

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

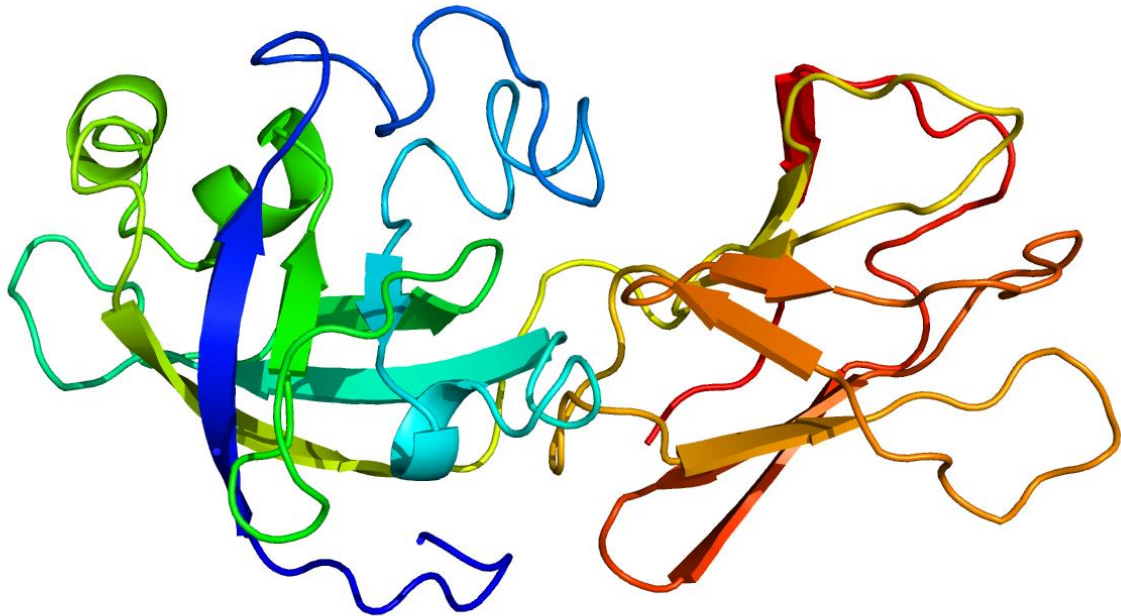
Locus: XP_015936223

Gene Model XP_015936223.1

Description: AdEXPB-04

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

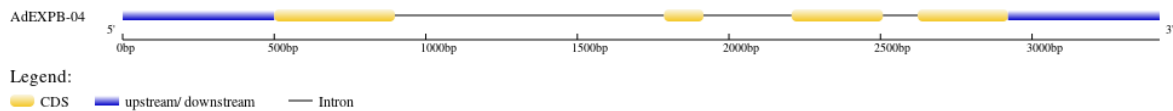
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

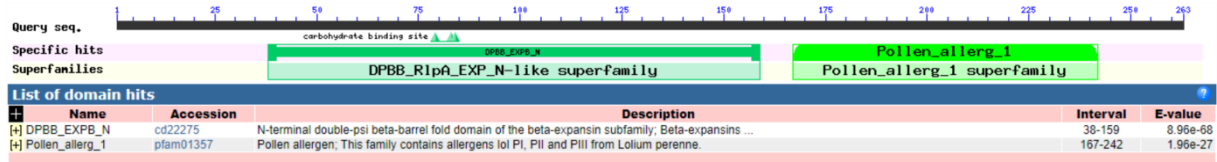
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPB-04

MQLHHRVTA VSVLIFCF S VMLVCG QKQRPRHRILDPHWHAGTATWYGDPEGDGSTG
GACGYGTMVDVKPLKARVGA VGPMLYKNGEGCGECYKVKCLDPTICSKRAVTVIIT
DECPGCPDRTHFDLSGAAFRMA VSGENGQLRNRGEIPVIYQRTPTCTYPGKNIAFRV
NEGSTPFWLSLLAEWEDGDGDISSMHIQEVGSGEWLEMKHLWGANWCIIAGPLRGP
FSVKLSTSSGRSLTARDVIPSNWSPKATYTSRLNFIP

CDS (coding sequence)

