

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana tomentosiformis*

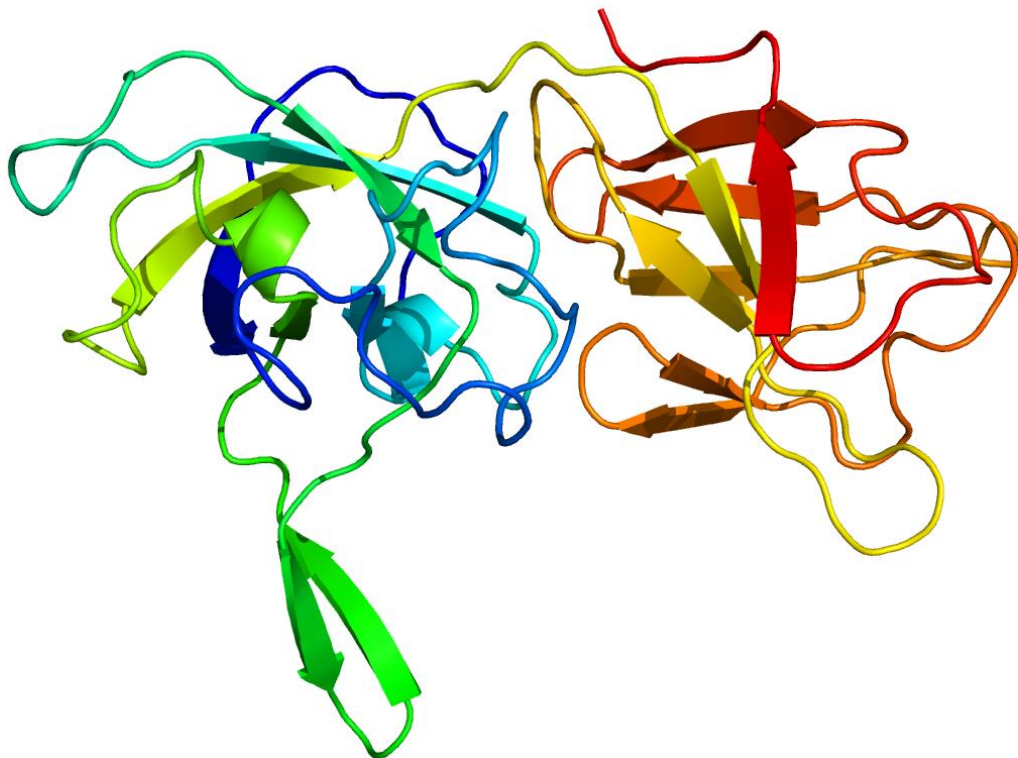
Locus: XP_009626498

Gene Model: XP_009626498.1

Description: NtmEXPA-19

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana+tomentosiformis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05025>

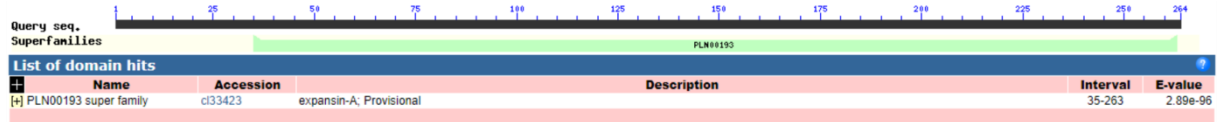
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NtmEXPA-19

MASLNCRWILSFFLIATMTLFHQAIADGYYSTPKFKTMPWKLAYATFYGDETASETM
GGACGYGNLFNSGYGTATAALSTVLFNSNGYSCGQCFQIQCVKSKFCYKGFTTVTATN
LCPNWAQDSNHGGWCNPPRQHFDMAKPAFMKIAQWKAGIVPVMYRRVPCIKKGG
IRFAFQNGYWLLVYVMNVAGGGDVASMWVKGSKTGWMKMSHNWGASYQAFAT
LAGQSLSFKLTSYTNHETIIAYNVAPSNWHVGMTYQAKVNFH

CDS (coding sequence)

