGTGTAAAGCAACCTACTATGGTAGCTCGTATTGTAAATCGTTTCCAGGTAAGT
TATACATTATTGTTCCAATTTATGATAAATCATAAATGATTCTTTTGTCTATCTAG
AATTAATAGTCGCATATAATCACATTAGTTTAACTACTAGCGTGATAAATATAA
TCTGGATGGAGTATTATGATTTTTTTATTTAATGTCGTCGTTTTTTATTATGTGCAA
TAGTTGGAGCATGCGGATATGGTCCCTATGGTAAAACCTGCTAACGGAGTTTATGT
AGCAGCAATCTCTAAACTCTTTAGAAACGGAACCGGTTGTGGTGCTTGTATCAG
GTACATACTTATATATGTATCCTCTCTATTTACTCTAAACCTAATACTAACATA
CATTTTTATTGTCATCCATTACTTCTTTAAATGTGGTACCGAGTAATGATATAATT
TAAATTAATCCGCGATGATAAAAAAATATAAATATACATCGTGATTGATAAATT

TTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAACCAATATCGATAAGTTTTAATATAAA
CATTATAACATAAGATTTCCATACAAAATTATACATAAATTAATTCAACTTTAT
AAATCATAATAACACGAGTATTACAGCACAGCGTGCGTATCATACACGTCGTTAT
GTTATGGTTAAACATTAATATACTTACAAAGGTGTACTAATTTTGAATTGGATGT
AGGTAATAATGCAAGGCGCCAGAATGCAACGAAGAGGGTGTGAAGGTTGTAGCTA
CGGACCATGCGTTCACCTACGACGCAGATTTTATCCTAAGTGCCAAAGTTTACGC
CAAAATGGCTAAGCCAGGAAAAGAGATGGACTTGCTCGATTTTGAGTATGTAAA
CATTGAATACGAAAGAGTTCCATGCAAATATCCTGGCAAAAATGTCATGGTTAAG
GTCCATGAACATAGCTTTTTTCCCACATTACTTAGCCTTGGTCCTCTTGAATCAAGG
TGGAATGTATGATATCACCGCGGTTGAGATTTATGAGGTATATATGCACAACAT
CATATTTATAATTCGTACGTATATAATAATTGAGTTATGCTCGATTTATTTGGTAG
ATAGAGCTCCTTAAATGAACTAATGAGCTAAAAAATAGTCTTGGTTGTAAGTAA
ATGTTATACTTGTACTTATTTTCTGATACGTATATTTTGTACTTTAAATAATTTTCG
CTAACCTCCTATAAACATCTATCTATGTAGGAGGATACACAAGATAGAAAGGCAT
ACGGCGCGGTTTGGGACATGCACAATCCTCCGAAAGGGGAGCTCACAATGAGGT
TCTACGCTTGCGGCAGTGGTACCACTGAAGGCAAATGGATGGTTGCTTCTAATGT
TGTTCTGCTTACTGGAAAGCTGGTCTTACCGTTGAACTAATGTTCAACTTTCTT
AA