

IDENTIFICATION

Species: *Solanum tuberosum*

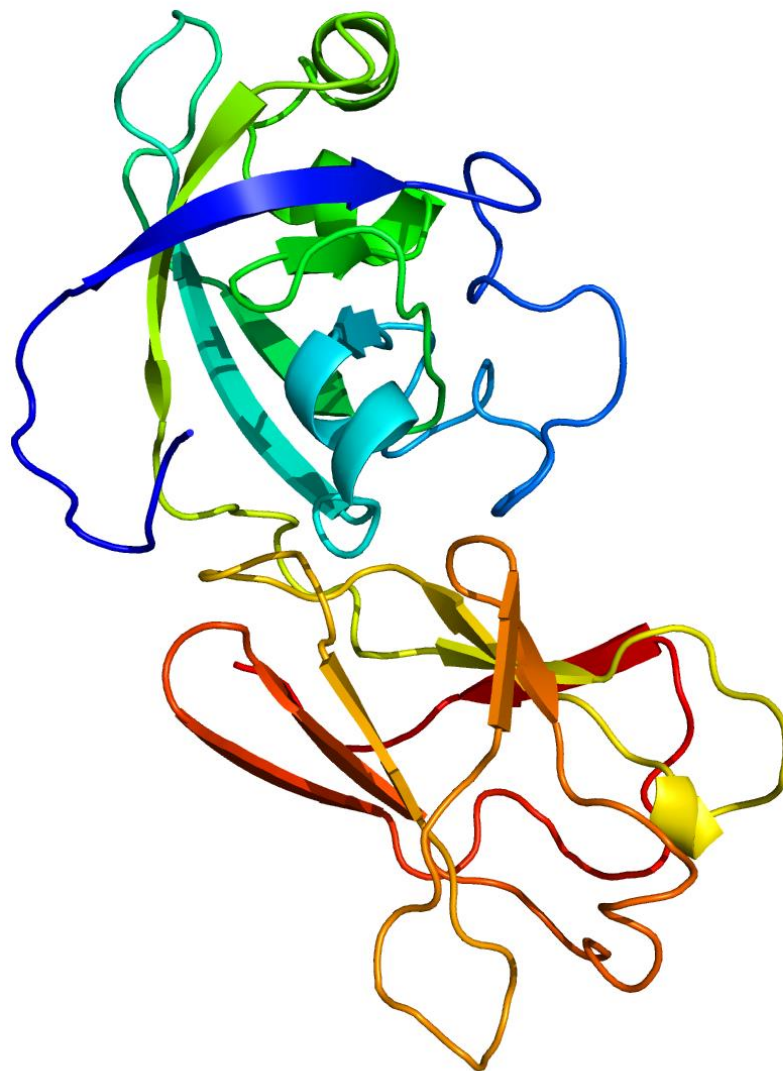
Locus: PGSC0003DMP400045512

Gene Model: PGSC0003DMP400045512

Description: StEXLB-04

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

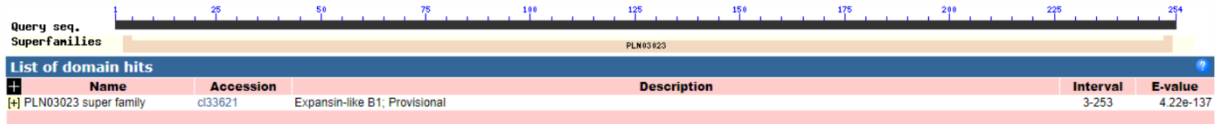
EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>StEXLB-04

MVFNNSHCIIFLLVTIIIPACYGQEANSLYTRATYYGSPDCYGTSPGACGFGEYGRKI
YDGKVSQVSRLYRNGTGCACQVRCRVPKHCTDEGTKIVVTDHGEQDHTDFILSV
RAYSDMATSGMANHLLAYGVVDVEYRRVPCTYYGYNLMIKVHEHSRFCNYLAIVPI
YQSGAFDIEAVEVWQADCKEWRGMRKAYGAVWDMPPKGSALTFRVQVSLNGEA
AKWVQLADVLPDEWKAGIAYDTYLMMLD*

