

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

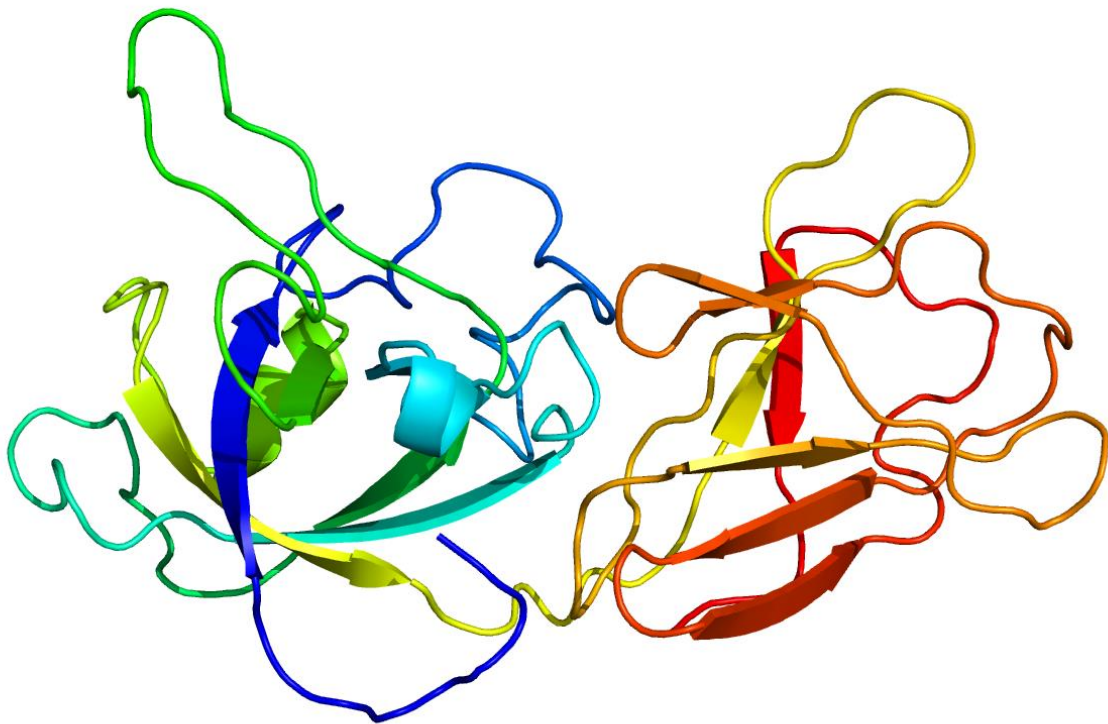
Locus: XP_016167376

Gene Model: XP_016167376.1

Description: AipEXPA-22

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

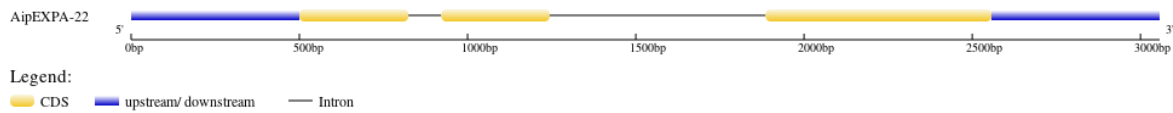
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

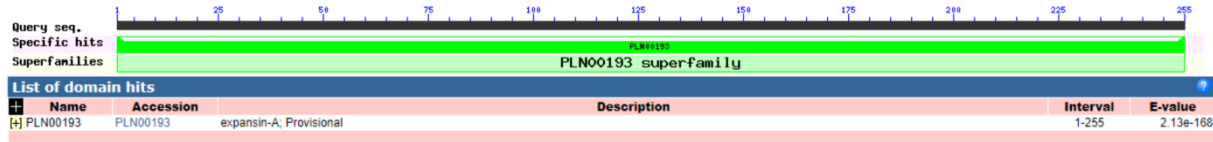
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-22

MAKSMLVFATFLSFCFTTNTCAFSPSAWTSGHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS
AGYGTRTAALSTALFNDGASCGECKIICDFRADPRWCVKGTSVTITATNFCPPNFAL
PNNNGGWCNPPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVLFRVPCKKKHGGVRFTVNGR
DYFELVLISNVAGAGSIKAASIKGSKTGWMTMSRNWGANWQSNAYLNGQSLSFRT
TTDGETRLFQDVVPPNWSFGQSFSSSVQF

