

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

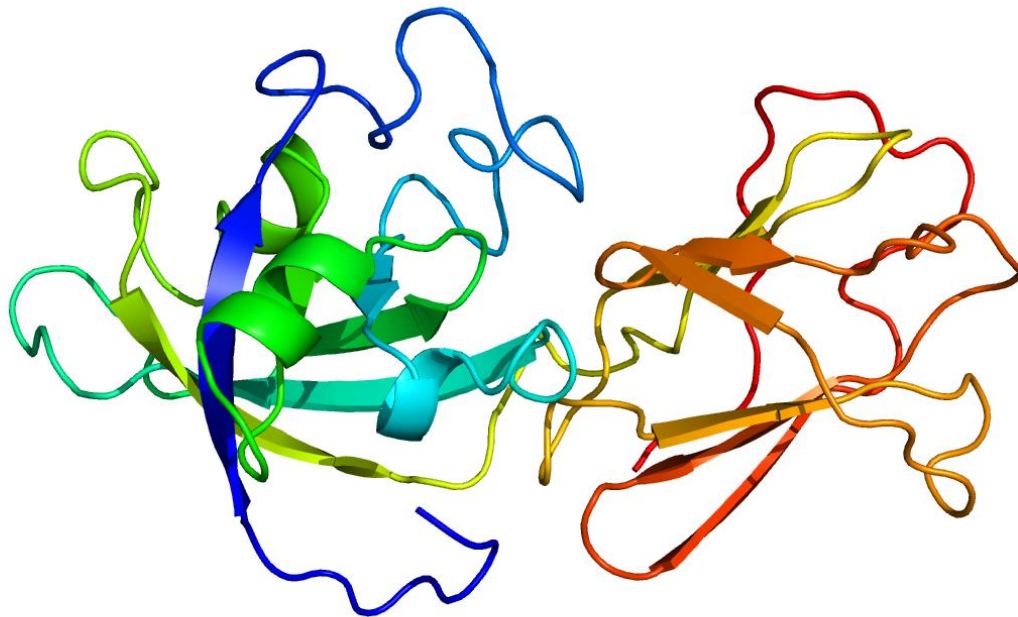
Locus: XP_016180319

Gene Model: XP_016180319.1

Description: AipEXPA-27

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

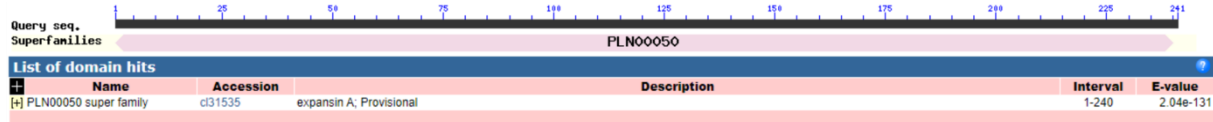
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-27

MALLGFLLLVFISMLS YVSA YGYGGWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQ
GYGTNTAALSTALFNGLSCGACYEIRCANDPHWCSPASIVVTATNFCPPGGWCDPP
NHHFDLSQPVFQQIAQYKAGIVPVIYRRVRCKRRGGIRFTINGHSYFNLVLVTNVGGA
GDVHGV AIKGSRTRWQAMSRNWGQNWQSN SYLNGQSL SFLVTTSNGHSVVSYNVA
PPSWSFGQTYTGRQFP

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-27

AGATAAAATAAAGCAGAGATTCTAGTAAAATTTGAGTCCCAAGAACA CTATAGT
AATCCTTCTGAGTTTCTCACATAGTAATTTTGAAGATGTTGCAATTTGCATGCATG
GTCCCAAATGTGTCAGGTCTTGATGTTGACTGACCTCTCTCTATTTATCACTCT
ACA ACTCGCCCCCTCAATTTCCCTCAAACCCA ACTTCTTCTTTCAACAATCTAACTTA
ACTCCCTGCTTCTTAAGGAAATTCATGGCTCTTCTTGGGTTCTTCTTCTGGTGT
ATCTCCATGCTCTCATATGTTAGTGCCTATGGATATGGTGGTTGGATCAATGCACA
TGCCACATTCTATGGTGGTAGTGATGCTTCTGGAACAATGGGTGGAGCTTGTGGA
TATGGAAACCTGTACAGCCAAGGGTATGGGACAAACACAGCAGCACTAAGCACA
GCATTGTTCAACAATGGATTAAGCTGTGGAGCATGTTATGAAATAAGGTGTGCAA
ATGACCCACACTGGTGTTCCTGCCTCAATTGTAGTAACCGCCACTAACTTCTGC
CCCCCTGGTGGTTGGTGTGACCCTCCAAATCACCATTTTGATCTCTCTCAGCCTGT
TTTTCAGCAAATTGCTCAGTATAAAGCTGGCATTGTTCTGTGATTTACAGAAGGG
TGAGGTGCAAGAGAAGAGGGGGAATAAGGTTCAACCATAAATGGCCACTCATACT
TCAATTTAGTCTAGTAACAAATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTGCATGGTGTGGC
CATCAAAGGTTCAAGAACTAGATGGCAAGCAATGTCAAGAACTGGGGGCAAAA
TTGGCAAAGCAACTTACTTGAATGGACAAAGCCTTTCATTTT TAGTTACCACAA
GTAATGGCCACAGTGTGGTATCTTACAATGTTGCCCTCCAAGTTGGTCTTTTGG
CAGACCTACACTGGAAGACAATCCCTTAAATTTACTAACCTAACCTTTTGGTTAT
TGGACCATCCTCCTTCATAAAAGTTTTAGTAGCAATATATGATGAGATTGATATAT
CATCTATAAAGTACTAAGCTATAGTTGAAATAGAATAGTCTTAGATCGGTCAACA
TTTATTAATTGGGCCAAAGTGAAGAAGGTTAATAATTAAGTACCCTTCTTCTTAGT
ATATTTTGTGTTGATTTTCAAGGTTTTATAATTTGTAGATGGA ACTTATGGTAATT
AGCAGCAGAAATCTATCAAAGAAGTAGATAAAATCTAAATAGGCAAATAAAA

