

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

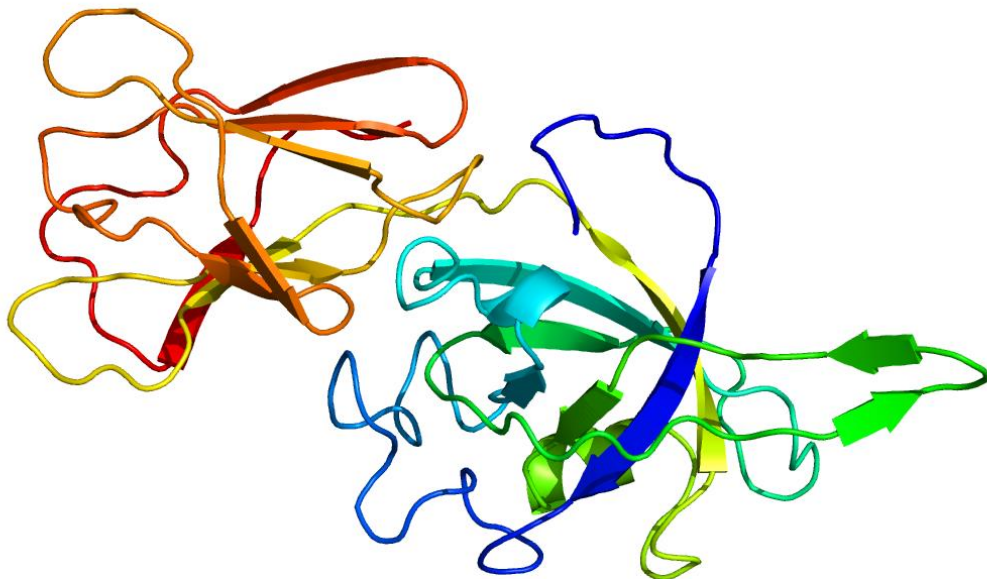
Locus: Medtr8g464350

Gene Model: Medtr8g464350.1

Description: MtrEXPA-29

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

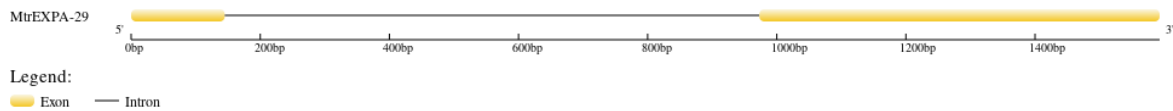
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

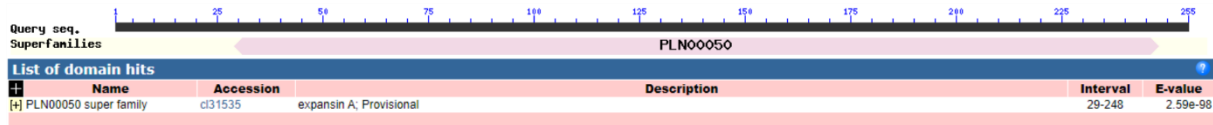
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-29

MPKSYCLLLLAFFT VFLHEAMARNPIDSEWHD AHATFYGDMSGGETMQGACGYG
NLFQGGYGLETTALSMALFNDGYRCGACFEIKCVNDPQWCIKDVNSIIVTATNFCPPN
YDKPDGNWCNPPQKHFDLSMKMFTTIAVYRAGIVPVQYRRVPCVKSSGGVRFELKGN
PYFLMVLVYNVANAGDVLRVSIKGSNTDWTMPIHNWGQVWHTGVNLVGQNLFSW
VTTDRKALLFTSVTPSNWQFGQTYESPANF*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-29

