

IDENTIFICATION

Species: *Anacardium occidentale*

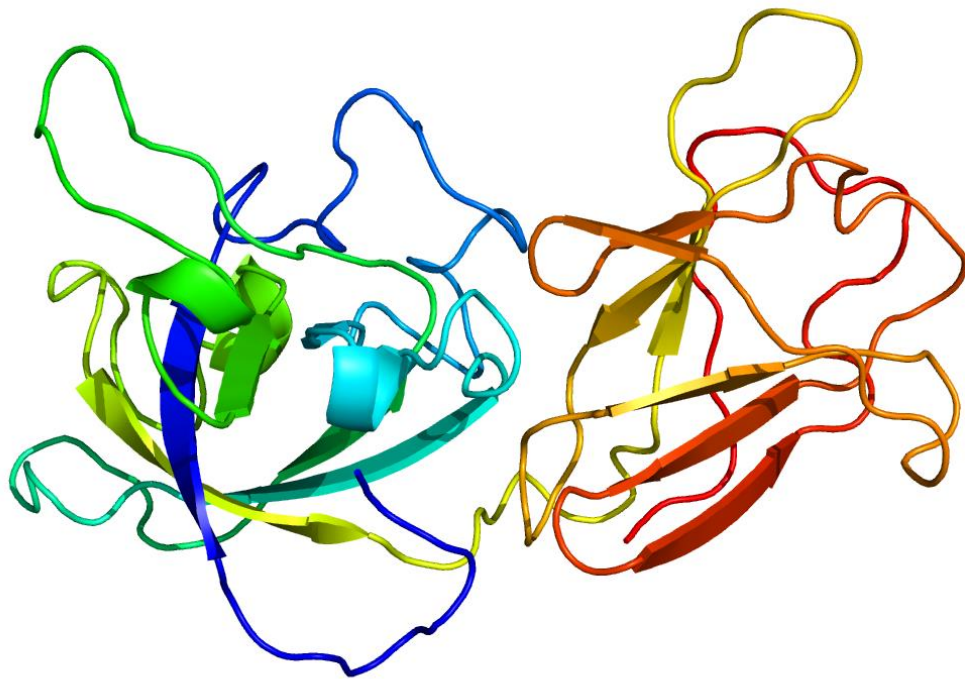
Locus: Anaoc.0002s0253

Gene Model: Anaoc.0002s0253.1.p

Description: AocEXPA-04

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Aoccidentale_v0_9

KEGG:-

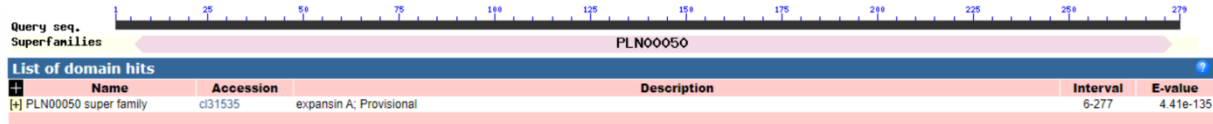
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AocEXPA-04

MAVNGIFMVTLLAMVLSVHASGGGGWTDAAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNNGLSGACYEIKCVSDSKWCLPGSIVITATNFCPPNNALPNN
AGGWCNPPLHHFDLSQPVFQHIAQYKAGIVPVAYRRYSPWFFTLKGVYFEGYFKQQ
LLIGGWVLQGACRRQGGIRFTINGHSYFNLVLITNVGGAGDVHAVSIKGSRTGWQPM
SRNWGQNWQSNLTLNGQALSFKVTTSDGRTVVSNNVVPAGWSFGQTFSGAQFR*

CDS (coding sequence)

>AocEXPA-04

ATGGCTGTTAATGGAATTTTCATGGTCACTTTACTAGCAATGGTCTTATCCGTACA
TGCATCTGGAGGTGGTGGGTGGACTGATGCACATGCTACTTTCTATGGAGGTGGT
GATGCTTCAGGGACTATGGGCGGAGCTTGTGGGTATGGAAACCTCTACAGCCAGG
GGTATGGTACTAACACTGCAGCTTTGAGTACTGCTCTTTTCAACAATGGGCTGAG
CTGTGGGGCTTGCTATGAGATTAATGTGTGAGTGATTCCAAATGGTGCTTGCCT
GGCTCCATTGTCATCACAGCCACCAATTTCTGCCACCAACAACGCTCTTCCTAA
CAATGCAGGAGGTTGGTGCAACCCCTCTGCACCATTTTGATCTCTCTCAACCTG
TCTTCCAACATATTGCCAGTACAAAGCTGGAATTGTTCCGGTAGCTTACAGAAG
GTATTCTCCCTGGTTTTTTCACCTTAAAAGGTGTCTATTTTGAAGGGTACTTTAAAC
AGCAATTGTTAATTGGTGGTTGGGTTTTACAGGGTGCATGCAGGAGACAGGGAGG
CATAAGATTCACCATTAATGGACATTCATACTTCAACTTAGTGTTGATCACAAAC
GTTGGTGGCGCTGGTGTATGTTTCATGCTGTTTCAATTAAGGGTCAAGGACTGGCT
GGCAACCGATGTCAAGAACTGGGGCCAAAACCTGGCAAAGCAACACACTTCTCA
ACGGCCAAGCCCTCTCATTTAAAGTCACAACACTAGCGATGGTCGTACAGTGGTGTC
TAACAATGTCGTCCCTGCCGGGTGGTCCTTTGGCCAGACCTTCTCTGGGGCTCAAT
TCCGTTAG

Nucleotide

>AocEXPA-04

ATGGCTGTTAATGGAATTTTCATGGTCACTTTACTAGCAATGGTCTTATCCGTACA
TGCATCTGGAGGTGGTGGGTGGACTGATGCACATGCTACTTTCTATGGAGGTGGT
GATGCTTCAGGGACTATGGGTATGTAATTGTGGAACAGTTTACCTTCTGAATCTA

CTCAGGGGCTTTTGCCAATCTGACTACTTGGTTGATGTATTTTTTCAGGCGGAGCT
TGTGGGTATGGAAACCTCTACAGCCAGGGGTATGGTACTAACACTGCAGCTTTGA
GTACTGCTCTTTTCAACAATGGGCTGAGCTGTGGGGCTTGCTATGAGATTAATG
TGTGAGTGATTCCAAATGGTGCTTGCCTGGCTCCATTGTCATCACAGCCACCAATT
TCTGCCACCAAACAACGCTCTTCCTAACAATGCAGGAGGTTGGTGCAACCCCC
TCTGCACCATTTTGATCTCTCTCAACCTGTCTTCCAACATATTGCCCAGTACAAAG
CTGGAATTGTTCCGGTAGCTTACAGAAGGTATTCTCCCTGGTTTTTCACCTTAAAA
GGTGTCTATTTTGAAGGGTACTTTAAACAGCAATTGTTAATTGGTGGTTGGGTTTT
ACAGGGTGCATGCAGGAGACAGGGAGGCATAAGATTACCATTAATGGACATTC
ATACTTCAACTTAGTGTTGATCACAAACGTTGGTGGCGCTGGTGTGTTTCATGCTG
TTTCAATTAAAGGGTCAAGGACTGGCTGGCAACCGATGTCAAGAACTGGGGCC
AAAACCTGGCAAAGCAACACACTTCTCAACGGCCAAGCCCTCTCATTAAAGTCAC
AACTAGCGATGGTCGTACAGTGGTGTCTAACAATGTCGTCCCTGCCGGGTGGTCC
TTTGGCCAGACCTTCTCTGGGGCTCAATTCCGTTAG