

## IDENTIFICATION

**Species:** *Trifolium pratense*

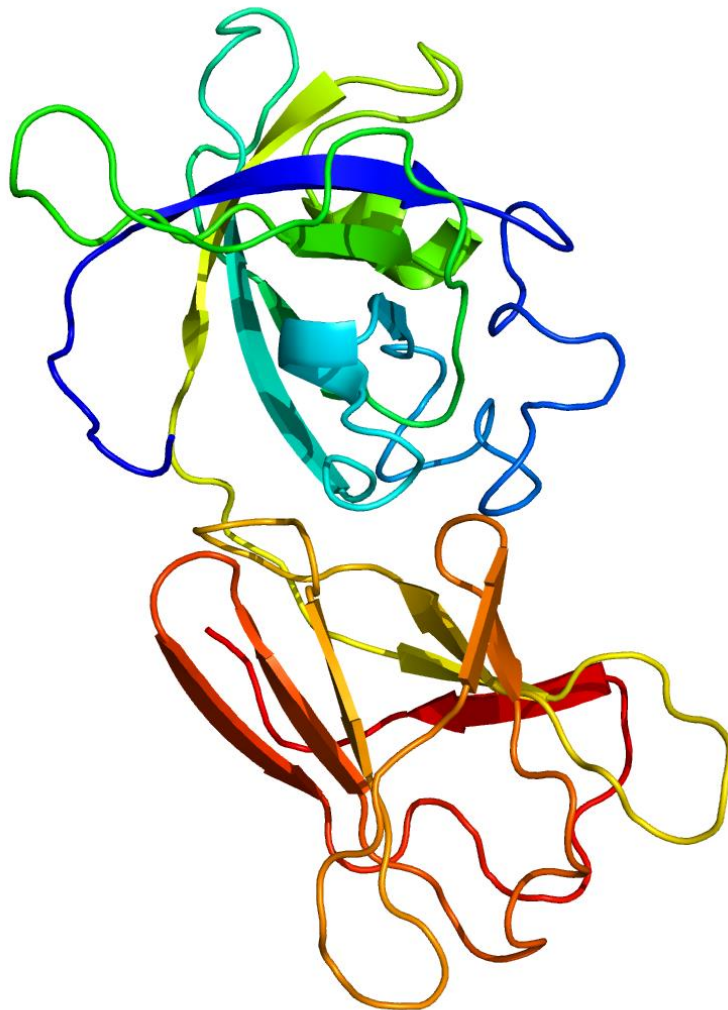
**Locus:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA34609

**Gene Model:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA34609

**Description:** TprEXPA-18

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

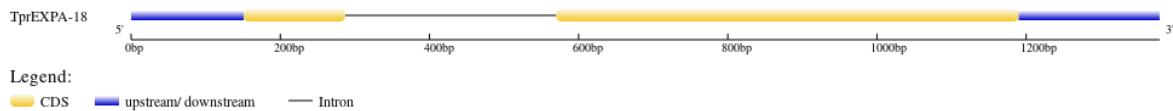
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense\\_v2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2)

KEGG:-

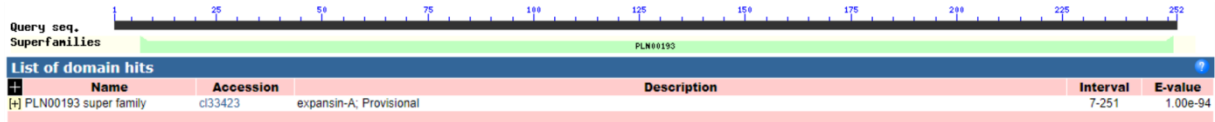
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>TprEXPA-18

MALPHCLVPLTCFMLLLVQAMAKLDSNWYDARATFYGDAAGGDTMQGACGYGDL  
FQQGYGLATAALSTALFNKGSTCGACFEIICVNNPQWCIGARSIIVTATNFCPPDYSK  
TTDIWCNPPQKHFDLSYKMFTSIAYYKAGVTPVKYRRVPCSKSGGVRFELKGNPYFL  
LVLVYNVANAGDVSSMSIKGSKTGWIPMTRNWGQKWNTGTNLVGQALSFKVTTSD  
GTTKQFDSVSPSNWQFGQIYESKGNF\*

