

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

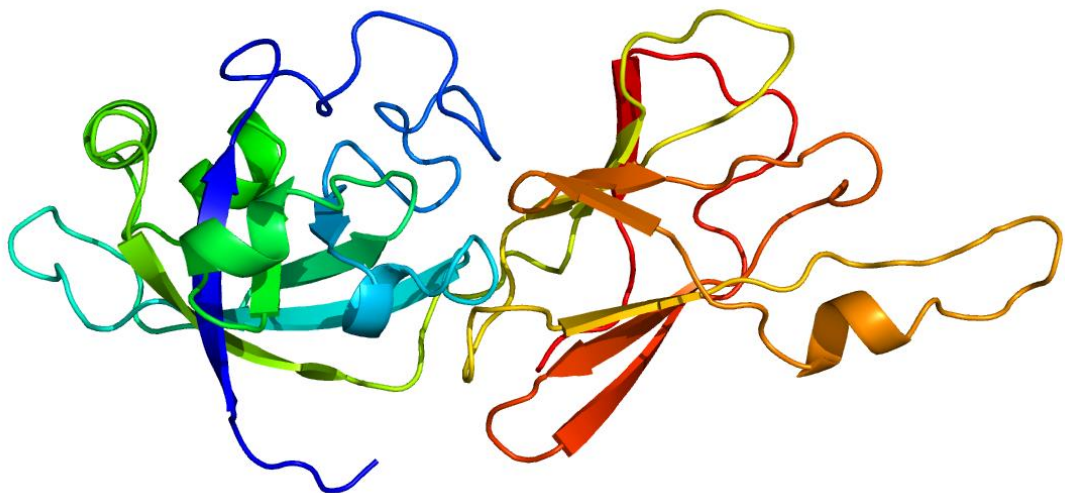
Locus: XP_015069142

Gene Model: XP_015069142.1

Description: SpnEXPB-03

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

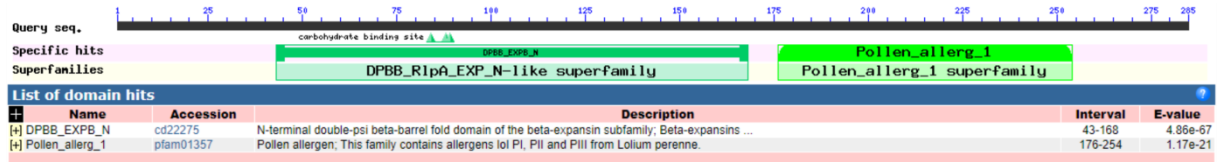
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPB-03

MGLLDISHLVIFSHLIIVLVCFICPSFGYKPKHFNLSTYATHWGTAGATWYGSPHGAG
SDGGSCGYGSAVSEAPFSSFVTGIGPSLYKSGKECGACYQVKCTKKMHRSCSGKGV
VVITDFCPGGPCVAQSAHFDLSGTAFGAMAIPGQEQLRDAGVLRQYARVACDYSR
KNIAFHVDQGSKSEYFAVVIEFEQGDGLAKVELKEKRSSSIISRGNKNNYKWRQMQ
QSWGAVWKL DAGS QLHPPFSIRLTSQYSDHILIAN NVIPTGWKPGATYRSLVNYRV

CDS (coding sequence)