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-22

CAGCGCTCACATGGGCCTTCGTTGCCTTACCGAGTCTACTTTTGTTCCTTATAAG
AAAGATTACCTCTGTGCTTGGAAAGGACTAACGAATGTAAAGAGAAATTGAGTA
ACCGCATTACATTTCTTTTTTCTTGCTCTAGCTCAACTACATCTCACTGTGTCTTG
AGCATTCAAGTAGAGCAAGACAATGGCTAAATCCATGCTTGTTTTTGCTACCTTCCT
CTCATTTTTGTTTTACTACTAATACTTGCGCCTTCTCACCTTCTGCATGGACCAGCG
GCCATGCAACTTTTTATGGAGGCAGCGATGCCTCAGGCACAATGGGAGGTGCTTG
TGGATATGGGAACCTGTATTACAGCAGGGTATGGTACTAGAACTGCAGCATTAAAGT
ACTGCTCTGTTCAATGATGGAGCTTCGTGTGGTGAGTGCTACAAAATTATATGTG
ATTTTCGAGCAGATCCTAGATGGTGTGTCAAAGGAACATCCGTCACCATAACAGC
TACCAATTTCTGCCCTCCTAACTTTGCACTTCCCAACAACAATGGAGGCTGGTGTGA
ACCCACCGCTCAAGCATTTTGACATGGCTCAACCTGCATGGGAAAAAATTGGCAT
TTATAGAGGAGGGATAGTTCCCGTTCTGTTCCAAGGGTTCCATGCAAGAAGAAG
CATGGAGGGGTAAGATTCACTGTGAATGGAAGAGACTACTTTGAGCTTGTGTTGA
TAAGCAATGTGGCAGGAGCTGGATCCATCAAAGCTGCGTCGATTAAAGGATCAA
AACTGGATGGATGACTATGTCAAGAAATTGGGGAGCTAATTGGCAATCCAACG
CGTATTTGAATGGCCAATCTTTGTCCTTCAGGGTCACAACCACTGACGGCGAAAC
CAGACTCTTCCAAGATGTGGTTCCACCAAACCTGGTCATTTGGACAGAGTTTCTCTA
GCAGTGTCCAGTTCTGAAACGCTTTGTTTCATGATTTTGGAAATTTCTCATGAATGG
CAGAGGCGTGGTTTTAATTTTATAGGAGCAGCCCGCCAAACCCATGAACTGTTCT
TGAAGGTCTTAATGAAGAGGCTTATATATGAAGTCATACGATTTACGCGCTTTGT
TATCAATAAGAAAGAGTGATATGTCAGCTTAGGAGCAAAGAACAATATGCATT
TTACATAGTTTATATCATACTCTAGATTGTTGTCTATTGATATGCATAATGTTATT

