

IDENTIFICATION

Species: *Daucus carota*

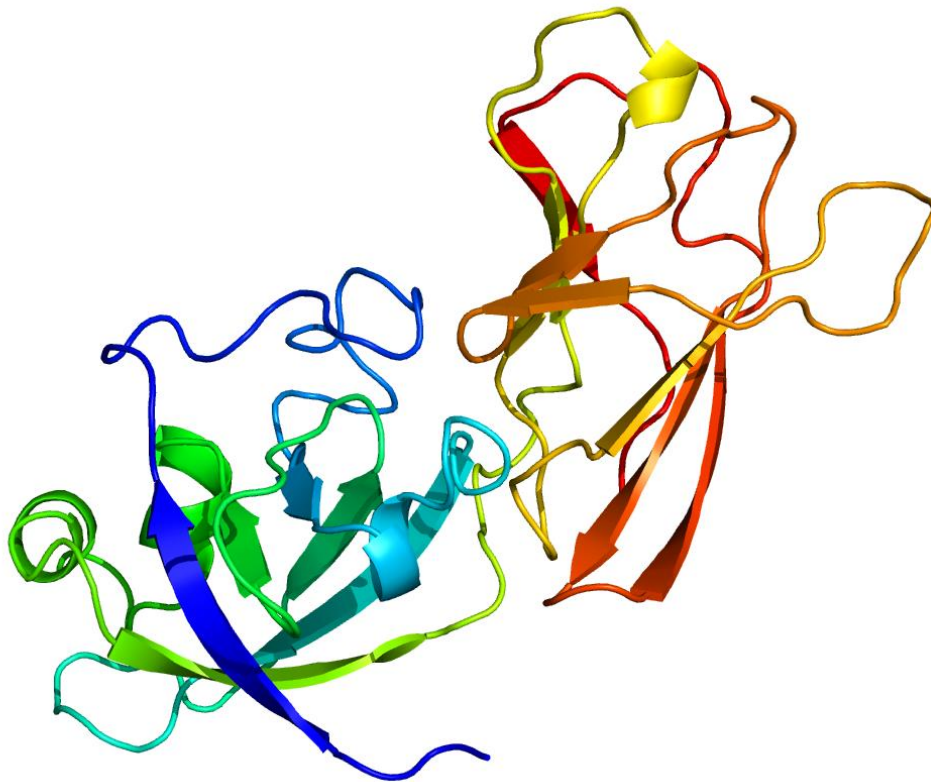
Locus: DCAR_003207

Gene Model: DCAR_003207

Description: DcEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

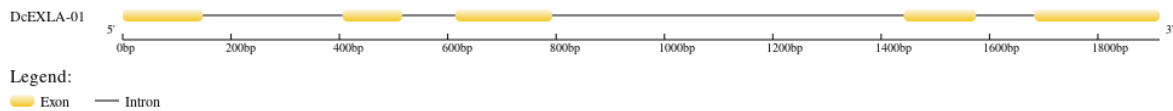
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Dcarota_v2_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05350>

EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>DcEXLA-01

MGFGHIKFLSAASLLFVISM LSSSAEAKCEGKCVFQSKAAFFSSPSALSSGACGYGSLA
LGFSGGNLAAAVPSVYKNGAGCGACFLIKCKNSKLCSKEGTRIVVTDLNKSNETDFV
LSSDAFKAMATKGMGDSLLKHGIVDVYRRVPCDYKNKNLAIRVESSNKPNYLAI
KFLYQGGQTEIVAVDVATVGAANWNFMSRNYGAVWDTSRVPKGALQFRFVVTQGF
DGLQLWANKAVLPADWKTGVIIYDTGVKVT EIAQDGCYPC*

CDS (coding sequence)

>DcEXLA-01

ATGGGTTTCGGACATATCAAATTTCTTTCTGCTGCTTCTCTCTTGTGGTAAATCTCG
ATGCTTTCATCATCGGCCGAGGCTAAAGAATGTGGCAAATGTGTTTTTCAATCCA
AAGCTGCTTTCTTCTCTAGTCCTTCTGCACTCTCATCTGGGGCATGTGGATATGGT
TCATTGGCGCTAGGATTCAGTGGGGGTAATCTTGCAGCTGCAGTTCCTAGTGTTTA
CAAAAATGGTGCTGGTTGTGGTGCTTGTGTTTCTGATTAAATGCAAGAACTCGAAA
CTTTGTAGTAAAGAAGGAACAAGAATTGTAGTAACTGATCTTAACAAGAGTAATG
AGACAGACTTTGTGCTAAGCTCTGATGCTTTC AAGGCTATGGCGACCAAGGGCAT
GGGGGACTCTTCTCAAACATGGGATTGTTCGATGTGGACTATAGAAGAGTACCT
TGTGATTATAAAAACAAGAACTTAGCTATAAAGGGTGAAGAATCAAGCAACAAG
CCAAATTACCTGGCAATCAAATTCCTCTACCAAGGTGGTCAGACTGAAATCGTTG
CAGTTGATGTTGCTACGGTTGGTGCTGCAAATTGGAATTCATGAGCCGAAACTA
TGGCGCGGTTTGGGACACAAGTAGAGTGCCGAAAGGGGCGCTGCAGTTCCGGTTT
GTGGTGACACAAGGATTTGATGGATTACAGTTGTGGGCAAACAAAGCAGTGTTAC
CAGCTGATTGGAAGACTGGTGTGATTTATGATACTGGTGTAAAGGTCACAGAGAT
TGCCAGGATGGTTGTTATCCTTGTTAA

