

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

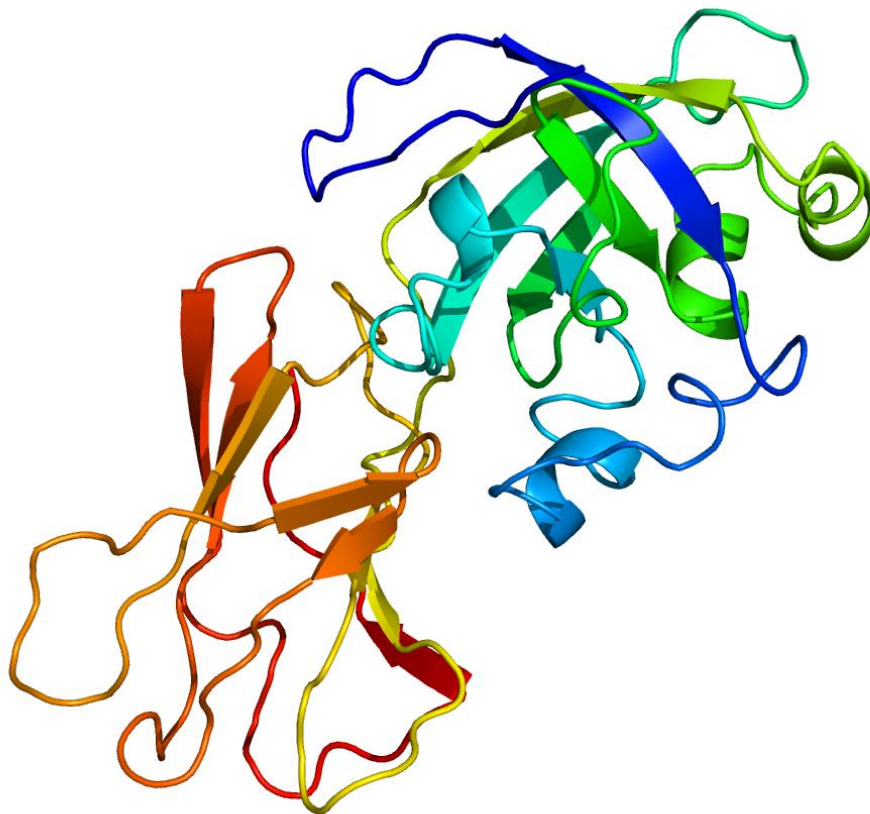
Locus: Migut.F01487

Gene Model: Migut.F01487.1.p

Description: MgEXPB-04

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

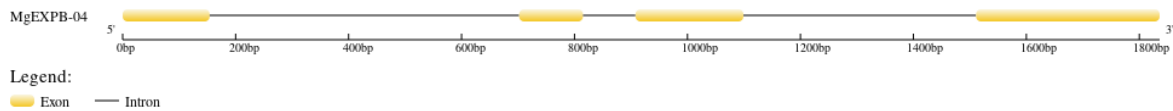
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

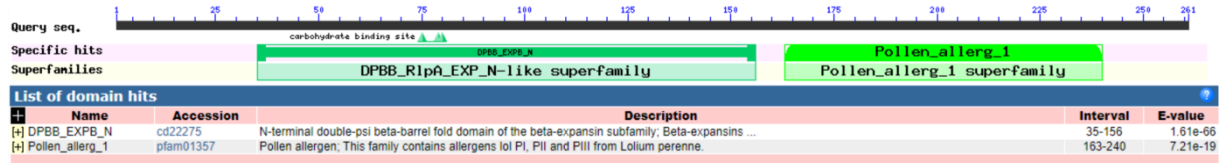
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXPB-04

MFNYLITLAILFVVSTKYCFCMDSQSLNNSFVSGFSPA V ATWYGSPNGAGSGGACGF
ANDVANPPYNG LISAGNQNIFKHGQGCGNCYQVKCNENPACSGFP IVVTVTDECPGT
CNNEAFHFDLSGKAFGYLAKLGQADKLRNAGRINIQYQ RVPCKYNTGITFKIDTGSN
ANYLAFSIEFVGGDGDIGSVELLPSKSKGPLYMQKSWGCTWKVGIPFGTKGPYSVKL
TTIESRSTIIATNAILGNWSPGKYHSAANFS*

CDS (coding sequence)