CDS (coding sequence)

>StEXLB-04

ATGGTTTTCAATAATAGCCATTGTATAATTTTTCTACTTGTGACAATTATAATTTA
TCCTGCAATTTGTTATGGCCAAGAAGCAAATTTCTCTTTACACTAGAGCTACTTATT
ATGGCAGCCCTGATTGCTATGGAACCCCTAGTGGAGCATGTGGATTTGGTGAATA
TGGAAGGAAAATTTATGATGGCAAAGTGAGTGGAGTCTCTAGGCTCTACAGGAA
TGGAACGGGATGTGGTGCTTGTATCAGGTTAGGTGCAAGGTACCAGGTCATTGC
ACAGATGAGGGTACAAAAATAGTAGTAACAGATCATGGTGAAGGTGACCATACA
GATTTTATACTAAGTGTACGTGCTTATTCAGACATGGCTACCTCAGGAATGGCTA
ATCATTGTTGGCTTATGGTGTGTTGACGTTGAATATCGAAGGGTACCTTGTACG
TACTATGGTTACAATTTAATGATTAAAGTTCATGAACATAGCAGATTTTGTAACTA
TTTGGCTATTGTACCAATTTATCAAAGTGGTGCATTTGACATTGAAGCTGTTCGAGG
TTTGGCAGGCTGATTGCAAGGAATGGAGGGGTATGAGAAAGGCCTATGGAGCAG
TATGGGACATGCCAAATCCACCAAAGGATCACTCACATTCAGAGTTCAAGTTAG
TCTTAATGGGGAGGCAGCTAAATGGGTGCAATTGGCTGATGTTTTACCTGATGAA
TGGAAGGCTGGCATTGCTTATGACACATACCTTATGCTAGACTAA

Nucleotide

>StEXLB-04

ATGGTTTTCAATAATAGCCATTGTATAATTTTTCTACTTGTGACAATTATAATTTA
TCCTGCAATTTGTTATGGCCAAGAAGCAAATTTCTCTTTACACTAGAGCTACTTATT
ATGGCAGCCCTGATTGCTATGGAACCCCTAGTATGTATAATTTTCTCCTTAATATT
TTAATTTTCGGTCTTTTATATATATATATATATAAAGATGTGTCCATGCGCG
ATAGAAATATATTTATTATATGTATGTAGTCATGGCAAATGGGATTAATTGTACG
TTTAGATTGAGTTTGAATGGGTAAAAATAGGTTGAAATGTTATGTTACGTAACC