Nucleotide

>DcEXLA-01

ATGGGTTTCGGACATATCAAATTTCTTTCTGCTGCTTCTCTCTTGTGGTAAATCTCG
ATGCTTTCATCATCGGCCGAGGCTAAAGAATGTGGCAAATGTGTTTTTCAATCCA
AAGCTGCTTTCTTCTCTAGTCCTTCTGCACTCTCATGTAAGCCTTTCTTTTCTTTT
AGTATATACAAAATTTTGTGGAGGCTAAATAATAAATATATCTTAAATACTTGT
CAAACAGTTTGACAAAAAAAAGTATAAAGAAATGAGAGAGGTTCGGTGAGCTAAA

ATATATTTAGCCTCCACAAAATATATTTTATTAGAACGTTAAAATATGTGTTGAGC
TCCGTCGTCAACAATTGAGTGGGAAGGAGTAATATAGTCAAACATTATATTATGT
GATTATTTATGATGCAGCTGGGGCATGTGGATATGGTTCATTGGCGCTAGGATTC
AGTGGGGGTAATCTTGCAGCTGCAGTTCCTAGTGTTTACAAAAATGGTGCTGGTT
GTGGTGCTTGTTTTCTGGTAACTTTTACATTCATCTTAACTTGTGATATCTTTTCT
CAATTGGATTCTGATATTTTTATAATTTTTATACTAAATAAGAAGATATCGGTTGC
AGATTAAATGCAAGA ACTCGAACTTTGTAGTAAAGAAGGAACAAGAATTGTAG
TAACTGATCTTAACAAGAGTAATGAGACAGACTTTGTGCTAAGCTCTGATGCTTT
CAAGGCTATGGCGACCAAGGGCATGGGGGACTCTTCTCAAACATGGGATTGTC
GATGTGGACTATAGAAGGTCAGACCCAAATTTATAAATAAATTTGATAATTTGTA
ATAAGTTATAATTAATAAATAAATGCTTTGGCTTCAGCGTATTGATAAAGTGGGA
TAATGAGGTTTTGTTGCACACTTGCACCCACCATATGAAAAGTAGGAAAAGGGTC
CATTTTCTCACACAATATTTGCTGGATCTTCTGGCATGCAGGACCAAACTGTATA
TGTATATATATTTTATACTATATAGTGTATATAAATTCAAGGACGGATTTAGTAAG
GGACATGAGGACGTATCCGTTTTAACAAATTTTCAACATTTTTTTCATTATTATAAA
TTTTATAAAAATTTAAAAATGCTCTCATAAATTTTAAAAATCATAAAAAGAGTTTGCC
GAAAATTTACTTTTATCCCTGGCAAAAAAATATTCTAGACCGCCCCTATGTATA
CATGTGTGCGTGTTATTGAACTGTCCATTTATGCACATGCTGTATTAATGCTTGTG
TTACA ACTTCACAGTTATGGCAACATGAAACGGATTACATGGATCAGTTCTGATA
TCTGAGCATGTGTTTCTGTTCTGAAATGTTTATATTAATTTTGATTCTTAATTAAT
TGATTATATGTATAAATATGTGCTTAGCACTGATGTGTGTGATTAATGTGGCAGA
GTACCTTGTGATTATAAAAACAAGAACTTAGCTATAAGGGTGGGAAGAATCAAGC
AACAAAGCCAAATTACCTGGCAATCAAATTCCTCTACCAAGGTGGTCAGACTGAAA
TCGTTGCAGTTGATGTTGCTACGGTAATTAATTAATTTTAATCCAGTCTGATAGCA
AAAAACA ACTGTAAATAATTTCTGGGGATATAGTGTAAAATGTTATTAATTA
CAGTGAATTTGAAATGGTAGGTTGGTGCTGCAAATTGGAATTTTCATGAGCCGAAA
CTATGGCGCGGTTTGGGACACAAGTAGAGTGCCGAAAGGGGCGCTGCAGTTCCG
GTTTGTGGTGACACAAGGATTTGATGGATTACAGTTGTGGGCAAACAAAGCAGTG
TTACCAGCTGATTGGAAGACTGGTGTGATTTATGATACTGGTGTTAAGGTCACAG
AGATTGCCCAGGATGGTTGTTATCCTTGTTAA