

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

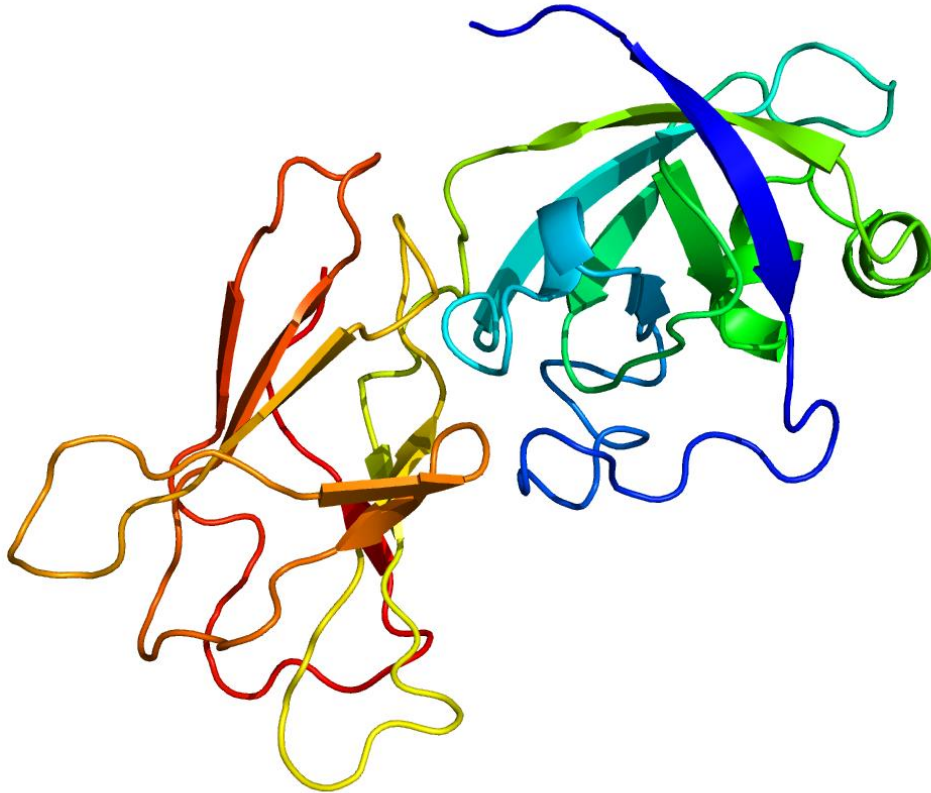
Locus: CsGy7G001320

Gene Model: CsGy7G001320.1

Description: CsEXLA-05

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

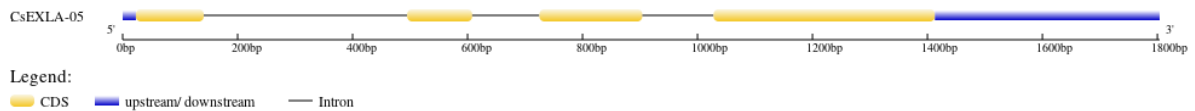
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

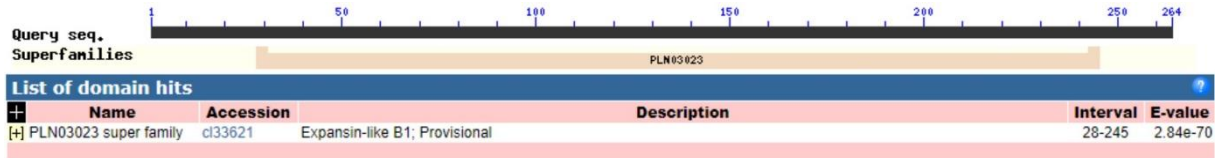
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXLA-05

MKMAWFLSFLFLFFISSAHACDRCVFQSKASHLYESPPTYGGACGYGNLALQFSNGF
FAAAVPSLYKQGAGCGACYQVRCKNRRLCNTVGTKVVLTDQNNDNVTDLVLSPKA
FFTMALNGKGSDLLNLGVVDVEYKRVPCYPNRNLLVRVEESSYNPFKLAIKYLYQG
GQTEMVAVDIAQVGTSDWSHMKRSYGAVWETDNVPEGALQLRMVVTSGYDGKW
VWAKSVLPATWRAGGIYDTGVQINDIAKESCPPWQCGDNPWK

CDS (coding sequence)