>AdEXPB-04

CCAACGGTCTTCATTCATACATACCACACCAAACCCCGAAAAACTTCCGCCGGC
GACTTCACTTCCGCCGCATTTTTCCCTCGGGATCTGAGCTCGCCGGAGCTTTC
ATTTGCGAGTCAGTCACCACAATGCAGCTCCACCACCGTGTCACCGCCGTGTGTCAG
TTTTGATATTTTGCTTCTCAGTGATGTTAGTTTGCGGCCAGAAACAACGGCCACGG
CACCGCATCCTCGATCCACATTGGCATGCTGGCACCGCCACGTGGTACGGCGATC
CCGAAGGAGACGGTAGCACCGGAGGGGCGTGTGGATATGGAACGATGGTGGATG
TGAAGCCGTTGAAGGCGAGGGTGGGTGCGGTGGGGCCGATGCTGTACAAGAACG
GGGAAGGGTGC GGAGAATGCTACAAGGTGAAGTGCTTGGACCCAACCATATGCT
CCAAGCGAGCGGTGACGGTTATAATCACGGACGAGTGCCCTGGTTGTCCCTCTGA
TCGAACCCACTTTGACCTCAGCGGTGCCGCATTTGGCCGAATGGCGGTTTCCGGC
GAGAATGGTCAGCTCAGGAACCGAGGCGAAATCCCAGTCATATACCAAAGAACA
CCTTGACATATCCAGGCAAAAACATTGCCTTCCGTGTCAATGAAGGTTCTACAC
CCTTTTGGCTATCACTCTTGGCAGAGTGGGAGGATGGAGATGGAGACATCAGCTC
CATGCATATACAAGAAGTAGGGTCAGGTGAGTGGCTGGAAATGAAACATCTGTG
GGGTGCAAATTGGTGCATCATTGCGGGTCCTTTAAGAGGACCTTCTCTGTAAA
CTAAGCACATCGTCAGGGAGAAGCCTCACTGCCAGGGATGTTATTCCAAGCAACT
GGTCACCGAAAGCCACTTATACCTCTCGCTTGAATTTCAATTCCTTAGGTTTCATGCA
TGCTTCATTTGCAACTTTACAAGACCAAAGGGACTAGTAACATTAAAGAATGCTT
TTTTTTCCCAGTTAAAGTTGGTCAAGTTCCACAAGGGAAAACCTCCGTGGGTTAT
TATACTATATATAGATATATAGATAGATATGTTGACAGTGTTACCCTTACCCCTAC
CCTTTGTCTTTCTGTTTTCTTGATAGA

Nucleotide

>AdEXPB-04

ATCTTCTTTTATCACATCAACTAGATTTGCCAGTAATAATTACGAAAATTGATGTG
TCATTAATGTTCTATTTAGTTGGAAGTATCAATCATTTTTCTATAGAAAGTTAGAC
AAATGCTTATAATTATGCCATCGAATTAATGGTTTTCCCTAGACTCAGCATCAAAT
GCAGTTCATCAGTTTTGGTTTATAAAAATTAGACTGGACATAGTTTATTGTCCATA
TGAAAATAAAAATTTAACAAAATGGTCAGGACCACAATACATTGTTTCATATCAAA
ATTATGCATTTATTTAATATCTTTATTTAATAATGCCAAAGGGGGCCAGTACAAAC
AATGAAGGATACTATACTACAAGCTCTCTCTCCTCTTTGGAGATGGCTACATA
ACACAACATCAGTTACAATTAACATATGCACACCACAAAAGGATGTATACAAA
AACAAAAGGAAAAATGCATATAAAAATGCCATTGTGTATTCAACGGCTACTTAAT
TTCTATCAAGAAAACAGAAAGACAAAGGGTAGGGGTAAGGGTAACACTGTCAAC
ATATCTATCTATATATCTATATATAGTATAATAACCCACGGAAGTTTTCCCTTGTG
GAACTTGACCAACTTTAACTGGGGAAAAAAAAGCATTCTTTAATGTTACTAGTCC
CTTTGGTCTTGTAAGTTGCAATGAAGCATGCATGAACCTAAGGAATGAAATTC
AAGCGAGAGGTATAAGTGGCTTTCGGTGACCAGTTGCTTGAATAACATCCCTGG
CAGTGAGGCTTCTCCCTGACGATGTGCTTAGTTAACAGAGAAAGGTCCTCTTAA
AGGACCCGCAATGATGCACCAATTTGCACCCACAGATGTTTCATTTCCAGCCAC
TCACCTGACCTACCTGCCAATATATGATCAATCACAAACATAGTATAAGAAAA
TTAGTATCATTATTTAATCTTGTGGATTTGCCATAGACTAATGTTATATTCTCCTAC
AAAATTTGGTAAAGGAACAATAAATTTACTTTGTCCCCTCCCCTCCCCTCGTAATT
TTCACTTCTTCAGCCTTATTAATAGTATAACGAACTCATGAAATTTTGTAGGGTCA
TGTAACTATTAATAACTCAGAAATTCAGTTTGAGCTATATAAAGCATAATTCTT
CTTGAAGATCTAGTTAAAGAGTTAAAAATTATTTTTTGCTACTTTTTTTGCTATA
TAAGAACTCGAGTTGAGTGATCTTGGACCCCATATATAAGATATTTTATATAGT
GGGGGAGAAGTGAGGAATGAAGTTTGGTTAGAGAGGTCCCATCTATCACATGCTT
AGAAAACAGAATATAGAGGGAAAAGGGCACCACCGAGAATTAACAACACTATG
GATAGCAATTTTTAATAGGATAGAAAGAGGGTCCAATCTAAAGTACCAAAAAAG
ATGGAAGTGGTGGCATTAGGCTAGCACGTGATCTAGGGAGACACATCCACAACA
TTTGAACCTAGCCATGCTGTTTTGCTTTTTAATTGGTACCCTAAAATAATTAAT
GACCCTAAAAGCTTTAGCGCACGTTTAGCCGGTTGCTTTCAACTCCAATTGCCACT
TTTCACATAACATTGTTCAAACAACAGAGGTAAAGTATAATGGTAAATTAATAT
GTGTTAAATCAATATAACACATTAATAAGAATCACATCACTTTCTTATATATTCAT
ATCAATTAAGATTTGGTAATTCGGTAAAAGATTATGCAAACAATATAAAGAG
GAGGAGCAAATGCATACTTCTTGTATATGCATGGAGCTGATGTCTCCATCTCCA
TCCTCCCCTCTGCCAAGAGTGATAGCCAAAAGGGTGTAGAACCTTCATTGACAC
GGAAGGCAATGTTTTTGCCTGGATATGTGCAAGGTGTTCTGCAAATATTGCAATC
ACATAGAACAAAATAAAGGTCATTCATTCAGTAGTATATAATATCGTTTTTTTCCTT
TTAATCCACAAAATAAGGATAGCTTCAACATGTTGTTTCAAGTTTCTAGTTGCAA
CCCAAACATAGAAACACAGTAAGGCCTTGGAGGGGACCACGGCCTCTGGCAAGA
ATCTCGTTCAGTTTCTATCTACCAGTGCAATTAAGGTCAAATTAACAAAACAAA
ACAGAAAGAATCTTCTGCATGTACATATATATATGATGCATATTCGTGCGTACCTT
TGGTATATGACTGGGATTTTCGCCTCGGTTTCTGAGCTGACCATTCTCGCCGGAAA
CCGCCATTCGGCCAAATGCGGCACCGCTGAGGTCAAAGTGGGTTCGATCAGAGG
GACAACCAGGGCACTCGTCCGTGATTATAACCGTCACCGCTCGCTTGGAGCATAT
GGTTGGGTCCAAGCACTTCACCTTGTAGCATTCTCCGCACCCTCCCCGTTCTTGT
ACAGCATCGGCCCCACCGCACCCACCCTCGCCTTCAACGGCTTCACATCCACCAT

