

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

**Locus:** XP\_011076519

**Gene Model:** XP\_011076519.1

**Description:** SinEXPB-02

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

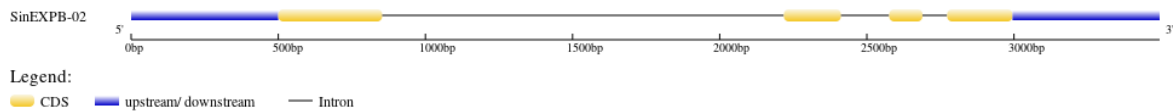
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

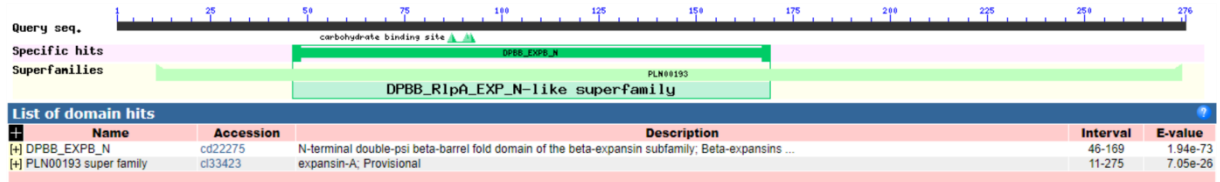
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXPB-02

MATNAGHLPKSQCLLFTSSLVLFCLFNSCLAFRHKHLNLSTRALHWSSAGATWYGSP  
DGAGSDGGACGYGNLVSQAPFSSLVTGIGPSLYKSGKECGACYQIKCTKHPSCSR  
VRVVITDFCPGGMCLSDSAHFDLSGTAFGAMAIPGQEDRLRDAGVLQIRFARVACD  
YSGKNIAFHVDLGSNPNYFAAVIEFEEGDGDLNRVDLQQASGEPDEWWEMNQSWGA  
VWQLNPGSELHPPFSIRLTSQYSGQTLVAKHVIPKGWQPGRTYRSVVNYL

### CDS (coding sequence)

>SinEXPB-02

AGAAGCAACTCAAGCTAGGTACCAAGTTTCAAATGGCAACAAATGCAGGTCATT  
TGCCCAAATCACAATGCCTATTGTTCACCTTCTTCACTTGTCTCTTCTGTTTGTTC  
ACTCATGTCTAGCCTTCAGACACAAACACCTGAACCTGTCCACCAGAGCTCTCCA  
TTGGTCGTCGGCCGGTGCAACGTGGTACGGCAGCCCTGACGGCGCCGGGAGTGAT  
GGAGGAGCATGCGGTTATGGAAACCTCGTGTCAACAAGCTCCGTTCTCTTCGTTGG  
TGACCGGAATAGGCCCGTCTCTATAAATCAGGCAAGGAATGTGGTGCTTGCTA  
TCAGATAAAATGTACGAAACATCCGTCGTGTTCCCGAAGACCAGTACGGGTGGTG  
ATAACGGACTTCTGCCCTGGAGGGATGTGCCTCTCAGATTCAGCACACTTCGACC  
TAAGTGGAACAGCGTTCGGCGCCATGGCCATTCCTGGCCAAGAGGATAGACTCCG  
TGATGCTGGAGTCTTACAAATTCGATTTGCACGTGTTGCATGTGACTATTCAGGA  
AAAAATATCGCATTCCATGTTCGATCTAGGGTCAAACCCTAACTATTCGCAGCGG  
TGATCGAGTTTGAAGAAGGGGATGGGGACCTCAACCGGGTTGATCTACAACAAG  
CATCGGGTGAACCAGACGAGTGGTGGGAAATGAACCAGTCCTGGGGAGCGGTCT  
GGCAGCTGAACCCCGGTTTCAGAGCTGCACCCTCCATTCTCGATCCGATTGACATC  
TCAGTATTCGGGCCAAACTCTAGTGGCCAAACATGTGATTCCAAAAGGTTGGCAG  
CCAGGTCGAACCTATAGATCCGTGGTTAATTACCTTTGAACCCGACCCAACCTAGA  
TAA

