

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

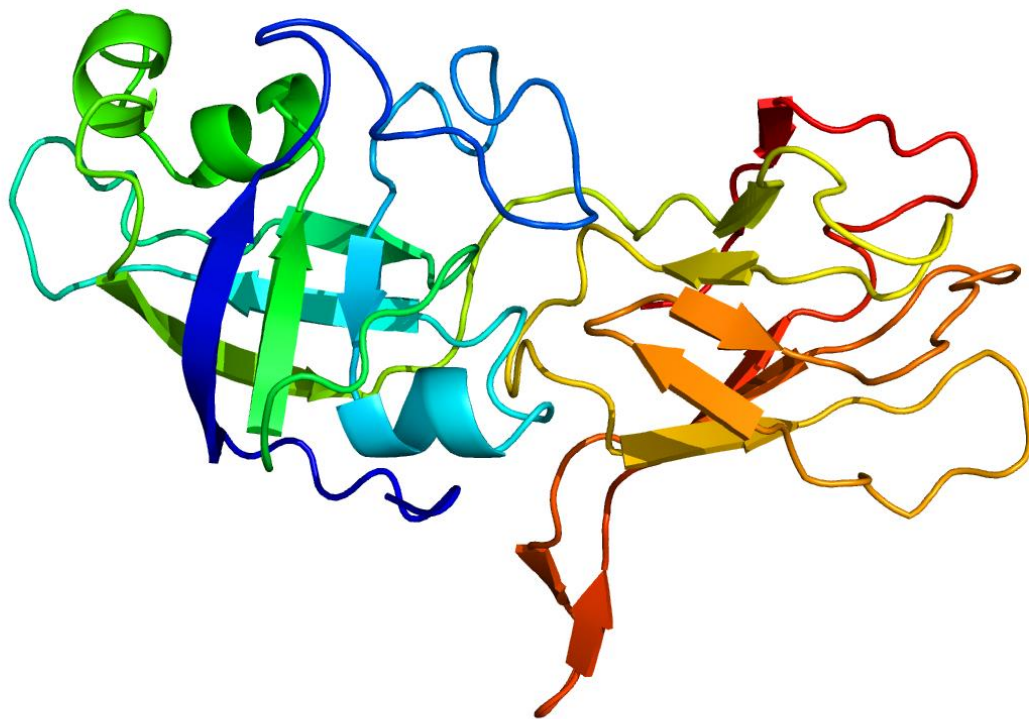
Locus: Migut.E00829

Gene Model: Migut.E00829.1.p

Description: MgEXLB-02

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

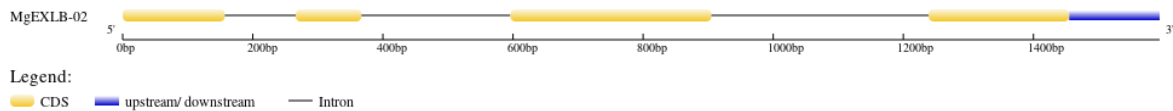
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

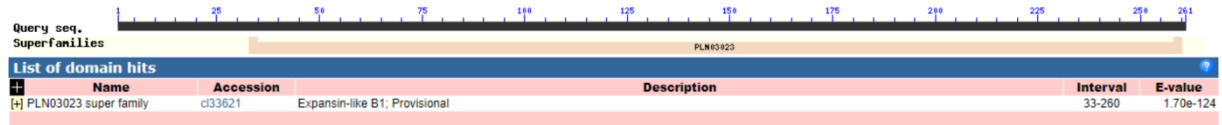
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXLB-02

MMIGRRSYNVFIIMSTKLIFLVAASLAQGDNDGYICSRATYYGSPDCIGNPSCGYGE
YGRTVYNGEVSGVSRLYKNGSGCGACYQVRCIPTHCSSEGTKIVVTDYGEHETDF
ILSARAYSNLALPNLAPQLLAYGVIDVEYKRVPCYASNLVIKVHHHSHFPTYFAILPI
YQAGTYDITDVQLWLEYCKEWRGMRRVYGTVWDMENPPIGMPINMRFQLVSGGAA
NANAEVKWLQIANVIPTDWKAGVAYDTGFQL*

CDS (coding sequence)

