

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

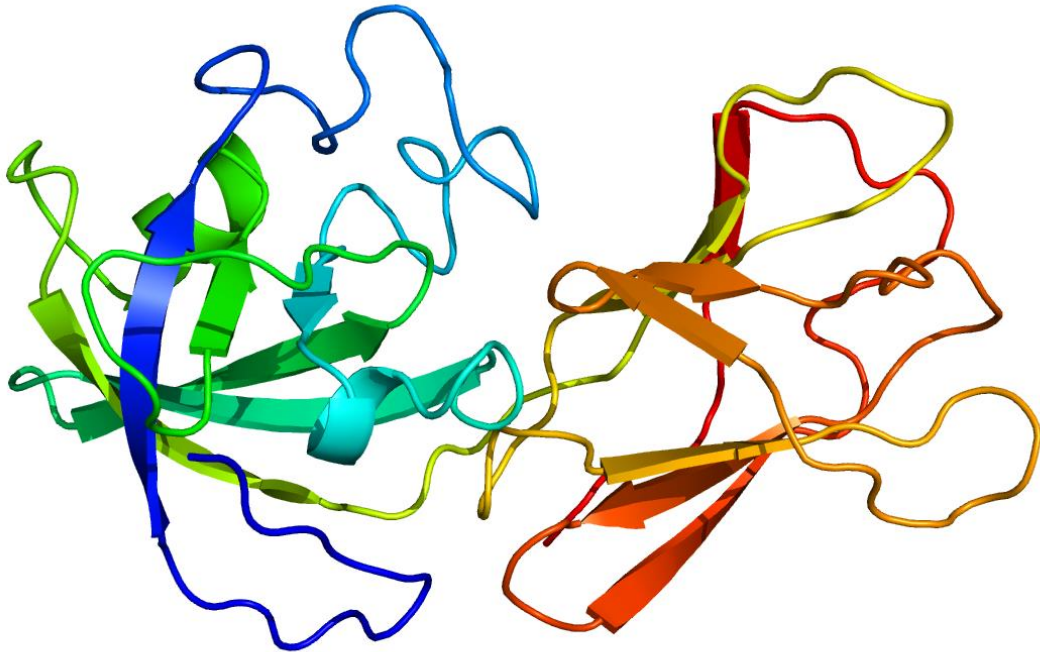
**Locus:** XP\_011081164

**Gene Model:** XP\_011081164.2

**Description:** SinEXPA-11

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

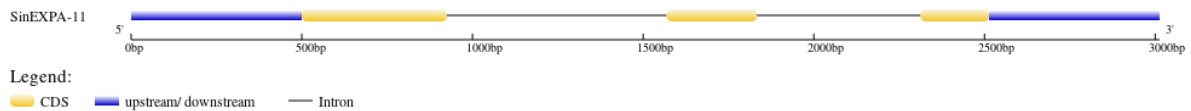
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

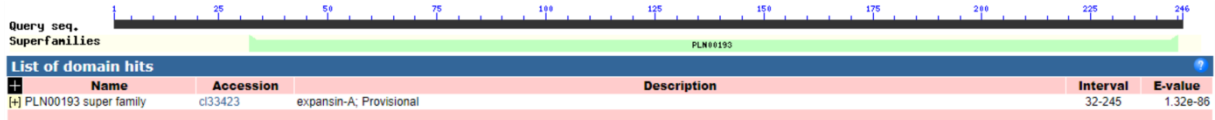
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXPA-11

MASLLDSWCLSLIMVLA AVGRAMAAGYSTPVFHTTAWKLAYATFYGDETASATMG  
GACGYGNLFTNGYGTATAALSTVLFNNGYSCGQCFLRCVNSRWCYKGSXPXNNGG  
WCNPPRSHFDMAKPAFMRIAQWKG GIVPVMYRRVTCVRKGGLRFTFQGNNGYWLLV  
YVMNVGGGGDIASMWVKGSKTGWISMSHNW GAS YQAFATLGGQSLSFKITSYTSH  
ETVIAYNVAPANWQVGMTYGSNVNFH

