

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

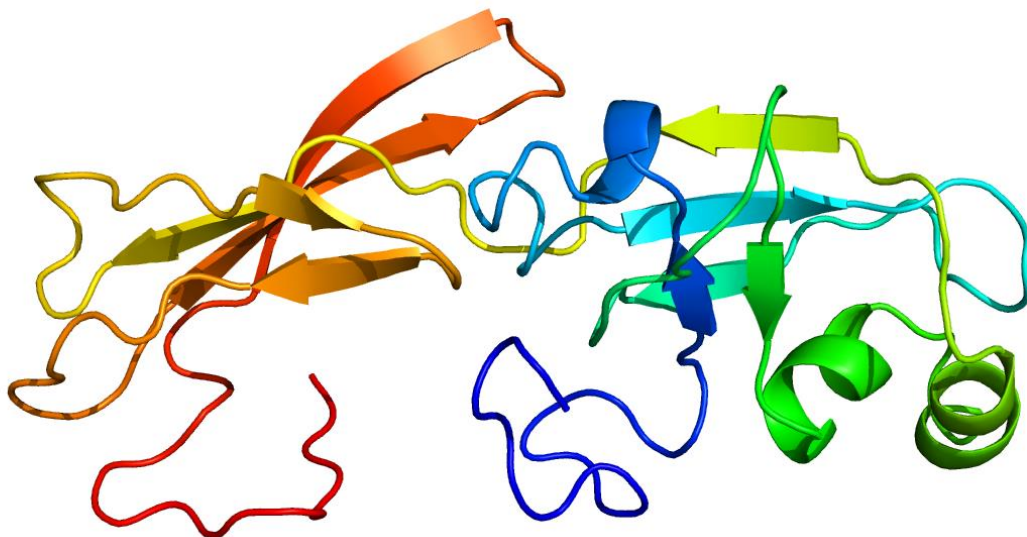
Locus: AUR62007160

Gene Model: AUR62007160

Description: CqEXLB-06

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

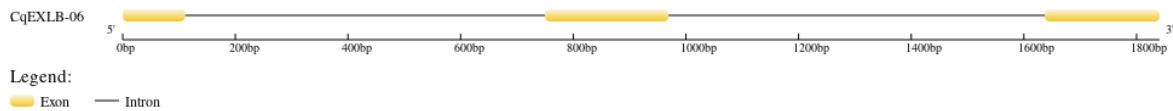
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. GCGYGEYGR I I N N G D V A V V T S S K L Y K G G A S C G A C Y K V K C K E A V C N E D G V V V M V T
Superfamilies PLN03023

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN03023 super family	c133621	Expansin-like B1; Provisional	1-176	7.35e-65

SEQUENCES

Peptide

>CqEXLB-06

GGCGYGEYGR I I N N G D V A V V T S S K L Y K G G A S C G A C Y K V K C K E A V C N E D G V V V M V T
D Y G V S D G E T D F I L S S N A F N K M A M P N Y E K E L R D D G R V P I E Y Q R V A C Q F P G K S L T L K E Q
A L E W K R C R R V Y G A V W D I A N P P R G P L T V R F F L D G S A T K R A R W V L V P K V I P I Y W Q A G V
A Y D T S I Q L N *

CDS (coding sequence)

>CqEXLB-06

GGAGGGTGTGGATATGGTGAATATGGAAGAATTATCAACAATGGAGATGTAGCT
GTGGTTACTTCTTCTAAACTCTACAAGGGTGGAGCTAGTTGTGGTGCTTGCTACAA
GGTGAAGTGCAAGGAGGCAGTATGCAATGAAGACGGAGTGGTGGTGATGGTGAC
AGACTACGGTGTATCAGATGGCGAAACCGACTTCATATTAAGCAGTAATGCATTC
AACAAAATGGCAATGCCTAATTATGAGAAGGAGTTAAGGGATGATGGTAGAGTT
CCCATTGAATAACCAAGAGTTGCTTGCCAATTTCTGGCAAATCTCTAACACTTA
AGGAACAAGCCCTAGAATGGAAGAGATGCCGGAGAGTGTACGGAGCTGTTTGGG
ACATAGCAAATCCACCAAGAGGTCCTCTAACAGTGAGGTTCTTCTTAGATGGAAG
TGCAACTAAGAGAGCAAGATGGGTTTTGGTGCCATAAAGTCATTCCTATCTATTGG
CAAGCTGGTGTGCTTATGATACTTCTATTCAACTTAATTAA