>MgEXLB-02

ATGATGATAGGTAGACGGAGTTACAATGTGTTTATTATTATGTCCACCAAATTGA
TATTTTTGGTTGCAGCAGCATCACTAGCCCAAGGCGACAACGACGGATATATCTG
CTCTAGAGCTACCTACTACGGAAGCCCTGATTGCATTGGGAATCCATCTTGTGGG
TATGGAGAATATGGGAGGACAGTTTACAATGGTGAGGTGAGTGGTGTCTCAAGA
CTTTACAAGAATGGAAGTGGCTGTGGTGCCTGCTATCAGGTGAGGTGTAAAATCC
CAACACACTGCAGTGAAGAGGGAACAAGATAGTGGTGACAGATTACGGTGAGG
GTCACGAAACGGACTTCATTCTGAGCGCACGTGCCTACTCCAATTTGGCTCTCCCT
AATCTTGCTCCTCAGCTCTTAGCCTACGGTGTATTGACGTCGAGTATAAACGAGT
CCCTTGACATATGCCTCTAATCTTGTTATCAAAGTCCACCACCACAGCCATTTCC
CTACCTATTTGCCATTCTACCTATTTATCAAGCTGGTACATATGATATCACCGAT
GTTCAACTCTGGCTGGAGTATTGCAAAGAATGGAGGGGGATGCGAAGGGTATAC
GGAACAGTATGGGACATGGAAAATCCACCAATAGGGATGCCTATAAACATGAGA
TTCCAATTAGTGAGCGGTGGAGCTGCTAATGCTAATGCTGAAGTTAAGTGGTTGC
AGATTGCAAACGTTATTCCCCTGATTGGAAGGCTGGAGTTGCATACGACACTGG
CTTTCAACTTTAA

Nucleotide

>MgEXLB-02

ATGATGATAGGTAGACGGAGTTACAATGTGTTTATTATTATGTCCACCAAATTGA
TATTTTTGGTTGCAGCAGCATCACTAGCCCAAGGCGACAACGACGGATATATCTG
CTCTAGAGCTACCTACTACGGAAGCCCTGATTGCATTGGGAATCCATGTATATAT
GTTAACTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTACTTAAATCTTTTTTACTATACTTTGATCAT
TGTATAAATATTGTTAATTGAAATATACTGTTGCAAATGGAGCTTGTGGGTATG
GAGAATATGGGAGGACAGTTTACAATGGTGAGGTGAGTGGTGTCTCAAGACTTTA
CAAGAATGGAAGTGGCTGTGGTGCCTGCTATCAGGTAACAATATTATTTATATAT

CTACTTATTAATTCCCTCTTTCAACTACTTTAGTGACCAACCTTAACAATATTCAA
ACGTCTGTAAGGGTAAAATCGACATTACTTGGAATTAAAAAAATTCTATGAAAAA
TCATTAATACTTGTATAAGCTTTTGCAACTTTTAATTAATAATCATCCAAAAAAA
AAAAAAACTTTGAATTGATATGGTGAATGAATGTGATTAGGTGAGGTGTAAAT
CCCAACACACTGCAGTGAAGAGGGAACAAAGATAGTGGTGACAGATTACGGTGA
GGGTCACGAAACGGACTTCATTCTGAGCGCACGTGCCTACTCCAATTTGGCTCTC
CCTAATCTTGCTCCTCAGCTCTTAGCCTACGGTGTTATTGACGTGAGTATAACG
AGTCCCTTGTACATATGCCTCTAATCTTGTTATCAAAGTCCACCACCACAGCCATT
TCCCTACCTATTTCCGCCATTCTACCTATTTATCAAGCTGGTACATATGATATCACC
GATGTTCAACTCTGGCTGGTATGTACATCTCTTAATTCATTACCTGTAATGTTAGA
TGCCGTTTCAAATTTAGTAATAACGTTTGACTTTAAACGTGATTTTGACCATTTG
TACTCTGATTTTACCAAATTCATAACACAAAACTATATTCGTTTCGAGTTGGCTT
TCTAGTCCAACCTCGAATCAGTTAGATTGGATGTGCGCGTCAAAAAATCATGCATAA
ATCAGTTATATTTTGAATTTACATAAGTCAAACATCAAAGTTGTGGCAGTGTT
ATACATACATATAAATTATATTGAAATTTCTTATTATTAATTAATTAATGAATTA
ATTTGATGGATAAATAGGAGTATTGCAAAGAATGGAGGGGGATGCGAAGGGTAT
ACGGAACAGTATGGGACATGGAAAATCCACCAATAGGGATGCCTATAAACATGA
GATTCCAATTAGTGAGCGGTGGAGCTGCTAATGCTAATGCTGAAGTTAAGTGGTT
GCAGATTGCAAACGTTATCCCACTGATTGGAAGGCTGGAGTTGCATACGCACT
GGCTTTCAACTTTAATTTATTATTATTCAATTTAATTCTACCTTCTTCATGTATCCT
ACCCACAAATAATTATTAATTCGGCCTCCACTTGTGCTTATATATAAATAATTATG
GCCGTCTTGATATCAATAAATATTCTTCATTTAGATTATTT