### CDS (coding sequence)

>SinEXPA-11

AGAAGTAAGTACCAAACCTAGGCCAAGAAGAAAACATGGCTTCTTTGCTTGA  
TTCGTGGTGTCTCAGCCTCATCATGGTGCTGGCGGCTGTCGGCAGGGCAATGGCC  
GCTGGATATTCGACGCCTGTGTTTCACACTACTGCTTGGAAATTAGCGTATGCCAC  
ATTTTATGGCGATGAGACGGCTTCTGCTACTATGGGTGGAGCTTGTGGATATGGA  
AACTTGTTACCAAACGGCTATGGGACGGCCACGGCAGCGCTGAGCACAGTGCTGT  
TCAACAACGGGTACAGTTGCGGGCAGTGCTTCCAGCTCCGGTGCGTGAATTCCCG  
GTGGTGCTATAAGGGGTCGCCNACAACAACGGCGGCTGGTGCAACCCGCCGCG  
CTCCC ACTTCGACATGGCCAAGCCCGCTTTCATGAGGATTGCGCAGTGAAGGGC  
GGCATCGTGCCCGTCATGTACCGCAGAGTAACGTGCGTGCGAAAGGGCGGGCTC  
CGGTTACCTTCCAGGGGAACGGGTA CTGGCTGCTGGTGTACGTGATGAACGTGG  
GAGGAGGCGGCGACATAGCCAGCATGTGGGTTAAGGGGAGCAAGACCGGGTGG  
ATAAGCATGAGCCACA ACTGGGGGGCTTCTTACCAGGCCTTTGCAACTCTCGGCG  
GACAGTCCCTGTCTTTCAAGATAACCTCCTACACCTCCCATGAAACTGTCATTGCC  
TACAATGTCGCCCCGGCTAATTGGCAGGTGGGCATGACTTATGGCTCCAATGTCA  
ACTTCCATTGATCATCATATATCAATGTGGGCTAGTTATTATCTCCCTTCTTTCAT  
GCTTTTTGGGCATGTAGGCTAAGCCATAAGGGTTTTTCTTTTTTGTTTTTTTGATAT  
TTTTTTTGG

### Nucleotide

>SinEXPA-11

TCTACATGTATATTTCTCGTGATCGATTATTTTGATTTATTTTCGTTGTATCCCCAA  
GAATCTTAAATTGAAATTTAAAGATTAATGTTTCAATATTTTTATAATTATAAATT  
GTGAGGATATACATCAGATTATATATTTTACAGTTTAATGGTATTTTAGTGACGTA