GAGAAAAAAAAAAGAGTTTTATATTTGAACTAGGTTATTAGCTAGGTGTGAGGT
TTTATATGCCATATTGCAATGTGAAGATGCCAATTGATGAAGATCCTTTTGCAAAT
TGGATTCTACAATTATTATTGGGAAATATCAAGGATATGAATATTATTATTGTTA

Nucleotide

>AipEXPA-27

TCTTCAATTGACATCCTCACATTGCAAACTTCACAGCTAGCTAAATAACCTATTC
TCAAATAGAAAACCTTTTATTTCTCTTTTATTTTGCCTCTAGATTTTGTATACTTTTG
GTAGATTTTCATCTGCTAATTAGCATAAGTAACATCTGCAAAATTAATAAAAAA
CTTGGAATACAAATAAAATATACTAAGAAGGGTACTTAATAATTAACCTTCTTC
ACTTTGGCCAAATTAATAAATATTGACCCATCTATGTGTTTGTGTTTGTGAGATAAA
AATAACGGTAAAATTTTGTAGATACAAAATAATTACTAAAACCTCAATTTATTTATT
CATCCTTATCTTCTTATAATAGGTATTAGATTACTATTCTTATTATTTTCTTTCTTT
TTTTTTAATTCTAATTTTCAAACCTATATGTAACAATGAAAATATATACTTACATTT
TGCATTAATAAATAAATAAATAAAATCTAATCAAAGTACAAAAAGAACATACTA
ACAATAATAATATTCATATCCTTGATATTTCCCAATAATAATTGTAGGAATCCAAT
TTGCAAAAGGATCTTCATCAATTGGCATCTTCACATTGCAATATGGCATATAAAA
CCTCACACCTAGCTAATAACCTAGTTTCAAATATAAAACTCTTTTTTTTTTCTCTTT
TATTTTGCCTATTTAGATTTTATCTACTTCTTTTGTAGATTTCTGCTGCTAATTAC
CATAAGTTCATCTACAAAATTATAAAACCTTGAAAATACAAACAAAATATACTA
AGAAGAAGGGTACTTAATTATTAACCTTCTTCACTTTGGCCAATTAATAAATGTT
GACCGATCTAAGACTATTCTATTTCAACTATAGCTTAGTACTTTATAGATGATATA
TCAATCTCATCATATATTGCTACTAAAACCTTTTATGAAGGAGGATGGTCCAATAA
CCAAAAGGTTAGGTTAGTAAATTTAAGGGAATTGTCTTCCAGTGTAGGTCTGTCC
AAAGGACCAACTTGGAGGGGCAACATTGTAAGATACCACACTGTGGCCATTACTT
GTGGTAACTAAAATGAAAGGCTTTGTCCATTCAAGTAAGAGTTGCTTTGCCAAT
TTTGCCCCCAGTTTCTTGACATTGCTTGCATCTAGTTCTTGAACCTTTGATGGCC
ACACCATGCACATCACCAGCACCTCCAACATTTGTTACTAGGACTAAATTGAAGT
ATGAGTGGCCATTTATGGTGAACCTTATTTCCCCTCTTCTCTTGCACCTCACCTA
CAAACAAAATCCATCAAAAAGGAAGAAAACATTTTGTGGGTCTATAAAATTA
ATATTTCAGAAGACTAAAATTAATATTGAGTACGGATGACATTTTGCACATCAT
ATGACCAAAAATTTATAATCATTTAAAGGAAAACTCAAATATTTTCAAGAAGTCA
TAAAAAAATTATCTACAACCATATTTAATAGGGTAAAGTTCTAAAGTATGTTTTTT
TCTTAATATATGCAATTTTTTTTCAAAAATATCCATAATGTTTAATATCATTTAAT
TTTATTCTTATTATTTTAAATTTATTCAATTTTATCTTTAATATTTTGTAGATNNNNN
NN
NN
NN
NN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNNNATACCAAATGTAACAAAACATACTTTACCCTATGTAATA
TTATATTTACAAGAGTATTTGGTGTGCATTATATATATATATATCATCATATTTTCAT
AAAAGTTTAAATGTATGAAGAGTAATTATAATACACCTATAGTGGACTTGAATCA
TAACACATAATTCACATACTCAAATCTAAATTCATAATTAGTTAACATCATAATCC
CATAAAGCAAGTTAATTAAGTGAATATTAGAATAACCTTCTGTAAATGACAGGA
ACAATGCCAGCTTTATACTGAGCAATTTGCTGAAAAACAGGCTGAGAGAGATCA
AAATGGTGATTTGGAGGGTCACACCAACCACCAGGGGGGCAGAAGTTAGTGGCG

