

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cucumis sativus*

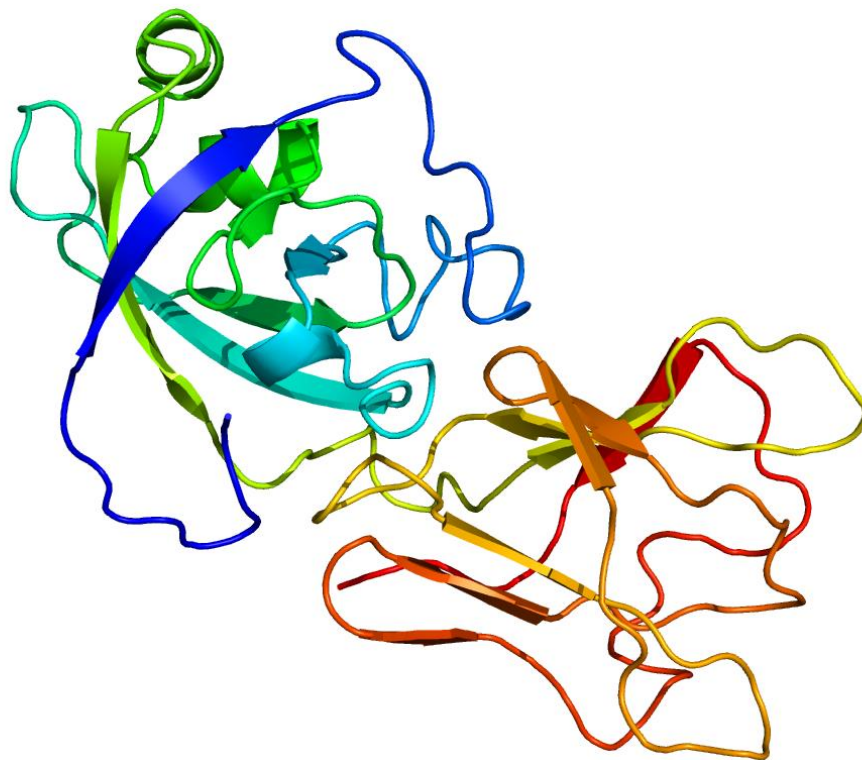
**Locus:** CsGy7G001290

**Gene Model:** CsGy7G001290.1

**Description:** CsEXLA-02

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

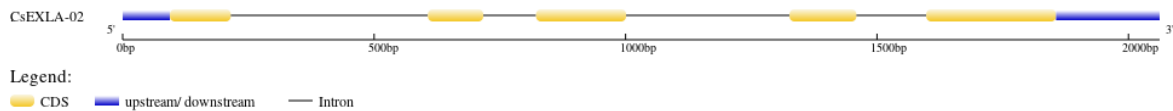
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

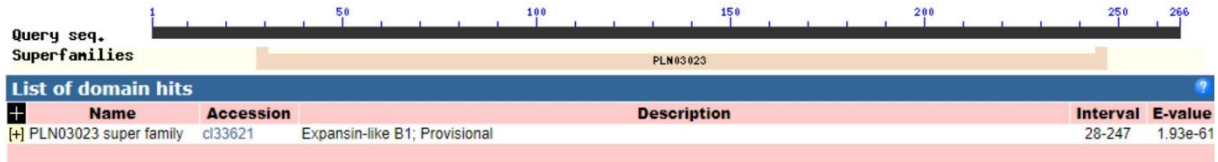
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CsEXLA-02

MALCLALLFFLVSSASAAATCNRCVHQSKAAYYYDDTPIPYGACGYGALAFELSNG  
YAAGVVPSLYKQGAGCGSCFQVRCCKDRRFCSSVGTKVVATDQNYDNRYDFVLSKK  
AFSSMALKNKTSQLLNLGTVDVEYKRIPCA YKNKNLLVRVEEWSQKPYYLALKFLY  
QGGQTEITRVEIAEVGSDDWESMKKNYGAIWDINKQLERALQLKIVVTSENKRIENL  
YWAVNDLPEDWENGEIYDTGIQINNIANETCPRNQCGDFPWK

### CDS (coding sequence)

>CsEXLA-02

ATGGCTCTTTGTCTTGCTCTTCTCTTTCTTGTTTCTTCAGCTTCAGCTGCCGCT  
ACTTGTAATCGTTGTGTTCAATCTAAAGCTGCTTATTACTATGATGATACGCC  
TATCCCATATGGGGCATGTGGGTATGGGGCTTTGGCATTGGAATTATCCAATGGG  
TATGCTGCTGGTGTGTTCCATCTCTTTATAAACAGGGTGCTGGATGTGGTTCCTG  
TTCCAAGTAAGGTGTAAGGATAGGAGATTTTGCAGCAGTGTTGGAACATAAGTG  
GTTGCAACAGATCAAATTATGATAACAGATATGATTTTGTCTCAGCAAGAAAG  
CATTTTCTTCAATGGCTTTAAAGAATAAGACTAGCCAACCTTCTGAATCTTGGCACT  
GTTGATGTGGAATATAAGAGGATACCATGTGCATACAAAACAAGAATTTGTTAG  
TGAGAGTGGAAGAATGGAGCCAAAAGCCATACTATTTAGCCCTTAAATTCCTTTA  
CCAAGGTGGCCAAACAGAAATAACAAGAGTTGAGATAGCTGAAGTTGGTTCGA  
TGATTGGGAAAGCATGAAGAAAATTATGGTGCAATTTGGGATATAAACAAACA  
ACTTGAAAGAGCATTGCAATTGAAGATAGTTGTAACCTTCGGAGAACAAAAGAAT  
TGAAAACCTTATATTGGGCAGTTAATGATCTTCTGAGGATTGGGAAAATGGAGAG  
ATTTATGATACTGGAATTCAAATTAATAACATTGCTAATGAAACTTGCCCAAGAA  
ACCAGTGTGGTGATTTCCCATGGAAGTAA

