

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana sylvestris*

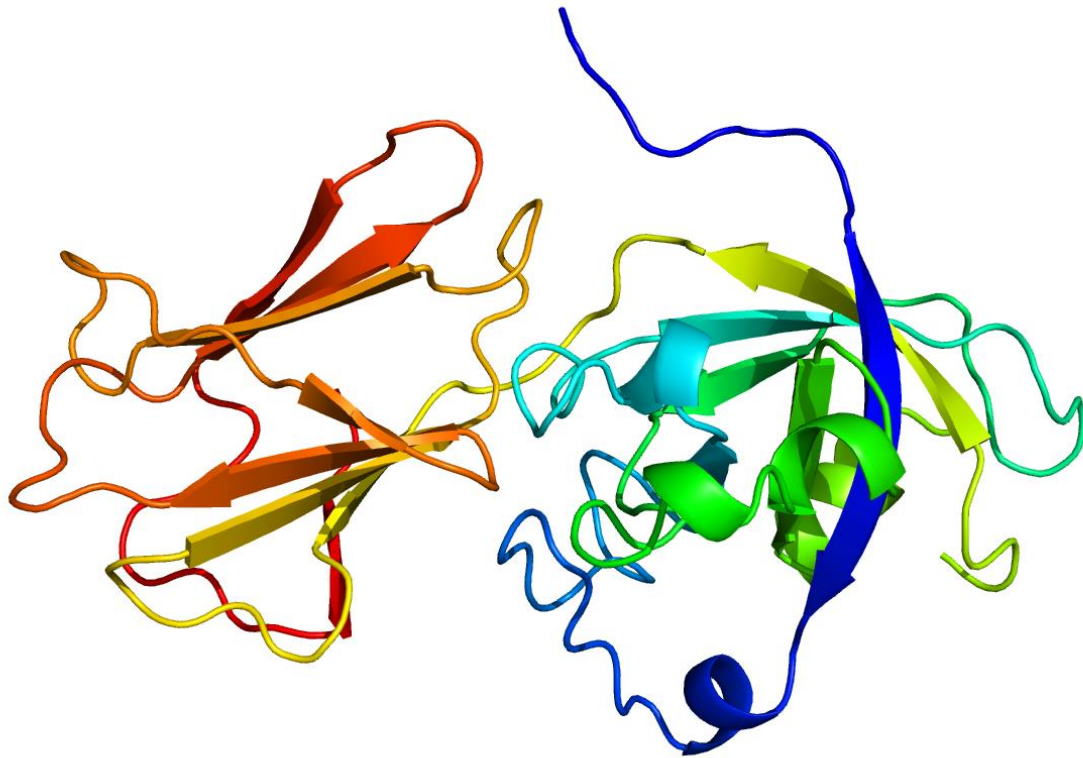
Locus: XP_009800063

Gene Model: XP_009800063.1

Description: NsEXPA-18

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

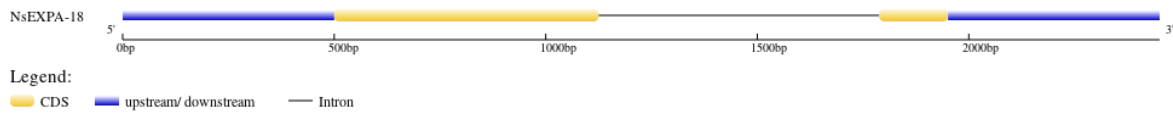
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

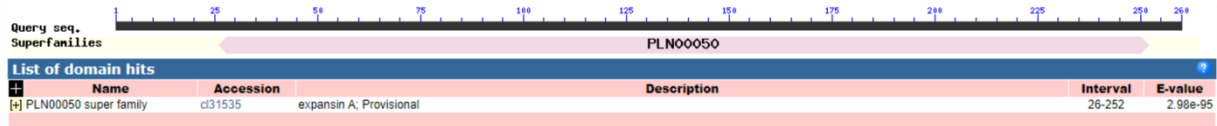
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-18