>NtmEXPA-19

TGTAACATTCTATTCCTTAAGAAGAGCTAAAAGGAAACAAGCAACAATGGCATCT
CTCAACTGCAGATGGATATTGAGTTTCTTCCTCATTGCGACAATGACACTTTTTCA
CCAAGCAATAGCCGATGGCTACTATTCCACCCCTAAGTTTAAAACCATGCCTTGG
AAGCTTGCTTATGCCACGTTCTATGGGGACGAGACTGCTTCTGAGACAATGGGTG
GAGCTTGTGGATATGGGAAGTTGTTCAATTCTGGTTATGGAACAGCAACTGCAGC
ATTGAGCACAGTGCTATTTAGCAATGGATATTCATGTGGGCAATGCTTCCAAATA
CAGTGTGTGAAGTCTAAATTTTGTACAAAGGATTTACCACAGTTACAGCCACAA
ATCTTTGCCCGCCCAATTGGGCCCAAGACTCCAACCATGGTGGCTGGTGCAACCC
GCCACGTCAGCACTTTGACATGGCTAAACCTGCTTTCATGAAAATTGCTCAATGG
AAAGCTGGCATTGTCCCGTCATGTACCGTAGGGTACCTTGCATTAAGAAAGGCG
GGATTTCGGTTCGCATTCCAAGGAAACGGTTACTGGTTATTGGTATACGTGATGAA
CGTCGCCGGAGGAGGTGATGTGGCAAGCATGTGGGTGAAGGGAAGCAAAACAGG
GTGGATGAAGATGAGCCATAATTGGGGAGCATCATACCAAGCATTGCAACACTT
GCAGGACAATCTCTTTCTTTCAAGCTCACTTCTACACAAATCATGAGACTATTAT
AGCTTACAATGTTGCACCTTCTAATTGGCATGTAGGCATGACTTACCAAGCAAAA
GTCAACTTCCATTAGTCATGTAATGAGTTAAATATTGGCTAATGCGGATTAGTGG
GGCTAGTAAATTTTGGATACCTAATGGCTTAAAATTTTCTTTCTAAGCCTTCTGGC
CATCTTCGCTACCTTTTCCCCCTTTTACTATCTAGGCGCCCTTGAAGGAGTGGT
GCTACGATCTTCTTCCTACAAAAGTCTTGCTGTAGATATATTGCCAGCAGTCTTT
TAAGTTTTATTTTGCAATCTTGTACCTAGTCTTTCAATGCTGAAAGGAATGTACGT
CTCTTGTAATGCTGAAATAAAACAATAATATGACCATTGCTACTATGGTTTCTTTT
T