AGATTCTTAGTGTTTGTATCTGTATTGTGGGGGAATTAGGTGAAATTCTATGCTTG
TGTTAATTTGAGTTTGAGTTAACTTCTTGTGTTTTGCCTGTAAA

Nucleotide

>AipEXPA-22

TTTCATAACTTTATAATATTCATTTGAATTAATGAGACAAACGGGCGTCCAACA
ATCAATTATGAATTACGCGACTCCGTA CTCCCAAATTCTAGGTGGCCTACTGGA
TATTCTTGCTATAGCTAACTAAAAATGACACCCCAATAGGAAGCATTTTTCAAT
GTGACCGTGGGTGAATTGGCTCCAATGCATAGACTGTTGCGTCTCTTGTGTCCA
GAAATAGCTACAGGCCAATTAATAAAAAATAAAGGCGATGGAGCAAATTGGGAA
AGATAGACAGAGAGAAGACACGACCAAAATGGGGTTGTGGGTTTCTGATAAGTTC
ACGCCTCCTGTGGGGCGAGGCATGTGGGCTTGAAGGGTAAGTGTAAAGAGAACAG
AACGTGGGAATTATTGAATGCATGACGCTCAGA ACTCTTCAGATTTGGACAGATC
AATCTAGTACAAACAATTAACAAATAATAATTTTAATCATTTATTTGATTGCTCTC
TTGTTGCAGCGCTCACATGGGCCTTCGTTGCCTTACCGAGTCTACTTTTGTTCCTT
ATAAGAAAGATTACCTCTGTGCTTGGAAAGGACTAACGAATGTAAAGAGAAATT
GAGTAACCGCATTACATTTCTTTTTCTTGTCTAGCTCAACTACATCTCACTGT
GTCTTGAGCATT CAGTAGAGCAAGACAATGGCTAAATCCATGCTTGTTTTTGCTA
CCTTCCTCTCATTTTGT TTTACTACTAATACTTGC GCCTTCTCACCTTCTGCATGGA
CCAGCGGCCATGCAACTTTTTATGGAGGCAGCGATGCCTCAGGCACAATGGGTAA
GCCACACTGCTTAAGGATGAAAAATTAAGAGTAAATGATTACAAATGTTAGTATA
AAACACATTAATATATTGTGTGTTTATGTGAGTGCAGGAGGTGCTTGTGGATA
TGGGAACCTGTATT CAGCAGGGTATGGTACTAGA ACTGCAGCATTAAAGTACTGCT
CTGTTCAATGATGGAGCTTCGTGTGGTGAGTGCTACAAAATTATATGTGATTTTCG
AGCAGATCCTAGATGGTGTGTCAAAGGAACATCCGTCACCATAACAGCTACCAAT
TTCTGCCCTCCTAACTTTGCACTTCCCAACAACAATGGAGGCTGGTGTAAACCACC
GCTCAAGCATTTTGACATGGCTCAACCTGCATGGGAAAAAATTGGCATTATAGA
GGAGGGATAGTTCCCGTTCTGTTCCAAAGGTCTGAACATGTTCTGTCTTTGACTCT
TTTCTATATCTTCTTAGGTTATCTTTGTTATGCCACTTTTTATTTTAAATATGGAGG
AAGGTACGGGGTGTAAATAGCATTATGGAGAATAAGGGTGT TTTTCCTGCATGTGG
TGTCAGGAGGCTGAAATCGGACCGAAGAATTTAGAGCAAGAACTCGGACGGTC
CGATTAGAGGAGATCTACAATAAACTCGGACGGTCCGTTT GATTTAGACGGTCCGA
AAAAATAATTTTTTAATAAAACTCGGACGGTCCGTTT GATTTAGACGGTCCGA
TTTCTCCTTGTCTCACACCTGTGTCTAACACCTGTATACACCATAACCAAGCACAA
CTCACACACTCCTCCAATATAAAAAAAAATTAGCCTTGTTAAGCATCTTAAGATA
AAGCAACCATTGACATTAATAATCAAAAAATGAGTTAACTAAATATGTGTATATA
AATACATGATGGTTGATTTGGTGACTGATTTTTAATATAACACATGGCATTTTTTAA
GATCAAGATATAACTTAAAAACAGGATAGAAAATAAATTTTTATTTTTATTTTT
TTATGGGAAAATCAGATATGTCAATACCAAATCACATGAGCGCTTTCATTATTGT
TTTGCAGGGTTCCATGCAAGAAGAAGCATGGAGGGGTAA GATTCACTGTGAATG
GAAGAGACTACTTTGAGCTTGTGTTGATAAGCAATGTGGCAGGAGCTGGATCCAT
CAAAGCTGCGTCGATTAAAGGATCAAAA ACTGGATGGATGACTATGTCAAGAAA
TTGGGGAGCTAATTGGCAATCCAACGCGTATTTGAATGGCCAATCTTTGTCCCTCA
GGGTCACAACCACTGACGGCGAAACCAGACTCTTCCAAGATGTGGTTCCACCAA
CTGGTCATTTGGACAGAGTTTCTCTAGCAGTGTCCAGTTCTGAAACGCTTTGTTC
ATGATTTTGGAATTTCTCATGAATGGCAGAGGCGTGGTTTTAATTTTATAGGAGC

AGCCCGCCAAACCCATGAACTGTTCTTGAAGGTCTTAATGAAGAGGCTTATATAT
GAAGTCATACGATTTACGCGCTTTGTTATCAATAAGAAAGAGTGATATGTCAGCT
TAGGAGCAAAGAACAAATATGCATTTTACATAGTTTATATCATACTCTAGATTGT
TGTCCATTGATATGCATAATGTTATTAGATTCTTAGTGTTTGTATCTGTATTGTGG
GGGAATTAGGTGAAATTCTATGCTTGTGTTAATTTGAGTTTGTAGTTAACTTCTTGT
GTTTTGCCTGTAAATACGCTATACATTATGCTCTTTTAGCTGAGGTTTCATAATGG
TTCAAGAGAAAGATTTTAGTCTGATTAAGCACACGAGTTAATAAAGAAAATGG
AGAATTAGCGCATTAGCTTTTTATGTCACACTTATATTGCTGCACATGTTTAAGTG
CTGAGAGGAAAGACATGAAATCAAAGCACAAAACGGAAATAATACTATTGTCA
TGTTCACTCTTTCATTACGAACAATATTGCTAAGTGTTTACTTTGTATGATAAAT
TTATAAGTATCGATACGTTTAATATATAAACAATAATAACAAGCTTTGTGAAAT
TTATTTTTCACATTAGCATCTAAGTTTTTTTTAAAAAATATATATTATATCACTAC
TTTTACTAAAATATCCTTTTAATTAATAAAAAATAAAAAATATTTTTTATTTAATT
TTATAAAAGTCTTAAACATCCTTACTTTATTCGATTAGACAAAAATACCCTTTTAA
ATCAATCAAATTTTA