MAKHQKNLYLVITIFASFIVVAFESKQVEGALNGDGWRNARATFYGDKTGGETMQG
ACGYGNLFHQGYGLETAALSTALFHNGATCGACFEIMCVNTPQCNAGVKITITATNF
CPPDYSKTADVWCNPPQEHFDLSEPMFLRIAKYKAGVVPVVYRRVKCQKKGGIRFEI
KGNSYWILVLVYNVGGVGDVANVKIKGSKTGWITMSRKWQNWQTSACLVGQSL
FQVQTSNDRWVQSDNVVPHNWQFGQNF EAKNNFNP

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-18

ATGGCAAACATCAAAAAAATTTATATTTGGTCATCACCATTTTTGCTAGTTTTAT
AGTTGTAGCATTTGAAAGTAAACAGGTTGAAGGAGCTTTGAATGGTGATGGATGG
AGAAATGCCCGTGCTACATTTTATGGAGACAAAACCGGTGGTGAACACTATGCAG
GGAGCTTGTGGCTATGGAAATTTGTTCCACCAAGGGTATGGCTTGGAAACAGCAG
CACTAAGCACAGCACTTTTTTACAATGGGGCAACCTGTGGAGCTTGCTTTGAAAT
AATGTGCGTAAATACTCCTCAATGCAATGCAGGGGTAAAAATTACAATAACAGCC
ACCAATTTCTGCCCTCCAGATTACTCAAAAAGTGCAGATGTTTGGTGCAATCCTCC
CCAAGAACACTTTGATTTATCAGAGCCAATGTTTTTAAGAATAGCCAAATATAAA
GCAGGGGTTGTCCCTGTAGTTTATAGGAGAGTCAAGTGCCAGAAAAAAGGAGGG
ATCAGGTTTGAGATCAAAGGGAATTCCTTATTGGATTCTTGTCTTGTTTACAATGT
GGGAGGTGTTGGAGATGTGGCCAATGTCAAAAATTAAGGATCTAAAAGTGGTTG
GATTACTATGTGCGAGAAAATGGGGCCAAAATTGGCAAACCTTCTGCACAATTGGTA
GGACAGAGCTTGTCTTTCCAAGTACAAACTAGTGATAACCGATGGGTTCATCTG
ATAATGTTGTTCCCTCATAACTGGCAATTTGGTCAGAATTTTGAAGCGAAGAATAA
TTTTAACCTTGATGTAT

Nucleotide

>NsEXPA-18

ATTTTGGCTTCGTCATTAATTAAGGGTAGACTCTCTATATAAATAGAAGCTAATTT
ATTATGTATGTGGATAAATGGGTTCAATCGAGATTGTGTTTATCTTTGTTTCTTAA
ATCTCTAGCTATATTACCTCCGGTCTACAATAAATGAATTTTTGGTATTTTATTGT
GGTCCAAAATATCTGATTTTTTTAGATTTCAAGAATGAATTAATTAGTTTTTTCTA

