

IDENTIFICATION

Species: *Solanum tuberosum*

Locus: PGSC0003DMP400045514

Gene Model: PGSC0003DMP400045514

Description: StEXLB-07

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

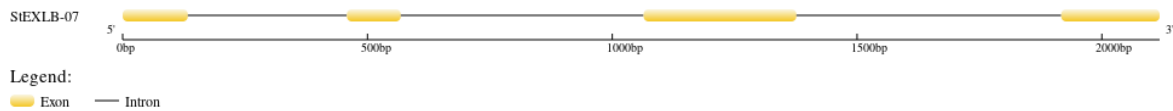
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

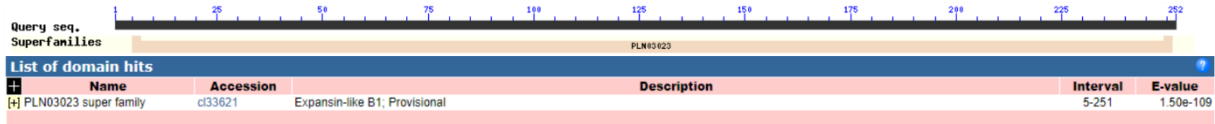
EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>StEXLB-07

MDRSLKYSCIFMCMNIMLMPAFSYSQTLVSKASFYSTSDGMGTPSGACGYGDYGKD
VNNGEVCTASRRLYRNGVGCACGYQVRCCKNNALCSEEGTKVVVTDSADGQETDLIL
SFKAYAKLAKTPSLAAHLGKGVVDIEYRRVSCGYGGNLMVKIHEHSKYADYLAIV
VLNQQGATDIHAVEIYEEESQWISMRYKAYGAVWDLSNPPCGDLKVRFLTSTSVESK
WVQSDKAVIPAQWKVGLTIETDIQLT*

CDS (coding sequence)

>StEXLB-07

ATGGATCGTTCACTTAAATATTCTTGCATTTTTATGTGCATGAATATTATGCTTAT
GCCAGCATTTTCCTACAGCCAAACCTTAGTTTCCAAGGCATCATTTTATAGTACTT
CTGATGGCATGGGAACACCATCTGGAGCATGTGGTTATGGAGACTATGGTAAAG
ATGTGAACAATGGTGAAGTGTGCACAGCCTCTAGGCGTCTCTACAGAAATGGAGT
TGGTTGTGGTGCATGTTACCAGGTTAGGTGCAAGAACAATGCATTGTGTAGTGAA
GAGGGTACAAAAGTTGTGGTGACAGACAGTGCAGATGGACAAGAAACAGATTTA
ATTCTTAGCTTTAAAGCCTATGCAAAATTAGCTAAACTCCAAGTTTGGCAGCTC
ATTTATGTGGAAAAGGGGTTGTTGACATAGAATATAGAAGAGTTTCTTGTGGTGA
TGGTGGAATCTTATGGTTAAAATTCATGAACATAGCAAGTATGCTGATTATCTT
GCTATTGTTGTATTGAACCAAGGTGGTGCCACCGACATCCATGCTGTAGAAATCT
ATGAGGAAGAGAGTCAACAATGGATATCAATGAGAAAGGCATATGGGGCAGTGT
GGGACTTGTCAAATCCACCATGTGGAGACCTTAAAGTAAGGTTTCTAACAAGTAC
AAGTGTGAAAGCAAATGGGTACAATCAGACAAAGCTGTTATTCCTGCTCAATGG
AAAGTTGGACTTACAATTGAAACTGACATTCAGCTTACTTAA

Nucleotide

>StEXLB-07

ATGGATCGTTCACTTAAATATTCTTGCATTTTTATGTGCATGAATATTATGCTTAT
GCCAGCATTTTCCTACAGCCAAACCTTAGTTTCCAAGGCATCATTTTATAGTACTT
CTGATGGCATGGGAACACCATGTATGATACCTAGCTAATTA ACTACTTCTGTTATT
TTTTTCGGAAAAAGGTCAAAAATGTCTCTGAACTATCGTAAAAGATCTAAATATC
CCCTTCATCCACCTATTTTGTAAAAATACTCATCTGTTTGACTAATGTTGAACAC
TTGAATATCACATTATGCTATAGTTCAGGAGCATTTTTGGCCCTTTTTCTGTTTTTT

