

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

Locus: Ca_27312

Gene Model: Ca_27312

Description: CarEXPA-25

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

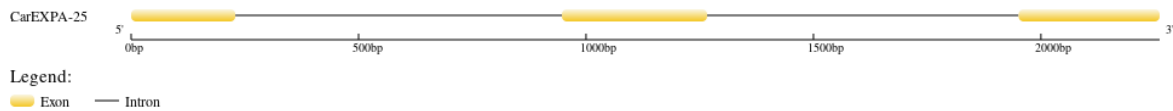
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

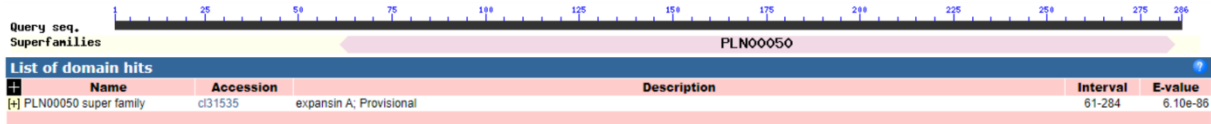
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-25

MANPLGALMTSSLFLVVFALPNHVHAEINTSWKHAAPNNVGGADKTVPIHQHTPFT
PGQWKQAYATFYEGSGTFFGGACGYEDVVKDGYGLDTAALSTALFNQGQTCGACY
EIKCVDSPKGCKPGQPSLFVTATDHCPPNYNLPDNGGWCNPPREHFDLAKPAYLKM
AEYTAGIVPVQYRRVPCKKQGGIRFTITGNPYFYLIKVWNVGGAGDVVGVQVKGED
KLQWTDLKRNWGQKWETNAMLLGETLTFRVKTS DGRSSTSLRVVPNKWQLGQTFE
GKNLA*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-25

ATGGCAAATCCTTTGGGAGCACTCATGACCTCATCATTGCTCTTTCTTGTTGTTTT
GCACTTCCTAATCATGTCCATGCAGAAATTAACACCTCATGGAAACATGCAGCAC
CCAATAATGTTGGAGGTGCAGATAAACTGTTCCAATACATCAACACACCCCGTT
TACACCTGGCCAATGGAAGCAAGCTTATGCCACTTTCTATGAAGGAGGCTCTGGG
ACATTTGGAGGAGCTTGTGGATATGAGGATGTGGTTAAAGATGGTTATGGCCTAG
ACACAGCAGCATTGAGCACAGCATTGTTCAACCAAGGTCAAACATGTGGTGCGTG
TTATGAGATCAAATGTGTGGATTCTCCTAAAGGGTGTAAGCCAGGACAACCCTCT
CTTTTTGTGACAGCAACAGATCATTGTCCTCAAATTACAACCTACCAAGTGACA
ATGGAGGATGGTGTAATCCACCACGTGAGCATTGTTGATTTAGCCAAACCTGCATA
TCTCAAATGGCTGAATATACAGCTGGAATTGTGCCAGTCCAATATCGCAGGGTA
CCGTGCAAGAAACAAGGAGGTATTCGGTTCACAATCACAGGGAATCCTTACTTCT
ATCTAATAAAAGTGTGGAATGTTGGAGGAGCTGGTGATGTTGTAGGAGTGCAAGT
GAAGGGTGAAGACAAGTTGCAATGGACAGATTTGAAAAGAAATTGGGGTCAGAA
ATGGGAGACTAATGCAATGTTATTAGGAGAGACATTGACATTTAGGGTAAAGAC
AAGTGATGGAAGGTCCTTACTTCATTGCGTGTTGTCCCAACAAATGGCAACTT
GGGCAGACTTTTGAAGGCAAAAACCTTGGCATAA

Nucleotide

>CarEXPA-25

ATGGCAAATCCTTTGGGAGCACTCATGACCTCATCATTGCTCTTTCTTGTTGTTTT
GCACTTCCTAATCATGTCCATGCAGAAATTAACACCTCATGGAAACATGCAGCAC
CCAATAATGTTGGAGGTGCAGATAAACTGTTCCAATACATCAACACACCCCGTT