### Nucleotide

>SinEXPB-02

CATATTATATTAAGTATTTTCTTTGAAATGATCGATATATATATATATATATAGATAT  
TGCATGTAACAATTATTTAATTTTTTGACAGTAATGTTTCGTCAATTTAGATTGAGT  
TGGATATATCCTTATTACAAGAATGTGCGACTCATTTCACTTCAACTCACACATAA  
GTGTATTTTTTGAGAACTCAAACATATGGTTCTACAAAAATTACATAGATAACAA  
GAAAGAAACATTTAATTAATTAATACCAATCCAAATGCTTCTTCGATATCAATAT  
TTATCATATCACAAATCTTTGGAGATCACCAAGAGCCCAAACATATTGAGGCTAC  
ACATACATTTTCCTTTCCAAAAACACACATACACCCCCCCCCCAAGTAAAGGG  
CATCCCTCATGCAATCTTGAAATTAATTGCATTGGAAGCTACACACTATAAATA  
TATTTCAACAACATAAAATAGTTAACCACAAGCAAAATCCCAAGATTTTTGACCCT  
AGTTATCTAGTTGGGTCGGGTTCAAAGGTAATTAACCACGGATCTATAGGTTCTGA  
CCTGGCTGCCAACCTTTTGAATCACATGTTTGGCCACTAGAGTTTGGCCCGAAT  
ACTGAGATGTCAATCGGATCGAGAATGGAGGGTGCAGCTCTGAACCGGGGTTCA  
GCTGCCAGACCGCTCCCAGGACTGGTTCATTTCCCACCACTCGTCTGGTTCACCC  
GATGCTTGTGTAGATCAACCCGGTTGAGGTCCCCATCCCCTTCTTCAAACCTCGAT  
CACCGCTGCGAAATAGTTAGGGTTTACCCTAGATCGACATGGAATGCGATATTT  
TTTCTGAATAGTACATGCAACACTAACACAAAAATATATATGATGTGAGATCA  
AAATTTAATAATTGTTCTAAATTCAATAAATGAATAAGTCACTTCGAGTTTTTATT  
ATATTAATGGTATTGTATTTTCAATTACACTCAGCACATACATATGTTAAATATAT  
AAATCTACCTCATATGTGTAGCTAACAAATATTTTATTTATGTAAGATTTATATAT  
GAAGTGAGAAATGAGATGTAACACCAATTTATTACCGACGACTCAAATGTAGA  
GAAGTGAAGCCCTACGAATTAACATAATTTGCAGTTAGAGATGATTTAATTA  
AAATTTTAAATTTTTTAAACAAAATTTATCAATGTATATAATTTTTCTTTCCACCGC  
AAAGATTAGGATGAGTCATAACAAATGATTTTAGTTAATTAGCATAAAAAGGATT  
TAGGGGGTTGGATTATATACGGAAAAATGCAAGCAATCTATTGTAATATTAATA  
GTGAGCAAATTAACCTCTGTAAAAGAAAATAAAAAAAAAAAAAAGAAGTGACAA  
CACTTTACCTCCATGTGTTTTTAAACATATAACAAGTTACCTCCTGTGTTTTTCAA  
AATAAAGCAATTTATCTAGTTGTCCAGGTAGGTAAATTGTTTCATTTTAAAAAAC  
ACAGGGGCTAAATTACAATTATCTTTTCTTTTACGATAAAAATAAATTGCATTAA  
GTGTAATAATGTACAAGCTATAACAATTATGTGGTTCGAGTATGTGTGCCATGGATA  
CAATTATCTTTTATAAGAGGTAATTTGCTCATTGTGTAATATTACAGGAAGGTAAA  
TTATTAACCCTTATATCTACTAGTACACGCGTGTGGTTACTCGAATGAATGTGTA  
CAATTAAATAAAAAATTTAAAAATTATTTTTTAAAAATATATTATAGTTGAAGA  
AATTAAGAACATTAGAAAAATAAGAAAGTTATAAGAAGTTGAAGTTAGTAGAAG  
TTGAGAAGAGTGGACAATTTTATGTTTAAAGAAAATGAGAAAATTATACAGACCAT  
AATTTTGAGACACCATAAACGCCATCTTCAATAATAACAACACTAGTGTCTGTGGCA  
CACTTAATCCAGCCAGCATAAGTAAATCAAATTTTAAAAATTAATTTTTATTTTT  
AAAAAATTTTATTCTCATTTTAATTAAAAAAATTAAGAATAAAAAATTAAGATTG  
TTGTAATAAAAAAGTCCGGCGGAGGTTGAGAAGAGTGTGCAATTTGACGGTTATGA  
AAAAGGGAGAAAATTATTAATAAAAAAGAAAAGAAAATAGTAATGAAATAATAT  
AAAAACAAAAATTTAAATAAAAAATGTGAGACACGAAAAATGGACGCTTTCTTA  
ATAATAAACTGACCGTGCAAATCGAATTTGTAAGACTCCAGCATCACGGAGTCTA  
TCCTCTTGGCCAGGAATGGCCATGGCGCCGAACGCTGTTCCACTTAGGTCTGAAGT  
GTGCTGAATCTGAGAGGCACATCCCTCCAGGGCAGAAGTCCGTTATCACACCCG  
TACTGGTCTTCGGGAACACGACGGATGTTTCGTACATTTTATCTGTTATATATATT  
TGTATTTATTAGATTAATAAATTTATGTGAACATGAAATAATTAATTAGTATATAA  
TCACTAACATAATTAGCGTTTTCAAACCTCGCACTTATCAGATAGACTGATGTACA  
GTTCAAGAAAGATGACTGTTGTTTTACGTCAATCAGTACCTGATAGCAAGCACA

