

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

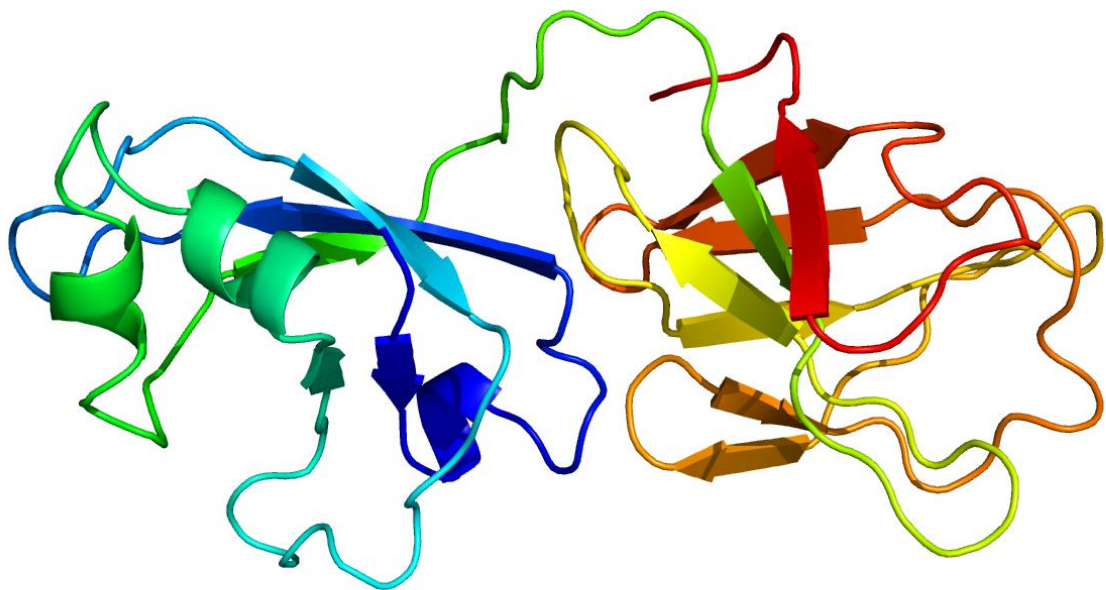
**Locus:** Ca\_25515

**Gene Model:** Ca\_25515

**Description:** CarEXPB-06

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

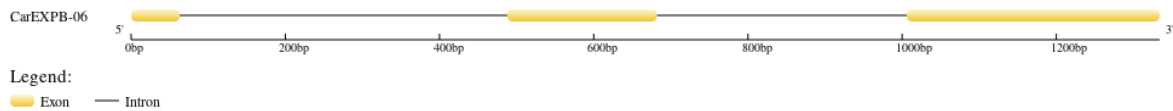
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

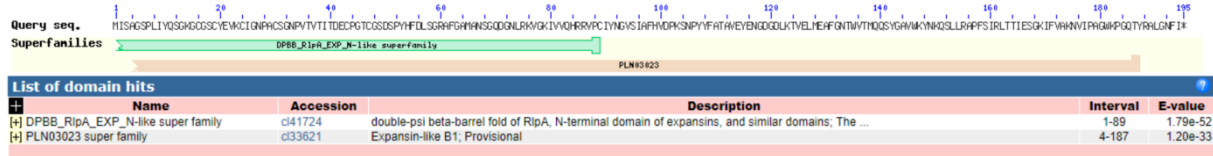
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPB-06

MISAGSPLIYQSGKGCSCYEVKCI  
 GNPACSGNPVTVTITDECPGTCGSDSPYHFDLSG  
 RAFGAMANSQGDNLRKVGKIVVQHRRVPCIYNGV  
 SIAFHVDPKSNPYYFATAVEY  
 ENGDGDLKTVELMEAFGNTWVTMQQSYGAVW  
 KYNKQSLLRAPFSIRLTTIESGKIF  
 AKNVIPAGWKPGQTYRALGNFI\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPB-06

