

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

Locus: XP_016193366

Gene Model: XP_016193366.1

Description: AipEXPA-08

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

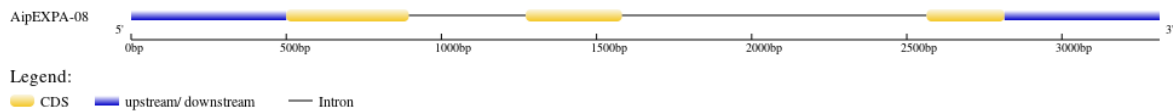
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

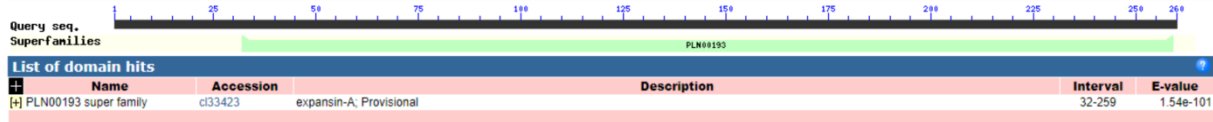
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-08

MKMAPLIMISSCFVWNLFMVLIGVSVSPVEAKSWLKAHATFYGANQSPISLGGACG
YDNTFHAGFGVNTAAVSTMLFRGGACGACYQVICDYRVPKWCLRRRSVTVTAT
NFCPPNNQGGWCDPPHHHFDMSAPSFRIARQGSEGIVPPLYTRVPCKRRGGVRF
TLRGQSNFNMVMISNVGGSDVKA VSIKGSRRSSWLP MHRN WGANWQSSVDLRNQR
LSFKLTLADGNTLQFLNVVPSSWRFQGTFSSRNQFS

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-08

AGGATTATATACATACACCATACTTAGTATCTTCTGTTTTGAGGTGGTAAAAAAA
AAAAGCGATTCAGCAAGAAAAGCAGTTTGTCTAGTGAGAATGAAAATGGCGCCT
CTTATTATGATTTTCATCATGTTTCGTTTGGAACTCTCTTTATGGTTCTTATCGGAGTA
AGTGTTAGTGTCCCTGTTGAAGCTAAATCTTGGCTTAAAGCTCATGCAACCTTCTA
CGGGGCCAATCAAAGTCCCATCAGCCTCGGGGGAGCTTGTGGTTATGACAACACC
TTTCATGCTGGGTTTGGTGTGAACACTGCGGCAGTGAGCACCATGCTCTTCAGAG
GTGGTGAGGCTTGTGGAGCATGCTACCAAGTGATTTGCGACTACCGGGTCGACCC
AAAATGGTGCCCTCCGGCGACGAAGTGTGACCGTAACTGCCACCAATTTTTGCCCT
CCGAACAACCAGGGAGGGTGGTGTGATCCACCTCACCATCACTTTGATATGTCCG
CTCCGTCTTTCTTTTCGCATTGCAAGACAAGGCAGTGAAGGCATTGTTCCCGTTCTC
TATACAAGGGTGCCATGCAAAAAGAAGAGGTGGAGTGAGATTCACGTTGAGGGGG
CAATCCAATTTCAACATGGTGATGATATCCAACGTGGGAGGCAGCGGGGACGTG
AAGGCCGTCTCGATCAAAGGATCGAGAGGCCGCTCGTCTTGGCTGCCTATGCACC
GCAACTGGGGAGCCA ACTGGCAAAGCAGTGTGGATCTCCGGAACCAGAGGCTCT
CATTCAAGCTAACATTGGCAGATGGGAATACACTGCAGTTTCTCAATGTTGTTCCCT
TCTAGTTGGAGGTTTGGACAGACGTTTTTCATCAAGAAACCAGTTCTCCTGAATCTT
ATCATTAGCTGGAAAGAGAGGCCATCGAATTCACATGTCCACAACCATGCCGTT
TTTAAAAGGCTGGAGTGGA