TGTGATATGATCCTTAGTGTACGTAGCATTTTTAATTTTTTCAGAATTTTGAAAA  
GCAAATTGAATATTCTCATAATCTAATTAATAACAAAGCAATTAAGTTTATT  
GAAAACACGAGGATTGTAATTAACCTTCTTCGGAGGTAATAATTACTACAACCTAGG  
AGAAATATATAATTACCATTAACTATATATAAAAAGAGCCTTATTTGGATTCTC  
ATGATTCTCAAATGACATGTAAAATTGTCACCTTCTCTCCATCATTGAGACATTCC  
ATATACATAAGATAAGACAAACCCCCCCCCCCCCCTCCCAACCCCAAACCC  
CAAAAAAATATCAAAAAACAAAAAGAAAAACCCTTATGGCTTAGCCTACAT  
GCCCAAAAGCATGAAGAGAAGGGAGATAATAACTAGCCACATTGATATATGA  
TGATCAATGGAAGTTGACATTGGAGCCATAAGTCATGCCACCTGCCAATTAGCC  
GGGGCGACATTGTAGGCAATGACAGTTTCATGGGAGGTGTAGGAGGTTATCTTGA  
AAGACAGGGACTGTCCGCCGAGAGTTGCAAAGGCCTGGTAAGAAGCCCCCAGT  
TGTGGCTCATGCTTATCCACCCGGTCTTGCTCCCCTTAACCCACATGCTGGCTATG  
TCGCCGCTCCTCCACGTTTCATCACGTACACCAGCAGCCAGTACCCGTTCCCCTG  
GAAGGTGAACCGGAGCCCGCCCTTTCGCACGCACGTTACTCTGCATTGTAATATT  
CAAGAAAAATGTTGGTAATTTTTATGACGAATACATTTTCATGATATAAATAGTTT  
GATCGTTTTCTGGTGTAAATAACGCATTCATACAGGGAGTGTGTTGCGAGTT  
TTAGAAAAATAAATAATGTAATTTTTGTATTTAAATGTATTTTTATCCTATAATTT  
AAATTATTTGCAATTTTCGTCTTTTAATTTTGTAAGACAACATTTTTGGTCCTGCAT  
CCTTAAATTCGTAATGTTTAGTCATTTTTTACATTAGCTTACTCGTCAGAAAA  
ATGGATGTGCATCTCACGTACATGACCTTCAAATCGGGGTTGTTGTTCCCTATTG  
ACTCATTTTTATCCTTTAAATTTTTAGTATAATTTTTGTTTTGCATTTTTTTAATT  
ATTTTTGTTGGAATTCACCCTTCTCGCCAGTAGAAGTTTACTCCAACGAAGAAAA  
GAACTAAAATTACAAAAATAAAAAAATATATCAAATATTATTCTAAAAAA  
TTATTAGACGAAAACGTCAAATGACTTAAGTATTAAGTAAAATGCATTTACTT  
CTATATATTAATTGCACTAGAGATGTAGCAAAATTTGGAATAAAAAATTCATTC  
GAATTAAGGAAGTACCTGCGGTACATGACGGGCACGATGCCGCCCTTCCACTGCG  
CAATCCTCATGAAAGCGGGCTTGCCATGTTCGAAGTGGGAGCGCGGGGTTGC  
ACCAGCCGCCGTTGTTGTGGGCGACCCCTTATAGCACCACCGGGAATTCACGCAC  
CGGAGCTGGAAGCACTGCCCGCAACTGTACCCGTTGTTGAACAGCACTGTGCTCA  
GCGCTGCCGTGGCCGTCCCATAGCCGTTGGTGAACAAGTTTCCATATCCACAAGC  
TCCACCTGCCATGTTTCATCATGATTGGAAAACCTCGAGTTAAGCTAAATTCAAATTT  
ATCAAATAAATAAATAAATTTATTAGTTGAAATATTAATCATTGTTGTCCAACA  
ATACTTAAATCAAATAATTTTAGTTTTATTTTTAATTTTGCTCTTTGTTAAAGCCCA  
TTTCGGCTATTGGAAGAAATTAAGAAGATCACAAGGATATATTGTTTTATGTTAT  
ATCATATATTACACTATATAATTTGTTCAAGAAAAAATAATTACACTATATA  
ACATAAAACCAATGTTATTTAATTAATTTATTTAAAGAATAATTTATATATACATT  
TATTTTATTTTGATAAAATTTACCGTTGACAAAAAATACTTTATATGTATGAC  
GTTTGTATATACTATGCATAATAAATGTATTATCAATAAAATAATAAATAGAGAA  
TTACATAAAAAATCGTTCAAGTCTAAAATAATAAACGCACCCATAGTAGCAGAA  
GCCGTCTCATCGCCATAAAATGTGGCATAACGCTAATTTCCAAGCAGTAGTGTGAA  
ACACAGGCGTCGAATATCCAGCGGCCATTGCCCTGCCGACAGCCGCCAGCACCAT  
GATGAGGCTGAGACACCACGAATCAAGCAAAGAAGCCATGTTTTCTTCTTGGCC  
TAGGTTTTGGTACTTACTTCTTAGCTCGTAATGTACGAAATTGCAATGCCAAATTG  
ACTTGAAATGCGATGTATATACGTAGTTCTAAGGCTATAGGATGAGTACCGT  
ACCTCTACGTGAGTTCACGACATGTCGCATTTTTCAAGTCAAACGCTTGATCAAAT  
TTTATTAAGAGGTTGGTTTGGAGGGATAATTAGTTTATGTTGAGACTTGTCCA  
CGTAGTTCGACATAACATTTGTTTATATGTCCTAATTTGTATGAAAACGTGCGGGC

AGGTCTTGAACCTTATGTTTTTCGGCTACACTAAGTAGAATGTTCAATGGATGGAAT  
TTATAATTA AAAACATCAATTGATGCAGCCTAATAATTGAGGTCGAATTTGTCTATT  
CATCACATGAGTTTGAAATTTTGTTGATGTGTTTAGGGGAATTAAACGTACTTCAT  
GATATGTGTGTTGATTTTCTAACGTAGTTAGCTCTAGATTTTTTATAATAGTAGAT  
CAGTTATAAGGATACTAGC