CGTTCCATATCCACACGCCCCTCCTACAATTCACAACCATCACTAACAAATTTAA
ATTCATGCCGCTAAAATATTTAAGCCGTTAGTTAGTTATTAGTACACTCAAGGAG
TGAACATGGAGAATGAGCCTTTAATTACCGGTGCTACCGTCTCCTTCGGGATCGC
CGTACCACGTGGCGGTGCCAGCATGCCAATGTGGATCGAGGATGCGGGTGCCGTG
GCCGTTGTTTCTGGCCGCAAACATACTGAGAAGCAAATATCAAAACTGA
CACGGCGGTGACACGGTGGTGGAGCTGCATTGTGGTGA CTGACTGCGAAATGAA
AGCTCCGGCGAGCTCAGATCCCGAGGGAAAAAATGCGGCGGAAGTGAAGTGTGCG
CCGGCGGAAGTTTTTTCGGGGTTTGGTGTGGTATGTATGAATGAAGACCGTTGGG
GAGGTTTTGGGTCTTCTTTATAGTGCAACAGAATGGTGGGGTCAACCTCCAACGG
AATCGGTATTTTGACCTTATTACCCTTATTGTCTCTAGTTTATTTACTGAAGATGCC
ATTCGGATGGGTCCTAGCGGGTCCCACCGGCGGTTAAGGCGTTAATTCCGCATGT
GCGTGCGAAATGAATAAGTTCTTGCCATAAAGTCTTAAAAAAAAGTAAATTTTT
TAATTTAAATAATATTATTTAATTAATTTAAATATTTATTTTTTATTTTTTTAATA
AATAATAATAATTTTTAAAAAATACTTAATTGCATCGAAAGTCGTATGGGTTTA
TTGGTCATTTTTAATAAGAACGAACAATGTATTCTGTTACTTACTTAATTTAAGTG
ATTCACTGATTCTAGTTTATTATGTACTTGTGGCCGTTAATCCGTTTGTTCGTTTGA
GCTTCAAGCTTCAGCTAACCAAAACGGTCTGAATGATGGAGAAAGTTAGGTCG