### CDS (coding sequence)

>TprEXPA-18

ATGGCTTTGCCTCATTGTTTAGTTCCTTTGACCTGTTTTATGTTGCTTCTAGTACAG  
GCCATGGCTAACTTGATTCCAATTGGTACGATGCTCGTGCAACCTTCTATGGTG  
ATGCAGCAGGGGGTGATACCATGCAGGGGGCTTGTGGTTATGGTGATCTTTTTCA  
ACAAGGATATGGACTTGCAACCGCAGCACTAAGCACAGCTCTATTTAATAAAGG  
ATCTACTTGTGGTGCAATGTTTTGAGATAATTTGTGTCAATAACCCTCAATGGTGTA  
TAAAAGGTGCAAGGTCAATCATAGTAAGTCAACAAATTTTTGTCCTCCTGATTA  
CTCCAAAACACTACAGATATTTGGTGCAATCCACCACAAAACACTTTGACTTGAGT  
TATAAAATGTTACCTCTATTGCTTATTATAAAGCTGGTGTACCCCTGTAAATA  
TCGTGCTGTTCCATGCTCCAAAAGTGGGGGTGTTAGGTTTGAAC TCAAAGGAAAC  
CCTTATTTCTTGCTTGTGTTTTGGTTTATAATGTTGCTAATGCCGGTGATGTCTCTAGT  
ATGAGTATCAAAGGTCTAAGACTGGATGGATTCCCATGACACGCAATTGGGGA  
CAAAAATGGAATACTGGAACGAATTTGGTAGGACAAGCTTTGTCATTTAAAGTTA  
CGACAAGTGATGGAACAATAACAGTTTGATTTCAGTTTCTCCTTCCAATTGGCA  
ATTTGGACAGATTTATGAGAGCAAGGGAAATTTTTAA

### Nucleotide

>TprEXPA-18

ATCATTACGATCAATGCTCATAATCATGTTTCCATATTTATGTATGTAATAAAAT  
ACAATATAACGTCTTTAAATACCACCATTCATGCATCGACTTCTCAAACCTAAGTT  
CTATCCCATTTCGGTGTATTCGGTGTATTTACATTAGTCATGGCTTTGCCTCATTGT  
TTAGTTCCTTTGACCTGTTTTATGTTGCTTCTAGTACAGGCCATGGCTAAACTTGA  
TTCCAATTGGTACGATGCTCGTGCAACCTTCTATGGTGTATGCAGCAGGGGGTGAT  
ACCATGCGTAAGTTATAAAAAAACTTTGTTTTATTTTTACTAGTTTTTCTTTTATA

GATGTTAGATGAAGTTCAAATAACTTGTATATTTTATAAGTTATTTTAAAGTAGAT  
ATTAGTATAAAAATAGTGTACGAGTTGTTTGATCTTTATCCAAATATATTCAAATG  
TTTGAATGCATGGCTTCTGTTTTTCTTGCGATTAAACATGAATCCGACTTAGAAC  
AACATAAAAATTATTATTTAATATTTGATTTTTCTTATATAATATATTGTTTTTAT  
TTATACAGAGGGGGCTTGTGGTTATGGTGATCTTTTTCAACAAGGATATGGACTT  
GCAACCGCAGCACTAAGCACAGCTCTATTTAATAAAGGATCTACTTGTGGTGCAT  
GTTTTGAGATAATTTGTGTCAATAACCCTCAATGGTGTATAAAAGGTGCAAGGTC  
AATCATAGTAACTGCAACAAATTTTTGTCTCCTGATTACTCCAAAACACTACAGAT  
ATTTGGTGCAATCCACCACAAAACACTTTGACTTGAGTTATAAAATGTTACCT  
CTATTGCTTATTATAAAGCTGGTGTACCCCCTGTTAAATATCGTCGTGTTCCATGC  
TCCAAAAGTGGGGGTGTTAGGTTTGAACCTCAAAGGAAACCCTTATTTCTTGCTTG  
TTTTGGTTTATAATGTTGCTAATGCCGGTGATGTCTCTAGTATGAGTATCAAAGGG  
TCTAAGACTGGATGGATTCCCATGACACGCAATTGGGGACAAAATGGAATACT  
GGAACGAATTTGGTAGGACAAGCTTTGTCATTTAAAGTTACGACAAGTGATGGAA  
CAACTAACAGTTTGATTCAGTTTCTCCTTCCAATTGGCAATTTGGACAGATTTAT  
GAGAGCAAGGGAAATTTTTAAATATATAGTTTAAATGAGAAATATATCAGTCACA  
AAATTATTAGATAGGAGTATTGGGTTAAATAATAATCATGTAATTTTTATTTTTT  
TGAGTCAATAATCATGTAATTTTGATTCTACTATATAATAATATCATTTGTCAATCA  
TATTAATTGCAGCTTCTTCCTCTAATAGAATTAATGATTCAT