Nucleotide

>CqEXLB-06

GGAGGGTGTGGATATGGTGAATATGGAAGAATTATCAACAATGGAGATGTAGCT
GTGGTTACTTCTTCTAAACTCTACAAGGGTGGAGCTAGTTGTGGTGCTTGCTACAA
GGTAATCTTAATTACTATTTTTTTTTTTTTTAAAAGAAACATTA ACTATATTATTC
AAAGAAATAGTTTCTTATGGCTTGGATTATCAAATAAGTACCTCATGGCTTTTATC
TAGCTATTTATTTTGAATAATTTTTTGAGTGAAATTACCTGATGACGTGAGATCGT
TTTTATATTAAGCTAGTCCATCTTTGGAAAATAGTTGACTTAATAGGATTGCGCCC
TTGGTCCAAAATATTTGTCACGTTATTCAAATCCATCAATATGAGTATGACTAGC
TATGATAATATATGACTTTTCAGATCAGATTATACATAATTTAATTTCAAGGCATA
TAACCTATGGAGTATTATTGTTATTTGTTACTCTTTAGAGGTAACCTTTTCCAC
ACACCTTAGAATAGTACTCGTATGACTATTAATTCTTGGCAAAGAAGACAGCTTGT
TTCAATATTCAGAGCATATTTAGTTTTTACATTTCACAATTTAGGCATATTAATT

AATTA AAAAATTAGCTATATTA AATTACATTAAGGGCACATTT CACA CTTC CTTT
AAATAAGATTGATTAATTTT TAAGGGTGATCATCATA AAAATGCATTATAATTGGT
TTTGGATGAAAATGTACATATATAGGTGAAGTGCAAGGAGGCAGTATGCAATGA
AGACGGAGTGGTGGT GATGGTGACAGACTACGGTGTATCAGATGGCGAAACCGA
CTTCATATTAAGCAGTAATGCATTCAACAAAATGGCAATGCCTAATTATGAGAAG
GAGTTAAGGGATGATGGTAGAGTTCCCATTTGAATACCAAAGAGTTGCTTGCCAAT
TTCCTGGCAAATCTCTAACACTTAAGGTTGCGGAACATAGCCGTTTTCTTCTTAT
TTGTCATTTCTGTTCTTGTACCAAGCTGGAGATGCTGATATCACCGCTGTTGAAAT
GTTTGAGGTATATATA CAATGACCTTTTATTTATATTTATTTTTTAAATGTAAAGA
AATATATGGAGTATATTGTTTTGTAATTTTTACCTTTAACTTCATGTCTTCATGGTT
CAAGGTTAATCTTTAAATTAAACCCTAGAAATAATTATAATATCCAATAGGAAAA
CAATTA AATTGATGAATTTGATTATTGATTGGAGTGGAGAAGTAAACAAATAGAA
ACTATTTAAAACCTTTCTCTCCAAAATTTAAAGTAACTCAATATTA AAAATTA AAC
CATAATTTATTAGAGGATTAATATTTAGAATGGTATATGTAGTTCACATGAATAT
GTATTAATTTAATAATTAAGTCACCCGTGGTATTTAAACAAATATGTACAATCCA
CCACCATTCAATTATATAATAAAATCACTAGCAATTA CTCTACATACTGTTTTGTTG
CAACGAAAAATATAGATGTGACCGGTTGCATATAGGCTTTTCGCGTAAATATTTTG
ACACTTATTATCTTTAGAAATCAATTGTAAAAGCTCTTTCTACATGTATATTTGGT
GATGTTGTGCTTAAAATATGTACAGGAACAAGCCCTAGAATGGAAGAGATGCC
GGAGAGTGTACGGAGCTGTTTGGGACATAGCAAATCCACCAAGAGGTCCTCTAA
CAGTGAGGTTCTTCTTAGATGGAAGTGCAACTAAGAGAGCAAGATGGGTTTTGGT
GCCTAAAGTCATTCCTATCTATTGGCAAGCTGGTGTGCTTATGATACTTCTATTC
AACTTAATTA