CATTCCTTGCCTGATTTATAGAGAGACGGGCCTATTCCGGTCACCAACGAAGAGA  
ACGGAGCTTGTGACACGAGGTTTCCATAACCGCATGCTCCTCCTGCAATCTTAGT  
GTCAGTTAATTCATCTATCAAGTGTA AAAATGGACAGTATTTCTTCATCATAGTTC  
AAGCAAACCGCGTACCATCACTCCC GGC GCGC GTCAGGGCTGCCGTACCACGTTGC  
ACCGGCCGACGACCAATGGAGAGCTCTGGTGGACAGGTT CAGGTGTTTGTGTCTG  
AAGGCTAGACATGAGTTGAACAAACAGAAGAGAACAAGTGAAGAAGTGAACAA  
TAGGCATTGTGATTTGGGCAAATGACCTGCATTTGTTGCCATTTCAA ACTTGGTAC  
CTAGCTTGAGTTGCTTCTTGGA ACTACTAATAAGTCACCAGTATTTATAGCTGAAA  
TTCTTGAGCTGTTGCTATCCA ACTCTTGCAGGCTTGTTAGCTAATTAATTTGAATT  
CAACAGCAGTTCAAATTC ACTATTTCAAATTATTA AACATAAGCTAATGTGATTA  
ATTTTTTAGGATATAATGAAATTTCCGGTCCGCTTACTGTAGGATGATATCAACATC  
AACGAGGCCTTACTTGATCGGTAAGGTAAGGTCTCACGATCGAAAGGTTGTGAGT  
TTAATTTATATGAATATGTCTACTTTTCTAATAGTTTGTGTTTCTTTTACCTCATT  
TGAATACGTTTCGCTAATTTGAATTACTGAAACATTGAAACAATCGTTGAATTTAG  
TTATATTGAATAATATAATCAACTGTGTACTATAAAAAAAAAAAAAAAAAACTATATA  
TAGGTTTCGTGGCACTTCAATTCTCTATTTGAAAATTGCAATTGAAA ACTATTATTT  
GAAAAAAAAAAAAATACA