Nucleotide

>NtmEXPA-19

TGAGTTTTTATTTTAAGAATGTGATGCATGTTGATATCTCCTTCAAGTTTAACGTA
TAATAATAAATTGTGTTACGAGAAAGTAATTTTGTATGTAAATTCCTTATGCTACAA
ATTAGATGATTAGATCCTCAAGTATTTTAAATGATATTTTACTTTTATAATGAATA
AATTCAGTGTATAAGAAGACAATCTTTCTAAGCGCGGGTAATTAGATAATTAAGC
TTGATTTTGTCTCAATTCTCATACATGTCAGTCTAAAGTATTTAATAACTTTTCT
TGATAAGTTCTACTGACTTCTTGAGAAGATTAGAACCCCATATATGATCATATTC
CTTTCTCCCTACTTATATATTTTGGATAGACAGAATAGAATATTCTTCAATTATTG
CTATAATTTGCTTTTCTATGATTTTGTATCGTTAGCCAATGGGTGTCTTTATTTTCA
CTAATTGTCTACGGCATGGAAGCATAAAATATTTTAGCCTTACAAAACCTCGAAAA
AGAAACCATAGTAGCAATGGTCATATTATTGTTTTATTTTCAAGCATTACAAGAGAC
GTACATTCCTTTCAGCATTGAAAGACTAGGTACAAGATTGCAAAAATAAACTTAA
AAGACTGCTGGCAAATATATCTACAGCAAGACTTTTGTAGGAAGAAGATCGTAGC
ACCACTCCTTCAAGGGCGCCTAGATAGTAAAAAGGGGGAAAAGGGTAGCGAAGA
TGGCCAGAAGGCTTAGAAAGAAAATTTTAAAGCCATTAGGTATCCAAAATTTACTA
GCCCCACTAATCCGCATTAGCCAATATTTAACTCATTACATGACTAATGGAAGTT
GACTTTTGTCTGGTAAGTCATGCCTACATGCCAATTAGAAGGTGCAACATTGTAA
GCTATAATAGTCTCATGATTTGTGTAGGAAGTGAGCTTGAAAGAAAGAGATTGTC
CTGCAAGTGTTGCAAATGCTTGGTATGATGCTCCCAATTATGGCTCATCTTCATC
CACCTGTTTTGCTTCCCTTACCCACATGCTTGCCACATCACCTCCTCCGGCGAC
GTTTCATCACGTATACCAATAACCAGTAACCGTTTCCTTGAATGCGAACCGAATC
CCGCTTTCTTAATGCAAGGTACCCTGCAACCACATAGAAGTAACACCATATTAG
AGATGCAAGATATGATACAAGATTAGCTTTAGAGGGACAAAAGTTCAAATTTCTA
AGAATTTCTTAAAATTATATGACTCGAACTTTACCCCTATTGGTTCGATGATGGAG
GTGCTCTATTACTCGTCCTTAAGTTGATTGTTAACTCTTAATTTAGAAAGAAAAA
AATTATATTATCAATGTAACCTTACGTGCTGTAATAGACATACCTACGGTACATG
ACGGGGACAATGCCAGCTTTCATTGAGCAATTTTCATGAAAGCAGGTTTAGCCA
TGTCAAAGTGCTGACGTGGCGGGTTGCACCAGCCACCATGGTTGGAGTCTTGGGC
CCAATTGGGCGGGCAAAGATTTGTGGCTGTAAGTGTGGTAAATCCTTTGTAGCAA
AATTTAGACTTCACACACTGTATTTGGAAGCATTGCCACATGAATATCCATTGCT
AAATAGCACTGTGCTCAATGCTGCAGTTGCTGTTCCATAACCAGAATTGAACAAG
TTCCCATATCCACAAGCTCCACCTGCAATAACGAACGAAATTAGTAATCAAAAAA
TAAGACAGTGTTACAATAAACTAGAATTCAATAACTGTTTGAATTAGTTTGGTAT
CGAGGGATAATTGATTGACTATAGTGTAAACGCACCCATTGTCTCAGAAGCAGTCT
CGTCCCCATAGAACGTGGCATAAGCAAGCTTCCAAGGCATGGTTTTAACTTAGG
GGTGAATAGTAGCCATCGGCTATTGCTTGGTGA AAAAGTGTCATTGTCGCAATG
AGGAAGAACTCAATATCCATCTGCAGTTGAGAGATGCCATTGTTGCTTGTTCCT
TTTTAGCTCTTCTTAAGGAATAGAATGTTACACTTCAGACAATTTTGTATGTCTT
AATTGACTTGTAACCTTAGGCCTTTTATAGTTTGTGTCTAAGGGACAAGAAAATGT
AGCCTTCGTGCCCCACGAACATGTTAGGTTATAAAGTCAAATGTTTTGTTATAG
AATTTATTTATCTTTGTACCACGTAACCAAACTACAAGGTTTGTACATTTGTTAT
TGGCAACGTGCGGGCAGGTTTTATGGTACCGTACTGTTTTTCGATTCTTTTTTTCTT
AACAAATAAAATGTTCTAAGAATGTAAGCCAACATTGAACTTAAAATTTGATTCT
AAATTCTTTGACTTTTGTATATGATTAGTTGCATTGGCCATCCGACAAACAACCTCA
AGAAATCTTGATTAATTAATAAAAAGAATAATAAGAGGAGAAACTTTGGTATGC

ATGGACACGTGGCAAATAGACGATGGGGAGGCAAATATGTACTATTTCAAAGG
TCAGTGCAAATAATTGATCTTTTTGCTTTGCTAAG