>MgEXPB-04

ATGTTTAATTATTTAATTACATTAGCTATTTTATTTGTCGTAAGTACAAAATATTG
TTTTTGTATGGATTCACAATCATTGAACAATTCTTTTGTAGTGGTTTTTCACCCGC
AGTAGCAACATGGTACGGAAGTCCCAATGGAGCTGGAAGTGGTGGAGCTTGTGG
ATTTGCAAATGATGTGGCAAATCCTCCATACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAAACC
AAAATATATTCAAACATGGACAGGGTTGTGGGAATTGTTATCAGGTAAGTGCAA
CGAAAATCCAGCGTGCTCGGTTTCCCGATCGTTGTA ACTGTCACAGACGAATGT
CCTGGTACATGCAACAATGAAGCATTTCATTTTGACTTGAGTGGAAAAGCTTTTCG
GATATTTGGCGAAGCTCGGCCAAGCCGATAAATTACGGAATGCAGGAAGAATTA
ATATCCAATATCAAAGGGTTCATGTA AATACAACACGGGTATAACATTCAAGAT
TGATACGGGCTCCAACGCTAACTATCTTGC GTTTTTCGATTGAGTTTGTGGGTGGAG
ATGGTGATATTGGTTCTGTTGAACTATTGCCTTCAAAGTCAA AAGGTCCGTTGTAC
ATGCAAAAATCTTGGGGCTGCACGTGGAAAGTTGGAATACCCTTTGGAACAAAG
GGCCCTTATTCTGTA AAGCTAACTACTATTGAATCGAGAAGTACAATTATCGCGA
CAAATGCGATTCTCGGGAATTGGTCTCCCGGCAAATACTATCACTCGGCAGCTAA
TTTCTCTTAA

Nucleotide

>MgEXPB-04

ATGTTTAATTATTTAATTACATTAGCTATTTTATTTGTCGTAAGTACAAAATATTG
TTTTTGTATGGATTCACAATCATTGAACAATTCTTTTGTAGTGGTTTTTCACCCGC
AGTAGCAACATGGTACGGAAGTCCCAATGGAGCTGGAAGTGGTAATATTTATTAA
TATGGGTAAATTACAAACACCCCTGAGGTATGGTCAAATTACAAAACACCC
TCTTGTGGGATAATTACAACCACCCCTCAACTCCTCAAATTTAGTGGAACTCTC
GAGATTGCATGGAATATTATCACTTGTGTACCCGTTTTATCCATTCAAACCTCTAC

ATTATGGAGCAAGATGATCATAATATGTGATTTTTAGCTTGTATATATCAGTTTGT
GGTGCATCGGAAACTGTATTTTTACACAAAACGAGTACAAACTAGAGCACATTCC
ACGGAATCTAGATGATTATGTTGAATTTGGCACAATAAGGGTGGAGGTGTAAGA
AAAAATCATAGTTGAGGGGGGTAGATGTAATTATCCAAACAAGAGGGGGATT
TGTAATTTGACCATACCTCAGGGGGGTGTTTGTAAATTTACCCTTATTAATATTAAT
ATTAATATTTATCTTTTTTTCATGTTCAAATATTATATATATTTATAATTAATATA
AAAGATATATTTATTTATTTTATTGTAATTTGCAGGTGGAGCTTGTGGATTTGCAA
ATGATGTGGCAAATCCTCCATACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAAACCAAATAT
ATCAAACATGGACAGGGTTGTGGGAATTGTTATCAGGTTTTAATTAATATTATTC
ATTTTCAAGATATAAAAATGGATTCTCTTCATAATTGATATAGAATATTCTAATT
TATTTATATGTATTTTACAGGTAAAGTGCAACGAAAATCCAGCGTGCTCGGGTTCC
CGATCGTTGTAAGTGTACAGACGAATGTCCTGGTACATGCAACAATGAAGCATT
TCATTTTGACTTGAGTGGAAAAGCTTTCGGATATTTGGCGAAGCTCGGCCAAGCC
GATAAATTACGGAATGCAGGAAGAATTAATATCCAATATCAAAGGTAATCTAGA
TCGATCAACCCCATAGGGAAATTCGTAATTTGTTATAGTTAGAAATTTAGTCCTC
CCGTTTTGTTACCGGTTCAAATTTACACGCAATAACTTTTTAAATTTATCATTTTCA
TCCTAGAGTACTCTATTAAGAGTCTTAGACTATACTAGAGAATGAATTTATAATTC
TTAACTTTTTATATAACTTTAACCAACAAAAAACCTGAAAATTTGGCAAATA
TGACCAAAATGTTTTAATTTAATTTAATCCAAATTTATGTATTGCAAGTAAATTA
AATTGGACAAGTTAAAGCCAATGGAGGAAATTTATATGACTACTAATATTATAA
TTTAAAATTTTCTTAATTATGTTGGTAAATTAATTAGGCGGAGTTTTAATGTGTTT
AAATATTGCAGGGTTCCATGTAATACAACACGGGTATAACATTCAAGATTGATA
CGGGCTCCAACGCTAACTATCTTGCCTTTTCGATTGAGTTTGTGGGTGGAGATGGT
GATATTGGTTCTGTTGAACTATTGCCTTCAAAGTCAAAGGTCCGTTGTACATGCA
AAAATCTTGGGGCTGCACGTGGAAAGTTGGAATACCCTTTGGAACAAAGGGCCCT
TATTCTGTAAAGCTAACTACTATTGAATCGAGAAGTACAATTATCGCGACAAATG
CGATTCTCGGGAATTGGTCTCCCGGCAAATACTATCACTCGGCAGCTAATTTCTCT
TAA