TATTACCCTTTGACTAAATAGTGTTGGAGTGTGTGTCAACAGTATTTATGTGAAGA
GATAGTAAATATTAATATAGTTAATTTTATTGGTAATTAGTGTTAAAAGGTAAATT
TCTTAATATGAGTGAATACAACCATAAACTCATTTATCGTGGACCGTCGGGAGTA
ATATATTACACTAAAAGCTATATAGAATGAATGTAATAAACAGAAATTAAGAAA
AAAGATTGATAAACTATCTATTGATTAGAAAAGATTAATCATTTCCGTTTCCAGA
ATACATCAAGGGTTAAAATTATTCTTCGCTTCAAAATTCTGACCAAATTGCCAGTT
ATGAGGAACAACATTATCAGATTGAACCCATCGGTTATCACTAGTTTGTACTTGG
AAAGACAAGCTCTGTCCACCAATTGTGCAGAAGTTTGCCAATTTTGGCCCCATTT
TCTCGACATAGTAATCCAACCAGTTTTAGATCCTTTAATTTTGACATTGGCCACAT
CTCCAACACCTCCCACATTGTAAACAAGAACAAGAATCCAATAAGAATTCCTTTT
GATCTCAAACCTGATCCCTCCTTTTTTCTGGCACTTGACTCTCCTATAAACTACAG
GGACAACCCCTGCTTTATATTTGGCTATTCTTAAAAACATTGGCTCTGATAAATCA
AAGTGTTCTTGGGGAGGATTGCACCAAACATCTGCAGTTTTTGGAGTAATCTGGAG
GGCAGAAATTGGTGGCTGTTATTGTAATTTTTACCCCTGCATTGCATTGAGGAGTA
TTTACGCACATTATTTCAAAGCAAGCTCCACAGGTTGCCCCATTGTGAAAAAGTG
CTGTGCTTAGTGCTGCTGTTTCCAAGCCATACCCTTGGTGGAAACAAATTTCCATAG
CCACAAGCTCCCTCTGCAATAGTATCCAAATGTTCAATTAATATGTATATTGTGAGC
CAACCAACCCTTGGGTACGTTGGAAATATTAATAACAACAATAAACCCAGTGTA
ATCCTACGTGTGAGATTCTGGGGAGAGTAGTATGTACGCAGACCTTACGCCAACC
TTGTAAAGGTAGAAAGACTGTTTTTAATAGACCCTCGGCGGGTTGTAAATATTAA
ATAGAACTACTAAAATCTCTCATAAGCTACATTGCTTAAATCTGCCAAGAGCAAA
AGCTCCATATCTTTGATCTCCCTTCCATACTACAAAGCTGCAAATATTTTTTTAC
GCATATGTGAAAATGTTCTTGTAACACCTTGTTTCTCTATTTCATTCTTTTAATTCAA
TCTTAATATGAGTCCATAGTAATTTTTCACTTCCTCGTGTGTGACCAGTACCACTA
GCCTATCATTAAATAAATGTATTTTTTCAACTGAGCAAGCTTCACTCTTGTTTATCA
ATTTTTTAGATGGAATATTTATTTCAATTTCCAAGAAGAAAAAGAAAATTATAATT
GTGAAATTGACGTTTATGCCATCCATTTTCATGGTTTGGAAATCATTGGCTTTTAT
AACTATACTACTAATATTTTTTGTGTAATATTGTAACATAAGTATTGTATGAGTA
TAACCTACGCATAGTTTACCACCGGTTTTGTCTCCATAAAAATGTAGCACGGGCAT
TTCTCCATCCATCACCATTCAAAGCTCCTTCAACCTGTTTACTTTCAAATGCTACA
ACTATAAAACTAGCAAAAATGGTGATGACCAAATATAAATTTTTTTGATGTTTTG
CCATTTTAGGCTTAACAATCTTCTCTAAATTAGTTTCAACTCTGTGGTTGATTTGC
CTAGATAATGGAGTGCTTTGGCGTGAAATTTATAGCCAAAATCTTAAGAGCAACA
ACATTAAGGCCATGGAAAAAGGATAATCCAATAGAGATTACAATTGTTGTTGTA
AATTTGGAGATCACGGAATGATTAATTTGCAAATTAATGCAATAATTTAGTCAT
TTTGCTATTATAGTAGATTGCTGCAATTTAGCTTGTCTTCCCAATTAGTCATGACT
TGCTTTTACGTGCATATAATTAGGCAATCTGCATCAGTTTTGGTAAAGATAAATG
GGGTTAAGTTACTTCGTTTGTCTTATACTTTAATGAGAAAAATAAGATAATAGAA
AATTAGAAATTGGTTAGCACTGCTTGTTTGGATGATGGTTATGTATCGTTTCATAA
TGTATCGTATTGTATTGTATCGTGTTGATGTATACAATGTTTGGATAGATTGTTGT
CACG