

IDENTIFICATION

Species: *Carica papaya*

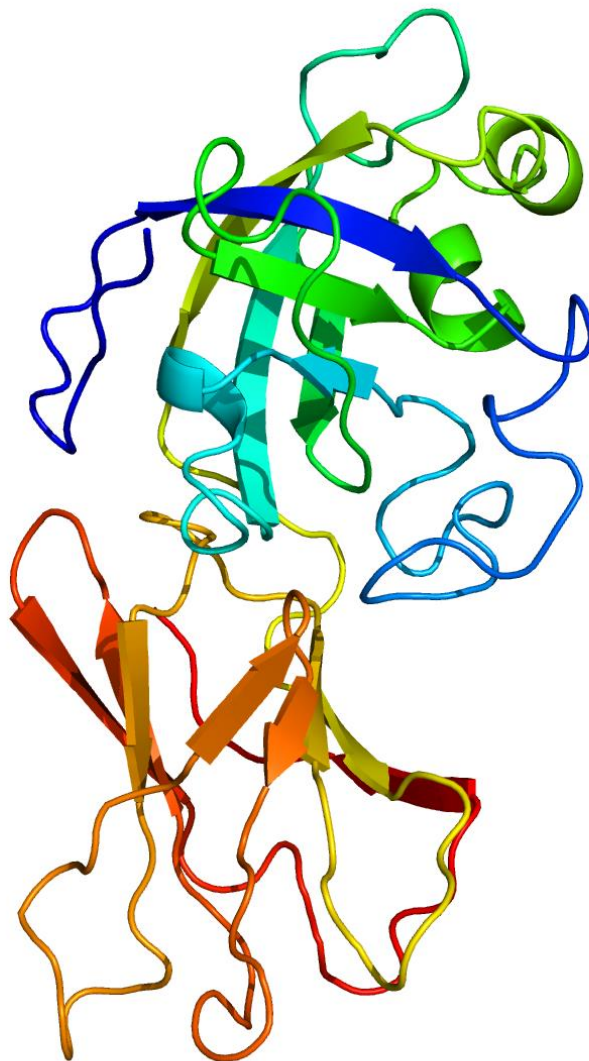
Locus: evm.model.supercontig_49.141

Gene Model: evm.model.supercontig_49.141

Description: CpEXPB-02

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cpapaya_ASGPBv0_4

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05151>

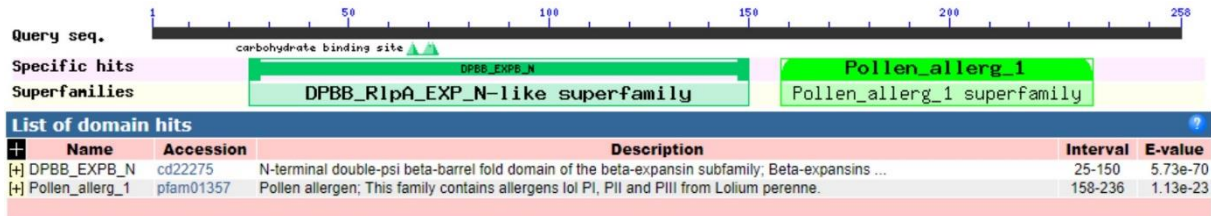
EXTERNAL RESOURCES

<http://asgpb.mhpc.hawaii.edu/papaya/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CpEXPB-02

MLFNFSYCFCSKLNHNSFSQFDSNWSPAATWYGSPNGAGSDGGACGFGNIVGQPPF
SSMVSAGGPSLFKKGCHGCGACYQVKCTSDVNKACSGNPVIVVITDNCPPGGPCASDSV
HFDLSGTAFGAMANSGGAEQLRSIGKLTIQYRKVNCNYHGKTMTFHVDSGSTSNYF
ATLIEYVDGDGELTKVELKQALNSDTWLTMQNLWGALWKLNSASTLRAPFSIRLTV
AGTGETVVANNVIPVNWKAGQTYQSLVNFKH*

CDS (coding sequence)