ATGCCTAAGTCTTACTGTTTGCTTCTTTTGGCCTTTTTTACAGTGCTCTTCTTGCAT
GAGGCCATGGCTCGCAATCCCATTTGACTCAGAATGGCACGATGCCCATGCAACCT
TCTACGGTGACATGTCTGGTGGTGAACAATGCAGGGGGCTTGC GGCTATGGCAA
TCTATTCCAACAAGGATATGGGCTAGAAACCACAGCATTAAAGCATGGCATTATTC
AACGATGGCTACAGATGTGGTGCATGCTTTGAGATTAAGTGTGTCAATGACCCAC
AATGGTGCATCAAAGATGTTAACTCAATCATTGTGACAGCGACAAATTTTTGTCC
ACCAAATTACGACAAACCTGATGGAAATTGGTGTAAACCCACCTCAAAAACATTTC
GATTTGAGCATGAAGATGTTTACAACAATTGCAGTTTATAGAGCAGGGATCGTCC
CAGTTCAATATCGACGTGTTCCATGCGTCAAAGTGGTGGTGTAGATTTGAACT
AAAAGGAAACCCTTATTTTTTGATGGTTTTGGTGTACAATGTTGCCAACGCTGGTG
ATGTTCTGCGTGTGTCAATCAAAGGGTCTAATACTGATTGGACTCCAATGATACA
TAATTGGGGACAAGTTTGGCATAACGGGAGTTAATTTGGTAGGACAAAATTTGTCA
TTTTGGGTTACGACAACTGATCGAAAAGCTTTACTGTTCACTTCCGTTACTCCTTC
CAATTGGCAATTTGGACAAACCTACGAAAGCCCAGCCAATTTTTAG

Nucleotide

>MtrEXPA-29

ATGCCTAAGTCTTACTGTTTGCTTCTTTTGGCCTTTTTTACAGTGCTCTTCTTGCAT
GAGGCCATGGCTCGCAATCCCATTTGACTCAGAATGGCACGATGCCCATGCAACCT
TCTACGGTGACATGTCTGGTGGTGAACAATGCGTAAGTATCAAATTTAAATAAC
TCCTTTTTTGCTCTCTTCACTGATATATATATATATATATATATATATATATA
TATATATATATATATATAGTCGTTCTCACCATGGTCTAATTTTTTCTAGTTTAAACA
GCACTTTTAGTTTTTATCTATTATAATACATAGATCAAATTTGGATTCACAGCATTAA

ACGTAGTTTTGAGTATTTAAAAGCAGATTTTGAGGCATTCTTTTCAGTGGATTTGGT
GAAATTTGGTTTGTGAGTGTTCGATATGGCTTGACTATATTTTTGAAAATACTACCA
ATTTTCATGAGAATACCAAATCTCTCAAACACACGTTACATGTTGATTCGTTAGA
AATACTAGTATATAATAACTATTATTTATTTAATTTTCGGGTTAACAAGGTTTAACC
TATTGTAATTTAGTTCATTTCCGAGATTCCTGTAATCTTTTTGTTTATTTATCCCC
TCTAAATTTTTTATTCAAAAACAAGGGATAAAACACTATTAACCCTTTAATTTAAT
TTAATACGTTGTATAATTATTCTTTTTATGATATATTAGTCCTACATACATAAAGA
TACTCATTAGTAGTGTATCAAAGATACTCAGTAAGATGTTTATTAGACCGATTTTC
ATGAGATATCCAGATCTCGAAAACACACGTTAAATTTGTTTGTATGAAACCCAC
ATTAATGTTTTTTTTGAGCAAAAACCACATTAATGTTGATTCCTAAAAAACAT
GTATTTGCTATTTTGTATTTTGTATTTTGTATTTGTTTATGCCATTAATATTTTTTTTGTATAT
AATATATTGTATCAATGCAGAGGGGGCTTGCGGCTATGGCAATCTATTCCAACAA
GGATATGGGCTAGAAACCACAGCATTAAAGCATGGCATTATTCAACGATGGCTACA
GATGTGGTGCATGCTTTGAGATTAAGTGTGTCAATGACCCACAATGGTGCATCAA
AGATGTTAACTCAATCATTGTGACAGCGACAAATTTTTGTCCACCAAATTACGAC
AAACCTGATGGAAATTGGTGTAAACCACCTCAAAAACATTTTCGATTTGAGCATGA
AGATGTTTACAACAATTGCAGTTTATAGAGCAGGGATCGTCCCAGTTCAATATCG
ACGTGTTCCATGCGTCAAAAGTGGTGGTGTAGATTTGAACTAAAAGGAAACCCT
TATTTTTTGATGGTTTTGGTGTACAATGTTGCCAACGCTGGTGTATGTTCTGCGTGT
GTCAATCAAAGGGTCTAATACTGATTGGACTCCAATGATACATAATTGGGGACAA
GTTTGGCATAACGGGAGTTAATTTGGTAGGACAAAATTTGTCATTTTGGGTTACGA
CAACTGATCGAAAAGCTTTACTGTTCACTTCCGTTACTCCTTCCAATTGGCAATTT
GGACAAACCTACGAAAGCCCAGCCAATTTTTAG