>SpnEXPB-03

CATTACCAAATGCTTATTCTAGTTAGTAATATTACTACAAATTAAGA ACTTA
ATTAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGATGGGCTTATTGGACATATCACATTTAGTTAT
TTTTTCTCATCTAATAATTGTTTTAGTTTGTTCATTTGTCCAAGCTTTGGTTACAA
ACCTAAACACTTCAATTTGTCCACCTATGCTACTCACTGGGGGACGGCCGGAGCT
ACTTGGTATGGCAGCCCCACGGTGTCTGGTAGTGACGGAGGATCTTGTGGATATG
GGAGTGCAGTATCAGAAGCACCATTCTCTTCGTTTGTACTGGAATCGGTCCATCC
CTCTATAAATCTGGAAAAGAATGTGGAGCTTGTACCAGGTGAAATGTACAAAGA
AGATGCATCGATCGTGTT CAGGCAAGGGAGTAAGAGTGGTGATAACAGATTTTTG
CCCAGGAGGACCTTGTGTGGCTCAATCAGCACATTTTGACTTGAGTGGA ACTGCA
TTTGGTGCAATGGCTATACCTGGACAAGAACAAAACTCAGAGATGCTGGTGTCT
TGCAAATACGTTATGCTAGGGTAGCTTGTGATTATTCAAGGAAAAACATAGCGTT
CCATGTTGATCAAGGTTCAAAGTCGGAGTACTTTGCAGTTGTGATAGAATTTGAA
CAAGGAGACGGTGATCTTGCTAAAGTTGAATTGAAGGAAAAAAGAAGCAGCAGC
ATTATTAGTAGAGGAAACAAAAATAATTATAAATGGAGGCAAATGCAGCAATCT
TGGGGTGCTGTTTGGAAAGTTGGATGCTGGCTCTCAGTTACACCCTCCATTTTCTAT
TCGATTGACTTCACAATATTCTGACCACATATTAATAGCCAACAATGTCATTCCTA
CTGGTTGGAAGCCTGGTGCTACCTATCGATCCCTCGTCAATTATAGAGTTTGAGTT
TTATGTATCTATGTATTAGTTACATATGTA CTGGCTTGACTGGTAATTATGTAAT
CCCCATTTCTATTGTTCACTACTACCTGCGGCCGACTAAAGATGGTCTCGTGC
TAAGCATATAATGTATGCATGATTTCTATGAAATTATAAATGTGTGATTTTTAAT
AGATTCGGTTGTA CTAA