TTTTTTTTACCCAATTA AAAAAGAACATGTGAACATCATATATTAATTA AACACG
AAATTTTAATCGATTATTACTATAATTGTTTTAACATTAATTTTGATGTATGTGTAT
ATATGATTAGCTGGAGCATGTGGTTATGGAGACTATGGTAAAGATGTGAACAATG
GTGAAGTGTGCACAGCCTCTAGGCGTCTCTACAGAAATGGAGTTGGTTGTGGTGC
ATGTTACCAGGTACGTACCTACTTATTTTCATTTTTATCGATAATATAATTATATTA
GTAGCGGTTATTTTTTAGGTGACATGATATATTACATTGTCGTGGTGTCTTCGAAA
TTGGACCCCTTTAATATTACAATCAAAGTTTTTTAAGTTTTATTTCACTAACGATA
TGAAATACAATCAGGTGTAATCATAATTCTACTTAATTGGGAACCAAGAATAATT
GATAGTAATAAGTTACCTGGTATATATAAGCGCAAATTATAATAGTCTGTTTGGT
CAAGTTTCTAAAATCAGCTTAGTTTGAAAAAAGAAATCGTGAAACATAGTTTATG
TTTACTAACTAAATTCAAAAATACTTTTGAACAACATACTAACTAGTGTTTGACC
AATTTCTAAACATGTTTCAAGTGTAAACAAATTAGGAGTAATATTAATATGTTACA
AGTGTATTTTGTTC AATTTATATGGAGGTCAATAAATTAATTAATTAATTAATGTA
ATTACAGGTTAGGTGCAAGAACAATGCATTGTGTAGTGAAGAGGGTACAAAAGT
TGTGGTGACAGACAGTGCAGATGGACAAGAAACAGATTTAATTCTTAGCTTTAAA
GCCTATGCAAAATTAGCTAAA ACTCCAAGTTTGGCAGCTCATTTATGTGGAAAAG
GGGTTGTTGACATAGAATATAGAAGAGTTTCTTGTGGTTATGGTGGAAATCTTAT
GGTTAAAATTCATGAACATAGCAAGTATGCTGATTATCTTGCTATTGTTGTATTGA
ACCAAGGTGGTGCCACCGACATCCATGCTGTAGAAATCTATGAGGTATAAGATCT
ACGTATGCTCTACTTTTT CAGACTTTACCTGTAAATTTCACTGAATTTGTTGTTGTA
GGATTTGGTGT TAGTAGCTAGGTTTAGAATGAGTGTTAGAGGTGGCAAATCCAAT
TTGAGATTATGACATGTCTATTGACTAATTGACCTCAACATCAA ACTCGAAACGA
CTCATCAAATTATTGAATTTATTA AATCGAGTGATCAA AATAGAGTGTATATAAC
CTAATGAATTAGAAATGCATTAATTTTAAATTC AAAAATACAAAATTGTAAATTG
TATGAAAGTGAGATGGTTCAACTTTGGAGTTAACTTATCGATCCGTAGACAGTCT
ATTGTCTACCAGCTCACCCCTCTTTTAGTTTTTAGGGAACGATAAGTTGGATCAT
ATCTAATCTTGATCCACCCATTCTCAACGGATCAAGTCAGGATCACATGTTTACTT
ATTTACCTAAGGTAATAGATATATTTGATTGAACTCATAGAATGATCTCGCGTTT
AATAATATTTGATTGTTTGTATGTACGTAGGAAGAGAGTCAACAATGGATATCAA
TGAGAAAGGCATATGGGGCAGTGTGGGACTTGTCAAATCCACCATGTGGAGACC
TTAAAGTAAGGTTTCTAACAAGTACAAGTGTGAAAGCAAATGGGTACAATCAG
ACAAAGCTGTTATTCCTGCTCAATGGAAAGTTGGACTTACAATTGAAACTGACAT
TCAGCTTACTTAA