

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

Locus: XP_016175800

Gene Model: XP_016175800.1

Description: AipEXPA-02

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

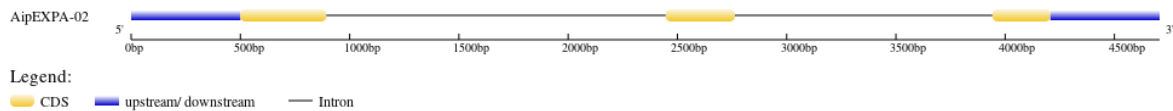
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

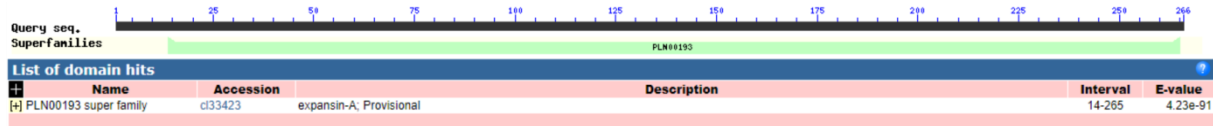
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-02

MASILQYCSFSSFLLVTLTCMFTTIGNAALATGIFRPSDWALAHATFYGDESASATMG
GACGYGNLFSNGYGTDTAALSSTLFNNGYACGTCYQIKCYQSSACNANVPYTTVTA
TNLCPPNWAEPDNGGWCNPPRAHFDMSKPAFMKIAQWTAGIVPVLVYRRVACERSG
GLRFAMQNGYWVLVYVMNVGGGGDISSMWVKGSTTGWIAMTHNWGASYQAFASLSSQPLSFKITS
LTTKQTHAWNVAPSNWAVGLAYSTNINFH

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-02

AACTAAGAGTAATGTATTCCATTCCTTCTCCTAATAAACTAAGCTAATTAAGCTG
CATAGCCAGATTAGTAGGGATTCAAACATAGGAATAATGGCTTCAATTCTTCAA
TATTGTAGCTTTAGTAGCTTTTTGTTGGTTACATTAACATGCATGTTCAACCAT
TGAAATGCAGCATTAGCAACGGGCATATTTAGACCTAGTGATTGGGCTCTTGCA
CATGCCACATTTTATGGTGATGAGTCTGCTTCTGCCACCATGGGAGGAGCTTGTG
GGTATGGAACTTGTTCGAACGGTATGGAACAGACACAGCAGCATTGAGCTC
AACGTTGTTCAACAATGGATATGCATGTGGGACTTGTTATCAGATAAAGTGCTAC
CAATCGAGTGCATGTAATGCCAATGTGCCCTACACCACTGTAACCGCCACAAATC
TTTGTCTCCTAATTGGGCCGAGCCCTCTGATAATGGCGGTTGGTGTAACCCACCA
AGGGCCATTTTGACATGTCCAAGCCCGCTTTCATGAAAATTGCACAGTGGACTG
CTGGCATTGTCCCTGTTCTCTACCGCAGAGTTGCATGCGAAAGGAGTGGGGGGCT
TCGATTCGCAATGCAAGGAAATGGGTACTGGGTATTGGTGTATGTGATGAATGTG
GGAGGTGGTGGAGACATAAGCAGTATGTGGGTCAAAGGAAGCACAAACAGGGTGG
ATCGCTATGACCCACAATTGGGGTGCTTCTTACCAAGCATTGCTTCACTCTCTTC
CCAACCTCTATCCTTCAAGATTACTTCTTTAACTACCAAACAGACCATCATTGCTT
GGAATGTTGCTCCTTCTAATTGGGCCGTTGGACTCGCTTATTCCACCAATATCAAC
TTCCATTGAAATTTACAATCCATTATCCTCCTCCTCCTCCTCCTCATCATTATTAAC
TTCTTACATTCATTATATACATTGTATGGTG