Nucleotide

>SpnEXPB-03

GGTGATGTTGCCGATGTTATTGACCCGAGTCTAGATGGAACCTATGATAGTGAAT
TGGTGAAAAATATGTAAGATTAGCAATCAGTTGTTGCTCACCCCTCTTCTGCTAAT
AGGCCAACCATGCATTATGTGTCTAGCAGACTGGAGGAATATTTAGAAGCTGCAA
CAGAGGCTACTAAAGGCATAATGGTTTATTTTGAAGATTCAACAACAATCCCATA
TGATAGCGAGTTCTCAAACAAATTTTAATTTTAATTTACTGGAGTCTGCAATA
TATATAAGGACTTGCTTTTTTTGATGCATTTTCTTTTTAGTTATCCATCTCTTTTG
GCCTGTAATTTGTACTAGTGGGCTGCTGTCCATGCATTTTTACTTTTTGTACTCT
TGAATATTTTGAATGTTTTTACCACGTGACTCATAAAGGTGAAAAATCACGACTT
ATATCTTTACGGATTTTACCAAATGAAATGAATATACAGGAAGTGAATACTCGAT
TAAGTACAACCGAAATCTATTA AAAATCACACATTTATAATTCATAGAAATACA
TGCATACATTATATGCTTAGCACGAGACCATCTTTAGTCCGGCCGCAGGTAGTGA
ATGAACAATAGGAAATGGGGATTACATAATTACCAGTCAAGCCAAGTACATATG
TAACTAATACATAGATACATAAACTCAAACCTCTATAATTGACGAGGGATCGATA
GGTAGCACCAGGCTTCCAACCAGTAGGAATGACATTGTTGGCTATTAATATGTGG
TCAGAATATTGTGAAGTCAATCGAATAGAAAATGGAGGGGTGTA ACTGAGAGCCA
GCATCCA ACTTCCAACAGCACCCCAAGATTGCTGCATTTGCCCTCCATTTATAATT
ATTTTTGTTTCTCTACTAATAATGCTGCTGCTTCTTTTTTCTTCAATTCAACTTT
AGCAAGATCACCGTCTCCTTGTTCAAATTCTATCACA ACTGCAAAGTACTCCGAC
TTTGAACCTTGATCAACATGGAACGCTATGTTTTTCTTGAATAATCACAAGCTAC
CCTGAAAATTTGAAATTTATATATAAAAAACAAATGTGACTAAACAATAGTAAA
AATGTGAGTAATTTGCATTCATGCATGCCTAGCATAACGTATTTGCAAGACACCA
GCATCTCTGAGTTTTTGTCTTGTCCAGGTATAGCCATTGCACCAAATGCAGTTC
ACTCAAGTCAA AATGTGCTGATTGAGCCACACAAGGTCCTCCTGGGCAAAAATCT
GTTATCACCACTCTTACTCCCTTGCTGAACACGATCGATGCATCTTCTTTGTACA
TTTCACCTATAACACATAATTAATTA AACACTAATGTGTACTTTAGGATTAATTTA
TTATTAGGGGGATGGAAATTAAGAAAAGAACCTGGTAACAAGCTCCACATTCTT
TTCCAGATTTATAGAGGGATGGACCGATTCCAGTAACAACGAAGAGAATGGTG
CTTCTGATACTGCACTCCCATATCCACAAGATCCTCCTGCACCCATAAATATTATA
TAGTGCTTTTTTGTTACAATACTATATATATATATATATGTATCACTTGTGTGTAACA
CATAAACTGTCTTATTTTTCAAGAATATATAGTTGCCGTCACAAAATTGTGTTAGA
AAAAGTCCATTAGTAAGTGCAATTGAAGGGCTTTAGTGTGGCTGTGTGTGTGGGT
GGGGTGAGAGGAATTACAATGTTGAGACATATACATTTTTTCCCTTTTTTGAAAA
GAATGATATAGTTTAACTGGACATAAAGTTTAAAGAAAATAAACACAGTTAG
ATATTTAATGTTATGGTCCTAAATAAAGTTATCTTAAATGTATTAAGTGTTCTT
TTATTTTATGGTTTTAAACATATTTAAGAAATTAAGTGTTAGAAAAAAACTAA
TTTTTTTTGGAAATAGTTCTTAAGAATTTAAAAATGTGTTTCTATCTCAAATGACT
TTAACATTTTAAATAGATTAATGTATGGTCACGACTTTAACATAGTACCATAG
AAGATAAATGTT CAGAGTTTAAATTTACCATTACTCAAAAAAAGAAAAAAAT
ATCATATACGTGAGGAGACGTAAAAGAGAGAGAGAGAGGAAGTTACCGTCACTA
CCAGCACCGTGGGGGCTGCCATACCAAGTAGCTCCGGCCGTCCCCCAGTGAGTAG
CATAGGTGGACAAATTGAAGTGTTTAGGTTTGTAACCAAAGCTTGACAAATGAA
ACAACTAAAACAATTATTAGATGAGAAAAAATAACTAAATGTGATATGTCCAA
TAAGCCCATCTTTTTTTTTTTTTTGGCCTAATTAAGTTCTTTAATTTGTAGTAATAA
TATTACTAACTAGAATAAGCATTGGTAATGCAAAATGGAAAGCTAAAATGTGAA
GTATATATAGAGGAAAAAATATAGTAAATGAATTATTGGCTTTTACATCACATTA
ATCCTCCACGTGCACTTCATTTTTTTTTTATTCTTAATGGTGTCAAGGTCGTTTCAA
CTTTGCTTTTCAAATTTCAATGTCAATATTTATAAAATCTAATTTTGATTGGGGTTT
TAATTTTTATATACAAATAATGTGGAAAAAACAATCAAGATTA AATTAATTTAAA
AGATGTAGTAACAAGTTACAAGTAATTATTCGTGATGTATGAAATTAATTTTCAA
CGAACAATCCATTATAATTTATACTTCATCTGTTTCAAAAAGAATACTCTAATTTT

TTTTAATTTGTTTAAAAAAGAATGACTCTTTACTTTTTTTGGTAATATTTTAATTC
AGTTGTCACGTGGCATGTTTAAAGTCACAAGATTGAAGGGCAATTTAGTACATT
GATATAACTTTTATTTAGATATACAATAT