>CpEXPB-02

ATGTTGTTTAACTTTTCTTACTGTTTTTGCTCTAAATTGCATAATTTTTCCTTCTCA
CAATTTGATTCTAATTGGTCACCTGCTGCTGCTACCTGGTATGGTAGCCCCAATGG
TGCTGGTAGTGATGGTGGAGCTTGTGGATTTGGGAATATTGTGGGTCAACCTCCG
TTCTCTTCAATGGTATCAGCAGGAGGTCCTTCCCTCTCAAAGGATGCCATGGATG
TGGAGCATGTTACCAGGTCAAGTGCACATCTGATGTAATAAAGCATGCTCTGGA
AATCCAGTTATTGTAGTCATTACAGATAATTGCCAGGAGGTCCATGCGCATCAG
ACTCAGTTCAATTCGATCTAAGTGGTACTGCTTTTGGAGCCATGGCCAATTCTGGT
GGTGTGTAACAACCTTCGCAGTATTGGAAAGTTAACAATCCAATATAGAAAAGTA
AACTGCAACTATCATGGAAAGACAATGACTTTCCATGTTGATTCAGGCTCCACCT
CCAATTATTTTGCCACCCTAATTGAATATGTAGATGGAGATGGAGAGCTTACTAA
AGTTGAATTAACAGGCTTTAAACTCAGACACTTGGCTTACCATGCAAAATTTA
TGGGGTGCCTTTGGAACTTAATCCGCCTCTACTCTTCGTGCTCCTTTTTCTATC
CGGTTAACTGTAGCGGGAAGTGGTGAAGTGTGGTTGCTAATAATGTAATTCCTG
TTAATTGGAAAGCAGGTCAAACATATCAGTCACTAGTCAATTTTAAACATTAA

Nucleotide

>CpEXPB-02

ATGTTGTTTAACTTTTCTTACTGTTTTTGCTCTAAATTGCATAATTTTTCCTTCTCA
CAATTTGATTCTAATTGGTCACCTGCTGCTGCTACCTGGTATGGTAGCCCCAATGG
TGCTGGTAGTGATGGTAATCTCCTATTTACACACATACAACACCATTATATACT

GCATTCGTCTAACATGTATATATGTATATCATATAGGTGGAGCTTGTGGATTTGGG
AATATTGTGGGTCAACCTCCGTTCTCTTCAATGGTATCAGCAGGAGGTCCTTCCCT
CTTCAAAGGATGCCATGGATGTGGAGCATGTTACCAGGTACCTTATATACCAACT
TACGATCTTCATTTCTAACATTTAGGATTTTGTTTTTAGTTTTACCTAAAAAAGT
ATTCTCGACTCAATTTTTAATACTTAAAATGATTTTTAAAGTAAATCCTTCCAC
GTAGCATTGTGAATTTATAATTTTATTTTTAAAACATTACTAACGAGAATTGAACT
AAAATCGAATTGATTAATAAATGAGTGTATATCTATAAAAATTATTTTTCTAAA
AAATTTTATTCTTTACCATATTTTGTAAAAAAATTTTAAAAAGTTTAAATCAATAA
TTGTTATTTCCCTCATTATCAAAATGTGATTGTTTAAATTAGCAACTGTGTGTCTAAA
AAATTTTCAGTGTATAATATTTATGTAAATTAATATAATTTTGATAGAAGTAAA
CTTTAACTTAATATAATATATATATATATATATAATAGGAGAAATAAAAA
AATATATATATTATTTTATGAGTACAAATAATAGCTTGATGAAGTGACGAATAAA
TTGAAAATATTGGTAGACTTTCCTTTGAAATATACATATATTTAACATTTGATTC
TTATTGTTGGCTGCTGGTAACTAAGGATTGGTGAATGTTTTTATTAAGGTCAAGTG
CACATCTGATGTAAATAAAGCATGCTCTGGAAATCCAGTTATTGTAGTCATTACA
GATAATTGCCCAGGAGGTCCATGCGCATCAGACTCAGTTCATTTGATCTAAGTG
GTACTGCTTTTGGAGCCATGGCCAATTCTGGTGGTGGTGAACAACCTTCGCAGTATT
GGAAAGTTAACAATCCAATATAGAAAGTAACTAATAATTTCTCATTACTGTTTA
TTTTTCGTTTCTTTAATCAATACGTAATATTTTCCTTAAAATTTTAAACAGAGTAAA
CTGCAACTATCATGGAAAGACAATGACTTTCCATGTTGATTCAGGCTCCACCTCC
AATTATTTGCCACCCTAATTGAATATGTAGATGGAGATGGAGAGCTTACTAAAG
TTGAATTAACAGGCTTTAACTCAGACACTTGGCTTACCATGCAAAATTTATG
GGGTGCCCTTTGGAACTTAATTCCGCCTCTACTCTTCGTGCTCCTTTTTCTATCCG
GTAACTGTAGCGGGAAGTGGTGAAGTGTGGTTGCTAATAATGTAATTCCTGTT
AATTGGAAAGCAGGTCAAACATATCAGTCACTAGTCAATTTTAAACATTAA