GTTACTACAATTGAGGCAGGGGAACACCAGTGTGGGTCATTTGCACACCTTATTT
CATAACATGCTCCACAGCTTAATCCATTGTTGAACAATGCTGTGCTTAGTGCTGCT
GTGTTTGTCCCATAACCTTGGCTGTACAGGTTTCCATATCCACAAGCTCCACCTTC
ATTTTCACATCATATCATACAAATTAGAGCATCTTAATTGGTATTCTGTATTCTTTT
GGTTACGGGCTAATTTTGTAGTGTACACGCATTATGATTGTTTCTTTTAGAGTATTTG
AATATATTTGACATCTAATTACGACATTAGTAAAAAAACCACCTTTCACATTAAT
AGCGTAAATGATCATCCAAAAGAGCGGATGTGATTGTACGACTGTATAAAACGCT
TTACACTGTTTGTGCATTAATAAATAACTCATGTTTAAAGTATTTTAAAGTTTGTA
CCTTGAATCTTATTAATAAATACTTAGTGCATTGGTTGCTTAATTAAGTTTACTAT
AATTAATATAAAAGGAGTATAAGTGAAAAAATTTTAAATTAACATAATCAAATA
ATTTATGTTAACAAAATTAATTTTGGATTAAAAAAAGTGACCAATGTTATTTAAC
AGAGAGATTATGTATGTAGCATAAATATGAATATGAGATAAAAAGAAATAGAAG
GAATATTATGCAACTAATTGCAGAACTGAAACACAAAGCTATGCATACCCATTG
TTCCAGAAGCATCACTACCACCATAGAATGTGGCATGTGCATTGATCCAACCACC
ATATCCATAGGCACTAACATATGAGAGCATGGAGATAAACACCAGAAGAAGGAA
CCCAAGAAGAGCCATGAATTTCCCTGCACAAATTAATGAGATGATAGAAAAAA
AATTAGAATATTCACAAATTCAGCAATTAAGAAAGAAATAATAAGGGAAGGTA
GTAAATTAATTAAGAAGCAGGGAGTTAAGTTAGATTGTTGAAAGAAGAAGTTGG
GTTTGAGGAAATTGAGGGGCGAGTTGTAGAGTGAATAAATAGAGAGAGGTCAGT
CAACATCAAGACCTGACACATTTTGGGACCATGCATGCAAATTGCAACATCTTCA
AAATTACTATGTGAGAACTCAGAAGGATTACTATAGTGTTCTTGGGACTCAAAT
TTTACTAGAATCTCTGCTTTATTTTATCTTATGTAAACACAGTAGCGGATCTATAA
AATTTTGATTGTGGGAGCAAAATATATATATAACATAATAATAATTTAGGTTTAG
CTAACATGTATCCTAAGAGCACATAACAAGCTTATTATTAGTGAAAGATTTTAAA
TTTTTTCATTTAATAAATACATTAATAAATTTAACTTTTTGAATTTTCAATAAAAA
TATTCTCAATTTGTAATCTTAATATGTGTTTTTAAGACACNAAAATTGAGTAATTT
TTTTAATAATATAATCAAAATGTTTCTCTTTCTATATATATCACTAAATAATTATTT
AAAAATTCCTTCTCATACAATCAAAAGTCAACTCTCAGTGATATTCATAGTTAA
AAAAATTCCTTCAATTAATGTAGTTGTTACAGGAAAAACAAAATAATTTTAAAA
AAAGATAAATAATATCTTTTGTAGTTTATTTCTAAGAAAGAACATCAATCTCATTTA
AATTAATAAATTGATCATTCTAATAAACA