

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

Locus: Oeu035038

Gene Model: Oeu035038.1

Description: OeuEXPA-22

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

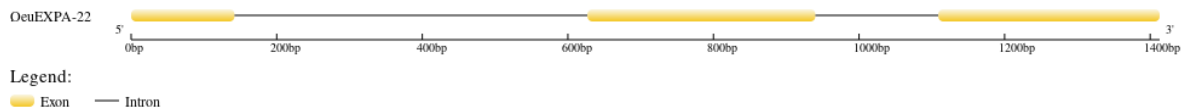
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

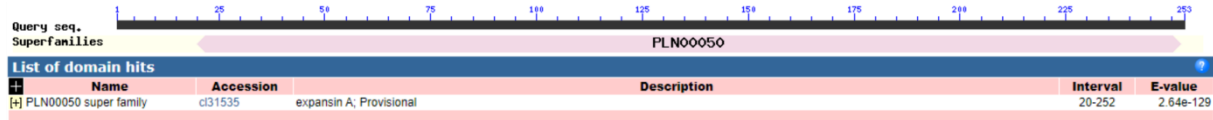
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPA-22

MAFPAVSMVSLVFFFFNFCLQGVEFDYGGWQSAHATFYGGDASGTMGGACGYGN
LYGQGYGTNTAALSTALFNGLTCGACYELTCNSDPKWCLSGTITVTATNFCPPNPS
LPNDNGGWCNPPRQHFDLAQPAFLQIAQYRAGIVPVSFRRVPCVKKGGIRFTINGHSY
FNLVLITNVGGAGDVHSVSIKGSRTGWQQMSRNWQNWQSNTYLNQSLSFQVTA
SDGRTITSNNVVPAGWQFGQTFQGGQF*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPA-22

ATGGCTTTCCTGCAGTTTCCATGGTTTCTCTTGTATTTTTCTTTTTCAACTTTTGCC
TTCAAGGAGTGTGGTGATTACGGAGGATGGCAGAGTGCTCATGCTACCTTCTA
CGGCGGAGGCGATGCGTCCGGCACAATGGGTGGTGCTTGTGGGTATGGCAACTTG
TACGGCCAAGGTTATGGTACAAACACTGCAGCACTAAGTACTGCTCTATTCAACA
ATGGGTAAACATGTGGTGCGTGCTACGAGCTAACTTGCAATAGTGACCCCAAATG
GTGCCCTCTCGGGGACCATAACAGTCACGGCAACAAATTTTTGCCCTCCTAACCCA
TCTCTGCCAAATGACAATGGTGGATGGTGCAATCCGCCCCGACAACACTTCGATT
TGGCCCAGCCGGCTTTCTTGCAAATTGCACAATATCGTGCTGGAATTGTGCCGGTT
TCCTTCCGAAGGGTTCCTGTGTAAAGAAGGGGGGAATAAGGTTCAATAAAC
GGTCACTCCTACTTCAACCTTGTGTTAATCACCAATGTTGGTGGTGCCGGTGATGT
CCATTCGGTGTTCGATTAAGGGTTCAAGAACAGGATGGCAACAAATGTCAAGAAA
CTGGGGCCAAAACACTGGCAGAGCAATACCTATCTCAATGGTCAAAGTCTCTCTTT
CAAGTCACTGCCAGTGATGGAAGAACAACTACTAGTAACAATGTTGTCCCGGCTG
GTTGGCAATTCGGACAAACATTCCAAGGAGGACAATTTTAG

Nucleotide

>OeuEXPA-22

ATGGCTTTCCTGCAGTTTCCATGGTTTCTCTTGTATTTTTCTTTTTCAACTTTTGCC
TTCAAGGAGTGTGGTGATTACGGAGGATGGCAGAGTGCTCATGCTACCTTCTA
CGGCGGAGGCGATGCGTCCGGCACAATGGGTATGCTTGTGGTATGTTGCTCGA
TAATGCTTGGTACATTCTATTAGACATTATATATAGCCCCTTTTTTGATAAGATTA
GGATTAGATTTTGTAAATTTTGATAAAAATTACGAAATGTGTGGTTGAAAAGT
TGTGGGTCTCATAAAATATGTGATTTAAATTAATTCTTGACTTTGAATTCATCAA

AGTCTAAATTTTGAATTCCTATCATATAGGGGCATGATAGTAAAATTGACCACTT
GTTCTATTCAATGCTATAGTAAATATGCACGGGTATGATTATTGACATTATTTAAG
ATTTAAGTTTCATCTTAAAAAATCAATATTGTTAATAAGAGTAGTCCAAACCTTAT
ATGTTTCGTTAGTATTTTTTTACTTAATCGAGTTATAGTAATATTTTCAATAAATTTA
GAGTCGGGGCAAGTCTTCTTCTAATCATCACAGAATTATGCTAAAAAATGATGTG
TATATACATACAGGTGGTGCTTGTGGGTATGGCAACTTGTACGGCCAAGGTTATG
GTACAAACACTGCAGCACTAAGTACTGCTCTATTCAACAATGGGTTAACATGTGG
TGCGTGCTACGAGCTAACTTGCAATAGTGACCCCAAATGGTGCCTCTCGGGGACC
ATAACAGTCACGGCAACAAATTTTTGCCCTCCTAACCCATCTCTGCCAAATGACA
ATGGTGGATGGTGCAATCCGCCCCGACAACACTTCGATTTGGCCCAGCCGGCTTT
CTTGCAAATTGCACAATATCGTGCTGGAATTGTGCCGGTTTCCTTCCGAAGGTTAG
AACTTTAAGCACTTACTTTTCGTATCCAACAAATTATGGTTATGAGGACATACTTG
AAGAGATTATGATATTTTTACACTTTATTTTAAGACCTTACCATCCACTATTGCCT
TGGTCAAGCTTTGAAGATTTCTTGCTGAAACATTTTTTGTGTTGGTGTTTATAGGGTT
CCCTGTGTAAAGAAGGGGGGAATAAGGTTCAACAATAAACGGTCACTCCTACTTCA
ACCTTGTGTTAATCACCAATGTTGGTGGTGCCGGTGATGTCCATTCCGGTGTTCGATT
AAGGGTTCAAGAACAGGATGGCAACAAATGTCAAGAACTGGGGCCAAAACCTGG
CAGAGCAATACCTATCTCAATGGTCAAAGTCTCTCTTTTCAAGTCACTGCCAGTG
ATGGAAGAACAATTACTAGTAACAATGTTGTCCCGGCTGGTTGGCAATTCGGACA
AACATTCCAAGGAGGACAATTTTAG