>CsEXLA-05

ATGAAAATGGCTTGGTTTCTTAGCTTTCTCTTTCTCTTTTTTCATCTCTTCTGCCCAT
GCTTGTGATCGTTGTGTTTTCCAATCTAAAGCTAGTCATCTCTATGAATCCCCTAC
TACATATGGAGGAGCATGTGGTTATGGGAACCTGGCATTGCAGTTCTCTAATGGC
TTCTTTGCAGCTGCTGTGCCTTCTCTATATAAACAAGGAGCTGGTTGTGGGGCTTG
CTATCAAGTAAGGTGCAAAAATAGAAGGCTTTGCAATACAGTAGGAACAAAGGT
GGTATTAACAGATCAAATAACGACAATGTAACAGATCTTGTTCTTAGTCCAAAG
GCTTTCTTTACAATGGCTCTCAATGGTAAAGGTTTCAGATCTTTTGAATCTTGGAGT
GGTGGATGTTGAATATAAGAGGGTGCCATGTGAATATCCAAATAGGAATTTGTTG
GTGAGAGTGGAAGAATCAAGTTACAACCCATTCAAATTGGCAATAAAAATATTTGT
ACCAAGGTGGGCAAACAGAGATGGTTGCTGTTGATATAGCTCAGGTTGGGACATC
AGATTGGAGCCATATGAAGAGAAGTTATGGAGCTGTTTGGGAAACAGACAATGT
ACCTGAAGGTGCATTACAGTTGAGGATGGTTGTGACTTCTGGATATGATGGAAAA
TGGGTTTGGGCAAAGTCTGTACTTCCTGCTACCTGGAGAGCTGGGGGCATTTATG
ATACTGGAGTTCAAATCAACGACATTGCTAAAGAGAGTTGCCCTCCATGGCAATG
TGGTGATAACCCGTGGAAATGA

Nucleotide

>CsEXLA-05

ATTACTAAACAATTTCTTTATCAATGAAAATGGCTTGGTTTCTTAGCTTTCTCTTTC
TCTTTTTTCATCTCTTCTGCCCATGCTTGTGATCGTTGTGTTTTCCAATCTAAAGCTA
GTCATCTCTATGAATCCCCTACTACATGTAAATAAAAATATATTTTTTTATTTGACT
ACTTGCATGCGTATGATCACCTAGTTTCGCAACTTTACCACCTGACAAATTTTATT

TTAGAAAAAGAATGAATTTTTCTTTATTAGTATTTGAGGTTGGATGCATGCAA
ATAGACTAAACCCACATCTCACTTTTTCTTTAGTATTTTGAAGTTTTTTTTTTA
CTGCGAGTATGTGGTTGGGGTTCGTTACAAAACGATGGATGTAGCCTAAGATGAA
TAATTCAAATATTAATACTTTTTGCACCATTCAATTTATTGTTCTTGAATTAAT
GTGAAAATATATGTATAATATTTCTACTGTTATTTGTCTACATAGATGGAGGAGC
ATGTGGTTATGGGAACCTGGCATTGCAGTTCTCTAATGGCTTCTTTGCAGCTGCTG
TGCCTTCTCTATATAACAAGGAGCTGGTTGTGGGGCTTGCTATCAAGTATATATC
TATGTTAATTGGTTCTTTAATTAATATAGTTTCATGTTGAATTATATGGGTAAT
ATATAATTATGTTATAATAATTAATGTATATATATACATACCATATTTGTAGGTAA
GGTGCAAAAATAGAAGGCTTTGCAATACAGTAGGAACAAAGGTGGTATTAACAG
ATCAAATAACGACAATGTAACAGATCTTGTTCTTAGTCCAAAGGCTTTCTTTAC
AATGGCTCTCAATGGTAAAGGTTTCAGATCTTTTGAATCTTGGAGTGGTGGATGTT
GAATATAAGAGGTGAATTAATGAGCTATATATATTATATAATTTCAAATATTTTTA
ACTAAGTACTCCAATTAATTTAATGAATAAGAAGAAATAAAAACAAATATTGTA
CTGTATATGTTGTTGTTTTGGTAGGGTGCCATGTGAATATCCAATAGGAATTTGT
TGGTGAGAGTGGAAGAATCAAGTTACAACCCATTCAAATTTGGCAATAAAATATTT
GTACCAAGGTGGGCAAACAGAGATGGTTGCTGTTGATATAGCTCAGGTTGGGAC
ATCAGATTGGAGCCATATGAAGAGAAGTTATGGAGCTGTTTGGGAAACAGACAA
TGTACCTGAAGGTGCATTACAGTTGAGGATGGTTGTGACTTCTGGATATGATGGA
AAATGGGTTTGGGCAAAGTCTGTACTTCCTGCTACCTGGAGAGCTGGGGGCATTT
ATGATACTGGAGTTCAAATCAACGACATTGCTAAAGAGAGTTGCCCTCCATGGCA
ATGTGGTGATAACCCGTGGAAATGAAAACTAATTAAGTTTTTATAATTGTATTT
GTGTGTTTGTGTAATAACTAACGAACAAGAAATCGAGACTCGTCTGTATCAAA
ATAAAAGAATTCGGTAGAATTCGCTCTTCTTATTAAATAAATAATAAAATGTTTT
AAGTTGATACGTCTTTAATCTTTCTTTATTTCTAATCATTTTTATGTGTCATAA
TTACATAGGTATTTGGTGTAGCCACCGTCACCTATTCAAACACTACACTTTCAAGT
TCTTTAGCTCTCAATTTCACTGCTCCTCTCTTAAGCGTCTTCCTCTTGGACTTCCTT
CTATCCCTTTATGTAATCACTTTGATGCTTCTATCCCTTTATGTAATCACTTTGTTC
ATCAATAATATCGGTGTTTTGTAA