Nucleotide

>AipEXPA-08

GGACCCTCGTTAAACTGTTAAACCATTAAACCTGTCACCTGACCGGTTCAATAAC
CGGTCCGGTTCTCGCAACATTGATCATAATTGATACATTCTTTAGAATCTACCGAA

GAGCTTATAATGGATTATCCATTAGAATGTTGGATGCATCAACAAATTCTAAATG
CCTACTTTTTTATTGGACTATTCACTCTTTGTTGCTTCTAGTGTAACAGTTCTTGTC
TCTCTAAACTAATATTTTCGTTATTCCATATATGTAAATGAAATAATAAAAGTTTAA
CATACACATCATATCACATTAGGAGCATTACAAAATATAAAATTGGAACATATAG
ATGGTTTTCTCCATTATTGAATAAATAATCCGAAATAATACATACATTTTTTGCAAG
CAAATTTTGAAAGAATAAGTAAAGAACGCAAATTATATTATAAATTATAAATATN
NNNTTA
AGGTCCACTCCAGCCTTTTAAAAACGGCATGGTTGTGGACATGTGAATTTCGATGG
CTCTCTCTTCCAGCTAATGATAAGATTCAGGAGAACTGGTTTCTTGATGAAAAC
GTCTGTCCAAACCTCCAAGTAGAAGGAACAACATTGAGAACTGCAGTGTATTCC
CATCTGCCAATGTTAGCTTGAATGAGAGCCTCTGGTTCCGGAGATCCACACTGCT
TTGCCAGTTGGCTCCCAGTTGCGGTGCATAGGCAGCCAAGACGAGCGGCCTCTC
GATCCTTTGATCGAGACGGCCTTCACGTCCCCGCTGCCTCCCACGTTGGATATCAT
CACCATGTTGAAATTGGATTGCCCCCTCAACGTGAATCTCACTCCACCTCTTCTTT
TGCATGGCACCTATTTTCATGTGATGTACGGACATGCATGAAATAGAGATTAAC
TATATAGTTCGTAGACATTAGGGCACTAATTAAGATCGTATTAGCTTAGTATTGCT
CTAGATATATTGTTATCAATGAAAAAGTCCCTTTTCGAAAGTAAAATAAAATATA
GTAAACGGAATTTATGAAATTTATTTAGAGATTATTATATTAAAAAAATTAATT
AATAGATAAATATGATAAAAAAATAATACATTATAATGGGAACAATTAATTA
AATATGATAAAATAACAATTAATGTTTCAAGTAAATTTACAAATGTCATTATTAA
GCCCTGCCTCGTCGACCCTTTATCATTCTTTTATTATTTTAATTTAATTATTGTTA
CCTTGTATAGAGAACGGGAACAATGCCTTCACTGCCTTGTCTTGCAATGCGAAAG
AAAGACGGAGCGGACATATCAAAGTGATGGTGAGGTGGATCACACCACCCTCCC
TGGTTGTTTCGGAGGGCAAAAATTGGTGGCAGTTACGGTCACACTTCGTCGCCGGA
GGCACCATTTTGGGTCGACCCGGTAGTCGCAAATCACTTGGTAGCATGCTCCACA
AGCCTCACCACCTCTGAAGAGCATGGTGTCTACTGCCGCAGTGTTACACCAAAC
CCAGCATGAAAGGTGTTGTCATAACCACAAGCTCCCCCTTCAAATGCAATAAATA
AGCTTCAATGCTAATTGAATTCAATAAAATATCATTAAACAACAATATTGCTTCTCA
TGGTCAAATATAATAATAAAGAAGGAATAAAAGGCAGATATCTTTTGTGTTGGCC
TTCAGTTTTGAAGTATCTTTAATATTTACATCCCTTGTTAACTGTCAACAATATTTT
TCACTATACTGAGCATAACATCTTTTCTTTTTTGTGTTTCTCCTCTTCATCTTTGGG
TTATATTCTAGTGTAATTGGATTGATTTTTTCGGTTAATTATATATGAAAACAAC
AAAAAGTTCGGTATGATAGATAAGTACTTGTGTTTCTAATAATTAATTTGTTACTT
AATTAATTAATAAATCACCTACAACCTAAATTGAATAAGCATAAAATAATTAGATC
TCACTTTTTTTTAAATACAAAAGAGTATTTATTCTAAAAAATTAATTTGTTAAATA
AAAATATATAAATACACATATAAATAGATATATATCATATACACCACTCACGCAA
TATAAGGTCATTTTTTGTGTTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNACGGTTATATTTA
ATATATATTTTTTATTTTCCAAAGTCATAATTACCGTAAAAGAAAAAAGGTAAG
GAAAGGCCTTGATATCTTATTTTGCTCACTTATCAGACTGCAAGAATAGGTTAGA
TCAACTCACAAGAATATCGTCTATACAAGGATCTTTCTATATTTGATGAGCGCTAT
GCCCAGAAATATTTATCATGTATGTATATATAACGAGAAATATTATATAGTTATAA
GAATTTATTATTTTCGATCGTTACCTTTAGTTATCAATTTAATAATTTAATAATGTA
TTTTAATTTTCATTTTTTAAATATTAATAATTAACCTAAGTAACTAACAATAAATAACA
TTTTAATGATCCTCTAGTATTTTCATATATATAATTTGTGACACTATGTAGCGTGTG
TTAAAAAGTAACATACCGAGGCTGATGGGACTTTGATTGGCCCCGTAGAAGGTTG
CATGAGCTTTAAGCCAAGATTTAGCTTCAACAGGGACACTAACACTTACTCCGAT
AAGAACCATAAAGAGATTCCAAACGAAACATGATGAAATCATAATAAGAGGCGC

CATTTTCATTCTCACTAGACAAACTGCTTTTCTTGCTGAATCGCTTTTTTTTTTTTAC
CACCTCAAAACAGAAGATACTAAGTATGGTGTATGTATATAATCCTTGGAGAAAG
TGCCCCGGTTTTATAAGATTTGAAAACGCGGTTGTTCGGTGATTATATATAAAATT
AATTGGATCTGATATTTAACTAAACTTTGATGGAATATCGAGGAATTATGATGAA
GGAATTGAAAACGCGTTTTTTCCTTTGTACATTCTGTGAAGTACGGAAGACATGTA
CGGCTGGCTGGACTGCTGAATTTCCGGACAAGATGATATGCAAGCACATGCAATG
GCTTGCTGCCACCGCAAAGTTTTCAATACCCTCCTCTTCTAATTAATAATCAACGAA
CTCTGCCCTTGCTCTATGACAAATTTATAGAAGTGTTTGCTTCGGTACGATAATAA
ATTCATACGTATCAATACGATAAAAATGTGGACAAATTAACACACGACGTGTGG
ATTATATTTTCCACGTCATTAATCAATTTTTTCTTTTTTAAATTTAAATCATTTTAA
TACTTTTTTCTTTTTACCAAAGATAGGAGATTCTGAACCCGCAACCTC