### Nucleotide

>CsEXLA-02

CTATCCACTGTTTTTGACCTTTTGAAAGCAGCCTATATAACCATCATTCTTGTTGC  
TTTCTTCTCACCATTATCATTATTTGCTTACAAAATATGGCTCTTTGTCTTGCTC  
TTCTCTTCTTTCTTGTTTCTTCAGCTTCAGCTGCCGCTACTTGTAATCGTTGTGTT  
ATCAATCTAAAGCTGCTTATTACTATGATGATACGCCTATCCCATGTAAAGATATT

CTATACTTTCATTGCCTTTTCTTTTTTCTTTCTTAACTTAAGATCTTGAAGA ACTT  
TGCATCATCAAATCAAATATATGTTTAGATACAATATTTAATGTCTTCCTTAATAA  
CCATTTGATTTTGGATTTGTAGGTTTTAAAATGTGTGCATGTGTTCTTTACA ACTTT  
TTAATAAAATATTTCAATGTTTTCTTACACCAAATTTTGAATCCCAAAAAACCAAC  
TTTATTGTTTTAAAAAAAAGTTGGCTTGGTTTTTTAAACACTTCTAAAAGAGTAGA  
TATAAAGCAGTTGATGAGATATATGTATACTCCAGGTTACATCTAACCGTTACTCT  
TCATTTAATATAAGTGTGATAAATTAATTTTCTTTAAATGCAGATGGGGCATGTGG  
GTATGGGGCTTTGGCATTGAATTATCCAATGGGTATGCTGCTGGTGTGTTCCAT  
CTCTTTATAAACAGGGTGTGCTGGATGTGGTTCCTGTTTCCAAGTAAATATTTTATAA  
TTTATTCATTCTTTTATATATATATTTTTCTTTTAAATCTTTTGATTTCAATCCTTTA  
ATACGACAAGTGTGTGTATTGGTTTTTTAAAGGTAAGGTGTAAGGATAGGAGATT  
TTGCAGCAGTGTGGA ACTAAAGTGGTTGCAACAGATCAAAATTATGATAACAGA  
TATGATTTTGTCCCTCAGCAAGAAAGCATTTTCTTCAATGGCTTTAAAGAATAAGA  
CTAGCCA ACTTCTGAATCTTGGCACTGTTGATGTGGAATATAAGAGGTGACCATT  
TAACTATTATTGCCATTGCTTTATTACTAAAGTTCCTTTTCATATTTTTTTGGATTT  
TGAAATTA AACTATGACACATATTGTCTCCCCGGCCTCTAAGTTTTACGTTATGTG  
TTATTTCTCACTTTTCTATCACTCGTGTTTTCAAAAAAATCAAACCAAGTTTTGAA  
CTCTAAAATAGTTTTTCAAAGATATCGCTCACACTTTAATTTTCATGATCTTTTTTTA  
ATGCATGAATCATAAAAATGATATATATTATGATCACTTCCATACCAAAAATATC  
AACTAACTTTGGTGAGTTTGATATGTTTTGGCACAGGATACCATGTGCATACAAA  
ACAAGAATTTGTTAGTGAGAGTGGAAGAATGGAGCCAAAAGCCATACTATTTA  
GCCCTTAAATTCCTTTACCAAGGTGGCCAAACAGAAATAACAAGAGTTGAGATAG  
CTGAAGTAAGTTTCAA AACTGATCAACACAAAACCAATAACACATCAA ACTTCAT  
TAATTAATATAAACTGAGTAAGAGCTAGTTTTGATCAAATAAATGAAATTGAGG  
TTTATTGTTTAATTTTTTGCATGAAATTTAATAGGTTGGTTC CGATGATTGGGAAA  
GCATGAAGAAAAATTATGGTGCAATTTGGGATATAAACA AACTTGAAAGAG  
CATTGCAATTGAAGATAGTTGTA ACTTCGGAGAACA AAAAGAAATTGAAA ACTTATA  
TTGGGCAGTTAATGATCTTCTGAGGATTGGGAAAATGGAGAGATTTATGATACT  
GGAATTC AAATTAATAACATTGCTAATGAACTTGCCCAAGAAACCAGTGTGGTG  
ATTTCCCATGGAAGTAAATCCATAATTCCTTAGCTTGTTATATATGTATTCAATAA  
GTTTCATTATTGTCGGTGATGAGGAAAATAATGTGTGTTTGCATTCTCGTTTGTA  
TGCAAA ACTTTAATAAAA ACTCATTAGAGTTCCATTATGAAATAAAATGGTATGG  
TTCTTTAAATTTTTATTATCATATATATTTATGACCCTCATTATTGTTGTTCTC