ATGATATCAGCCGGAAGCCCTCTCATCTATCAATCGGGAAAAGGCTGTGGTTCTT  
 GTTATGAGGTGAAGTGCATTGGAAATCCTGCATGTTTCAGGAAATCCTGTGACAGT  
 TACTATTACCGATGAGTGTCTTGGTACTTGTGGATCAGATTCTCCATATCATTG  
 ATTTGAGTGGTAGAGCTTTTGGTGCCATGGCAAATTCAGGTCAAGATGGAAATCT  
 TCGTAAGGTTGGAAAAATAGTTCGTTCAACATAGAAGAGTTCATGCATTTACAAT  
 GGTGTCTCAATAGCCTTCCACGTCGACCCTAAATCTAACCCATATTATTTTGCTAC  
 CGCGGTTGAATATGAAAATGGGGATGGTGATCTTAAAACAGTTGAACTTATGGAA  
 GCATTTGGCAACACTTGGGTTACAATGCAACAATCATATGGTGCTGTTTGGAAAT  
 ATAATAACAGTCACTACTAAGAGCGCCATTTTCTATTAGGCTAACCACAATTGA  
 GTCTGGGAAGATATTTGTAGCAAAGAATGTGATCCCGGCGGGTTGGAAGCCTGGT  
 CAGACTTATAGAGCACTTGGAAATTTTATTAA

### Nucleotide

>CarEXPB-06

ATGATATCAGCCGGAAGCCCTCTCATCTATCAATCGGGAAAAGGCTGTGGTTCTT  
 GTTATGAGGTGCTAATAATTAACAATTAATAATAATAATAATAATAATAATAATA  
 ATTATTACTAAAATAAAGTAAAAATAAACGACGAAAATTCAAGATACAA  
 AAATAAATCCAATTTTAACATGTAAATTAATAATTTTATCAGCATAATTTTTTTTA  
 CTAGATTTTATCAACATAATTTGGAAATTGTTTATTTCTATACGTAACATTGTTAT  
 TAATAGTGTCAGTTCAATAATAAAAGATTCTTTTTGTCATAATATATTATAACTTT  
 AAATATGTTATTACTAAATTGTTTAATAATCTTTAATTAATAATAATTTATTTTCCT  
 CAATTTTATAAATTAATAAAAAAAAAAGTAATTTCTCAATAGCAGGAGTTCAAAAA  
 AGAAGATGCTAATTATGGAAAATTTGTTTTACTATAATTTTCAGGTGAAGTGCATT

GGAAATCCTGCATGTTTCAGGAAATCCTGTGACAGTTACTATTACCGATGAGTGTC  
CTGGTACTTGTGGATCAGATTCTCCATATCATTTTTGATTTGAGTGGTAGAGCTTTT  
GGTGCCATGGCAAATTCAGGTCAAGATGGAAATCTTCGTAAGGTTGGAAAAATA  
GTCGTTCAACATAGAAGGTATTATCTCTGTTTCTCTTTAAGCTTTTGTGTTGTAGA  
GGTTTTTTTAGGGTTTTATTTATGTGTCATTTTTAATGTTCCAAGGTTATATTGACC  
ATTACTTTTTTGTTAATATATAAAAATGTTTTTAATCATAAAAAAATCTAAAATAGT  
CAACGGGGTCATAAAAAAATTAGACAATTTTTTGTGTTTATGTTTTTATTTTTATCTTT  
TTAAATGTAAACAACCTTAATTAATTGAGTAAAAAATAAAATAATTTACTTTCA  
ACATTTAAGTATTTTGTGTTACAATATTGCAATTATATAAACTATTGATTCTTTAAT  
GCAGAGTTCCATGCATTTACAATGGTGTCTCAATAGCCTTCCACGTCGACCCTAA  
ATCTAACCCATATTATTTTGCTACCGCGGTTGAATATGAAAATGGGGATGGTGAT  
CTTAAAACAGTTGAACTTATGGAAGCATTGGAACACTTGGGTTACAATGCAAC  
AATCATATGGTGCTGTTTGGAAATATAATAAACAGTCACTACTAAGAGCGCCATT  
TTCTATTAGGCTAACCACAATTGAGTCTGGGAAGATATTTGTAGCAAAGAATGTG  
ATCCCGGCGGGTTGGAAGCCTGGTCAGACTTATAGAGCACTTGGAAATTTTATTT  
AA