TACACCTGGCCAATGGAAGCAAGCTTATGCCACTTTCTATGAAGGAGGCTCTGGG
ACATTTGGTATATATATAAACATTTACTAATGATGATCAATCAATTCAGATTATTT
GATTCATCCGTTATATTGAAAAATAAAATAAGATTAGTGACCAAATCAATTACC
GAATAAAAATTTCTCGTGATAGAAACTTAGTGACAAAATTAGAGACACATATTT
CATATTTTTGTTTCATAAATTTTATTTCGCTAATTTAAGTTTTTTTTTAGTATGCATGTG
TAACTATGCATGCATGCCCTCCATTCCATTTAGTAAAATCTGAATTATTAGATGAA
TAACTAAATCTTATAATAGCTGAAGAATGTTGATATCTCAAATATTAATTGATC
CAATAATTAGACTTTTGTGAGAAAATGGAATTTTGAGAATTTTTAAAATTATGCTT
TAACATTTTAATTTTTATATAAATTATTAGTATCTCTACACACGATTTTGATTTTTG
CAAAACCTAAATCTGTGTCAAATGATTTCCCTCAACACTTTTTATGTTCAAATTTG
AACTCGAAATTTTCGATTATAAAGTTGAAAGAGACTTGTATCACACTCCCTCTAA
TTTCAAAATATATTTGATTCAAATTTGAACTTTACATTTTGACTTTTGTTTATATT
TAAATTAGAGTAAGTATCGTATATCGAAGTGACCTTATATATTGATATTATATG
GTTTGATTAATTAATTTGTTTATGAAGAATATTAATGAATTGTTAATAATGCAGG
AGGAGCTTGTGGATATGAGGATGTGGTTAAAGATGGTTATGGCCTAGACACAGC
AGCATTGAGCACAGCATTGTTCAACCAAGGTCAAACATGTGGTGCGTGTTATGAG
ATCAAATGTGTGGATTCTCCTAAAGGGTGTAAAGCCAGGACAACCCTCTCTTTTTGT
GACAGCAACAGATCATTGTCCTCCAAATTACAACCTACCAAGTGACAATGGAGG
ATGGTGTAATCCACCACGTGAGCATTTTGATTTAGCCAAACCTGCATATCTCAA
ATGGCTGAATATACAGCTGGAATTGTGCCAGTCCAATATCGCAGGTAACGCATTA
TATATATGTTCAATGTTTCATATATATATATATATATCTTATTTTTTCATATGATAGA
AGAACACAATTGAATAAAGATATTATTACATTATTTTCATAATTTTCGATGAAAAT
GAAGTATAAAAATTCGGGTCCATCCATACACAATATTATAAAAATAACACAAGTTT
CTCTTACACTCTTGTTTTGTATAATTTAACTGCTAATAAAAATTATTAATCAACAA
TAAATAAAAATATAAAAATATGTGAAATTCATAATGCTTAAGCGAATAATTTTAT
ATTTCTGTGTTTAAATTGTGTCTGTAATTTTACTTTTTTTTAGTAACAATATCGTATT
ATATTGTTCCATTCTACTTTGTTTTCTCTTTTCTTTAACTAAAACATTGGACCTTT
TTAAGAGACAAAAGATCAAAAACATAGAAAATATTTGGATCATTACAACATTTT
TAGACACAAAGTTTGAGCGCACACACATAATCATAACATAACATTTAATTATTTAA
AAATTAATTATTTAAATTTTTTCCATTTCTACTTTTTTTCCATTTTTGTGAGTGTGG
CTAAATTTGTGACAAAACTTTGTGATCACACAAGAATTGCTCCGAAAACATATA
GTATGTATAGAAGTAAAATGGAATCAAAGAACTTATATTTTCCCTATGTACATAT
ATTCAGGGTACCGTGCAAGAAACAAGGAGGTATTCGGTTCACAATCACAGGGAA
TCCTTACTTCTATCTAATAAAAGTGTGGAATGTTGGAGGAGCTGGTGATGTTGTA
GGAGTGCAAGTGAAGGGTGAAGACAAGTTGCAATGGACAGATTTGAAAAGAAAT
TGGGGTCAGAAATGGGAGACTAATGCAATGTTATTAGGAGAGACATTGACATTTA
GGGTAAAGACAAGTGATGGAAGGTCTCTACTTCATTGCGTGTTGTCCCAACAA
ATGGCAACTTGGGCAGACTTTTGAAGGCAAAAACCTTGGCATAA