AACATGCTCATATTTTGTATATGATGTTTAGAAAGAGTTTAGGTGACAAATGATT
TGATTGATACTAAGAAATACGAAAGTGTGTAGATTTGTTCCCTTCTTCTTTTCGTC
TGAGTCACAAGTATATATATTGTAATCAAAACGAGCCTATAATTCGAGCCACAT
GTAGGGAAATTTGTACATGTGGTCTGGTCATGGACATTGGTATATATATTGTACT
AAATTACCAATAAGTTCCTATAATTCGAGTGTGACAATTACAGTCTCATTTTTTTT
CTAATAGACATCGATCTTAAGCAGTATTTTGTGTTAAATATGTTATGATAAGGTA
ATTAAGGTGTGATTGTTATAACAAAAAAAAAAAAAAAAACAGGTGGAGCATGTGGAT
TTGGTGAATATGGAAGGAAAATTTATGATGGCAAAGTGAGTGGAGTCTCTAGGCT
CTACAGGAATGGAACGGGATGTGGTGTCTGCTATCAGGTATATTAATTATATTAT
AAAATACTCCTTCCATTTCAATTTGTTAAGATTACAATATTCAAAAATCTTCTTT
ATTTTCTTAAATTTTCGTATCAAATTAATAAGGATATTCAAATTGAAACAAAAG
AATACGTAGTAACTTTACTAAACATAATAATCCATTTAGCTAGTTTGAACCTCAA
AACTAAAGGTAATGAAAATGACACCCACATAACCATAACACAAGTGTACCACTT
GACCTTATGAGAAAAGGCTCATCTATGTCATTATTTGTCAATTGAAATAGTATAT
ATGAGCCAACTCAGATGGCATAAATGAGCCTTTTCTCAAAGTTCGATGACATAT
TTGAGTTTTTTTTCTTTTAAAACATAATTTAATTAATGACGTGGCCGAACCATAAT
TGACCACATGTAAAAAATAATTTTACAAAATCAGAACTATTTTTTTGTTAACAAT
AATGAATGGATGAGTCTTTTCTCAAACGGAAATGACATATATGAGCCGAACCTGT
AACGGATGACACATATGAGCCTTTTCTTAAATTTGATGGCATATTTGAGTCTTTT
CCTACAATAAATTACAGTTGAAAATAAATTGACAAAAATGAATAAATAATCATTT
AGACTAATGCACAGATATCTCACTCTCTTAAGAAGATTCAAGTCCACTGCAGCA
TTATAATCTACACCGATCCAGCAGTATATCTTTAAAAGGTTTTTTTCAGGATCTTA
ATTATTTTTTTTGAAAAAATTGAACCAAAAACATGATTTTTTCTATCCATTTCCCGC
TTCACCAACTCCCTGAAAAAAAACACATGGTGAAAAACAGATTCTCGTCAAATA
ATGAAAAAGCGCACTTTTTAATATTTTTTGTAACGTACAACAGGTTAGGTGCAA
GGTACCAGGTCATTGCACAGATGAGGGTACAAAATAGTAGTAACAGATCATGG
TGAAGGTGACCATACAGATTTTATACTAAGTGTACGTGCTTATTCAGACATGGCT
ACCTCAGGAATGGCTAATCATTGTTGGCTTATGGTGTGTTGACGTTGAATATCG
AAGGGTACCTTGTACGTACTATGGTTACAATTTAATGATTAAGTTCATGAACAT
AGCAGATTTTGTAACTATTTGGCTATTGTACCAATTTATCAAAGTGGTGCATTTGA
CATTGAAGCTGTCGAGGTTTGGCAGGTACGTTTAGTTAGAGGCGAATTCAAAATT
TAAATTTGATTCAGTATAATTTGAGTCATAAAATAAACATTGTGCAATATTAAC
AGTTTATTGAATATTAAGAGTGTTCGAAGTGTGAGAGCTAGGATTTTCAAGAGAG
TTTAAAATATAAAGAAGTAAGTAAACGCATGAAGTAGTCACAAATATATACTATC
TATTACATATATATAGAAGAAAAAAAATCTAATCTTATCTTATATATATATATA
TTATATAATTTTTTCGACCAAGCTGTTAATTTCACTACATAACCAAGGGAGCGGG
AAAAAAAAAATTTAGATCACCTATATATAAGTATATATTGGTAATTTCTCTCATTA
TTGTTTAACTAGTGCAATTGCTAAAGTGTATCTAACTATATATAGAGTTGATT
ACTAAGCTGATTATTTAATTAATAGTTATAATTTCAAAAAGAAAACCACTTTCTT
TATTGAAAAAATTAATTCAGTAACGATATGAGAAATCTACTTCTAAAAGATT
ATATATATATCTACACGTAACGTAATAATTGCATATAAAGTGAAATTAGTAAC
CTGAAAAATAAGACGGGAGTTGTATGTATGTATGTGTAGGCTGATTGCAAGGAAT
GGAGGGGTATGAGAAAGGCCTATGGAGCAGTATGGGACATGCCAAATCCACCAA
AAGGATCACTCACATTCAGAGTTCAAGTTAGTCTTAATGGGGAGGCAGCTAAATG
GGTGCAATTGGCTGATGTTTTACCTGATGAATGGAAGGCTGGCATTGCTTATGAC
ACATACCTTATGCTAGACTAA