Nucleotide

>AipEXPA-02

AATCACCTAACAAGCACCAAGGGAGATTGATATTGAAACTCAAAGAGCAGATAT
CCTTCCAAAGATTTTTACGAAACACCTTTTGCGGGATTCTATAAATTGCCGAAAA
CAGCCAAGATTTTAAAAGATTATCAGTGAATTTTCATATGGACAATTTGATGGTTG
CACATTAACACTTCAACCTTCTAAATTGTCTTATTCCACGAACACTAAATACCCCT
AGACTAGCCCTACCTTCTTCAATAAAGCTTCCGTCAAAGTCAATCTTCTAGCCTTC
AAATCAATATCAGGATGATGTACTATAAAGAGTGAAATTAGGCCCCATAGTCTAA
CTAAAAAATTCTAGTTAGAAATAGAATTTATTATAAATAAAAATAATAGAATAATA
ATAAAATTTAAGAAATCATAANNNNNNNNNNNNNNNNNNNNATAACGTTAATTCTCC
ACATTATTAATAAATATTACTAAAATATCAATAATAAAAATAAAAAGTGTCCGA
GGTGATCACCATACAATGTATATAAGTGAATGTAAGAAGTTAATAATGATGAGA
GGAAGAGGAGGAGGAATAATGGATTGTAAATTTCAATGGAAGTTGATATTGGTG
GAATAAGCGAGTCCAACGGCCCAATTAGAAGGAGCAACATTCCAAGCAATGATG
GTCTGTTTGGTAGTTAAAGAAGTAATCTTGAAGGATAGAGGTTGGGAAGAGAGT
GAAGCAAATGCTTGGTAAGAAGCACCCCAATTGTGGGTCATAGCGATCCACCCTG
TTGTGCTTCCTTTGACCCACATACTGCTTATGTCTCCACCACCTCCCACATTCATC
ACATACACCAATACCCAGTACCCATTTCTTGCATTGCGAATCGAAGCCCCCAC
TCCTTTCGCATGCAACTCTATATAAAATACATCTTAAAATGTAAAATATATTGAA
AGAGTTATTTTAATATGATTATATTATAATAATTATAAAAATTTTAAAAAATATTTT
TAAAATTAATAAATATTTTAAATATTAACAACACTTTTAAATAATATTATTTA
AAAAAATGTTATCAAAATATAAAAAAATATAACTTTAAATTTAATAGTATTTATA
TAATTATTATAATTATTATACTATAATCATATTAATAATTTACCATATTAATAAATA
TTTAAACAATATATATAAATATATTATGACTGATTTAATAATTTATTCTGTGTGTA
CATACAAATGTTACGATGCAATTGAGTAGTAGGCAATTAAAAAAAAAAGGCAAGA
TATAAATGGGATTTTATAGTTGCTTGTATAGCTGTCTGTTTAAAGTTATTGTTGTG
CATTATTATTATATTGTATTGTAATTTGTAAGAGGTTTTTCATCATTCTAATGATTA
AGAAAAGTGATTTCTATTGACCCTTTTAGTTTTTACTATTAAGTATTAATAAAGTT
GTGTGATCTACATCAGAGATATCTTATTCAAGAATAAAAAGGAATCCATGAGACA
TTTATTAGATTATATATGAGATTTCTTGATGTTGTTATTAGAAAAACGACACTTTT
TTATTTCACTTATTAGATATATCATATAAAGATTTCTGTGTGAATAGTATCTCAA
ATTAAATCTTACCTTTACTAATACTAATAACAGTAATACCTATATATGGGAAACGG
ATAAGAGAAGAGAATTAATGTAACTATTTTTATTTTAGGGGAGAAAGGGTGTATA
AAAAGGAGTGGTGAATAGAAAATCTGTGTGAACATCATTTCTTAATTAAGAATT
TCTATTGATAGGACGAGGCAGATGCAGATGCGATCTCCATGCCATGGAAAAAAA
AAATGTACAGGAGACAATGTCCATTTTATTTTTAGAGGAGTATTAGAGGACAGTA
ACTTTTGTGTTTTGTAACTATCAATTGGCCATTAATAGTATTTTTAATGGTGTGAG
ATTACATCTAATGGTGGGAGATCACTCACTTTTCTTTTGATAGTTAAGTGCTGATC
ACAAAACATAAAAAGTTGTTGGCCTCTAAACTTTCTCTTATTTTTATTATATTCTAT
GTAAGGCTAAATAATTGAAGCTCATTTGTCTAACATGTAATAATAATCTCCTCAA
TTAAATACACAACCTCAATCTTAAACATACAAAAATAAACGAAAAACGAATAATA
TCCGGAATCAACCTCTAAAAAATTTAGTGAAAATACTTTAATTTTCAACAAATTTT
AATCATCAATTCAGTTTTTCATACTTTTATATATTTAGACAAATAAATTTTTACATC
AGATTAATTATTTGACTAAAAATTTTTTAGAATTGATTTAGAATATTACACAGTAA
AAAACAAAAAACACGGACTAGGAGACAACATAATTGTTTCTAAGCTTAAAAAT
GCTTAAGAAAATGAGAAAATTTAAGTTTTTATTCTTTTTTGGTTTACAGGATTA
TAAACCATTAATTGATTACCTGCGGTAGAGAACAGGGACAATGCCAGCAGTCCAC
TGTGCAATTTTCATGAAAGCGGGCTTGGACATGTCAAATGGGCCCTTGGTGGGT
TACACCAACCGCCATTATCAGAGGGCTCGGCCCAATTAGGAGGACAAAGATTTGT

GGCGGTTACAGTGGTGTAGGGCACATTGGCATTACATGCACTCGATTGGTAGCAC
TTTATCTGATAACAAGTCCCACATGCATATCCATTGTTGAACAACGTTGAGCTCA
ATGCTGCTGTGTCTGTTCCATAACCGTTCGAAAACAAGTTTCCATACCCACAAGCT
CCTCCTTTATTCACAGCAAAGATGATGTCATGTTAGTGCAAAGTCACATTATTGGT
TTTATTAGTAAGAAATTAATTGATTAAGGTTATTTATTATTAACACCTCTAAATT
TAGTAATATATATGATATGATATACCTATGTATAAATAGGTTGAGAGACTGAAAA
ATAGCTATTAACCTACTATCACCTATATTTTAAAGAAATAATCACTATTATCATT
TTTACTTGTAGGCTTTGGCCCAAACCTCCAAGAAACCGATTTCGGTTCATAAAAAGG
TGGTAGTCCAATGCAAAGGTCCAACCTGTTGTAATGGAGTAAAATACAAATATCT
AATTATATTTTTATATACATAGAGAGAAAAATATTATTTTTAAATATCAAGCATA
AAAATTAATTCTTTTTATTGTAATTAGATTTAACATCTAATCAAATATAAAAAGT
ATACACATTAATTTTTCAAATTTTAGATAACAAATATTAATAATTAATTACT
AAAAAATTAACCTCTTTCGCATGACAAAAATAATAATTAATAAAGCTTGTTATTTG
ATTTTTTTATCTACAGAGACTTTGGTCTTCTTAGTCGGCGAGAATTTTTATTTCTA
CAACTTTTTGTAAAAGTAGTTTAATTCTATAAATCTTTTGTGCCTGTCATAATCT
ATAATGTCAGAAAAAATTGACGTAATTTTAAAAGATTTATATTTCTATAATATT
ATTACCGATAAAAATATACTAGTTAAACATTTAATAATAAAGGAATAGATCTAAA
ACTGATATGCAACGAGTATAATGAGCAAGTTATGGAGATCATTAAATTTAACAAA
ACTCGTCATGTTCCATAAAGGGAAGGGTAAACTGAAAAAGTAGGCCAATAGAAG
AAAACCTAGATACACCTAAACACTCTCTCACTTAACTTTGGAGTGTATTTAGAGA
TGTCTCTTGACTTGGTGTGTGATTAAACGAAAAGCGAGTTTCTCAAGCTCTCGTT
ATTAGCTTGGATACTCAGCAAATCCTCCCAACAATATTCTAAAAATACAATTTGA
TCATCACAACAATATTCTAAGAATGTTATCCCTTAATGTTAATAAGATTAGTTACC
GTATATTTTTGTTTTAAAAGGCTTAATGTTTCCTAATATAACAGAAAATTAATAG
AAGTGGTTTTCTACGTACCCATGGTGGCAGAAGCAGACTCATCACCATAAAATGT
GGCATGTGCAAGAGCCCAATCACTAGGTCTAAATATGCCCGTTGCTAATGCTGCA
TTTCCAATGGTTGTGAACATGCATGTTAATGTAACCAACAAAAAGCTACTAAAGC
TACAATATTGAAGAATTGAAGCCATTATTCCTATGTTTTGAATCCCTACTAATCTG
GCTATGCAGCTTAATTAGCTTAGTTTATTAGGAGAAGGAAATGGAATACATTACT
CTTAGTTTACATACATTAATTCCTTTTCCTTTTATATATACAATACACAATAAGGTA
CTGTACATAACAATTGTAGCGGCACCTAATTAACACGTCGCTAATTGAAATAAATA
GTCTTCGTGATCACCACGAAGATAGTAAGTCGTAATAATGTTTCAAATCGGTCAA
AGTAAATAGTTTTATTATTCTTCTTTGATTTTCTTTTGTGACTATGTACGCATTGT
TAGCCAATGATTAGATTGTACTGAGTGAAAGACCGTAAAACAATGATCCATGAA
AACTAAGGCAAGCTGATTTTCTGAATTTACTGAAAGGGAAAACGTGCATACATGT
TTCCTATGTCTTCTCGTTACTGAATTTTCATGTTAATTAATTAATTCATTTCGTGAAAA
AAGTTGTTCAATTTGATTAAGTTTCAAGAGCTGATCGAATAAGCATACCTGTTG
TGTTAGGTTATTCATAAAGTCCACACACTTCGGACTAGAACCTTGTTTCGGCCAG
CCCAAAA