

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

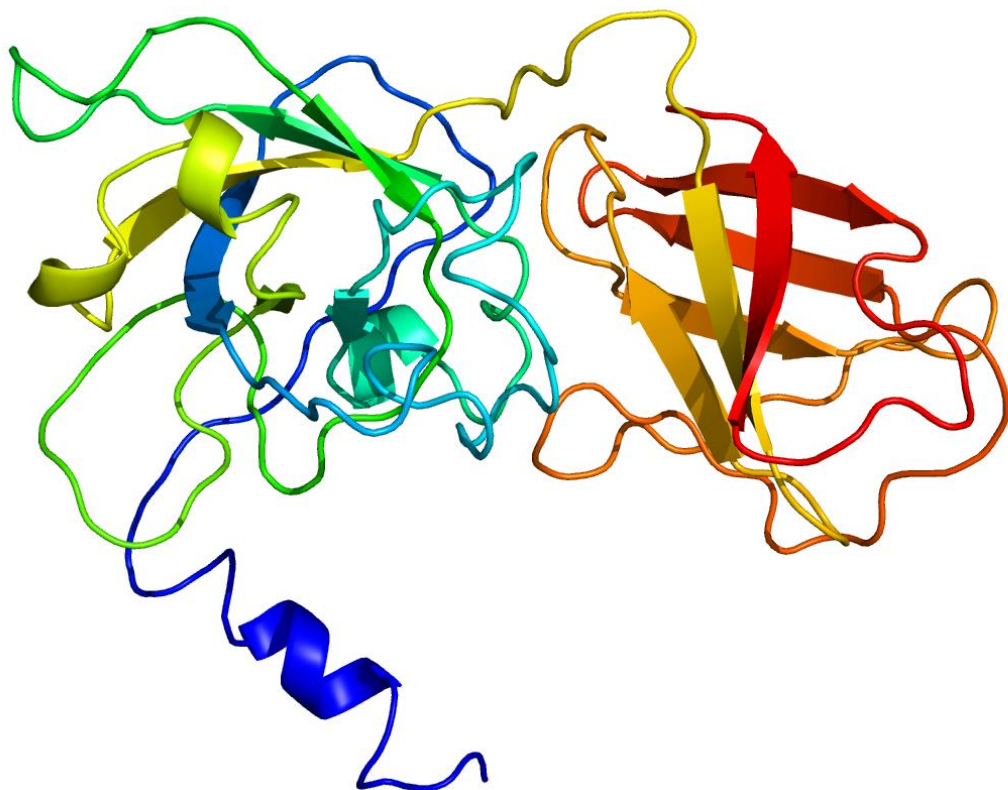
Locus: AH017571

Gene Model: AH017571-RA

Description: AhyEXPA-13

Family: Alpha Expansin

3D structure:



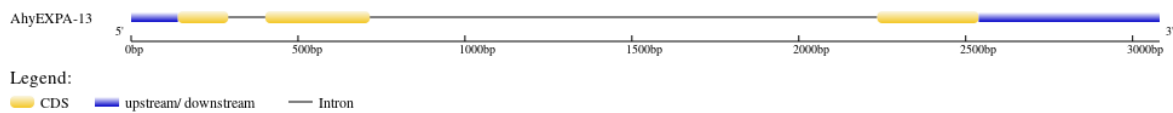
GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

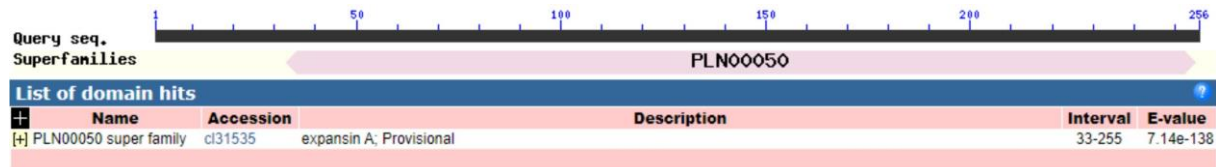
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-13

MSHVLLLLTIFSLLSFSSFARHGHGGGHIAGAWTDAHATFYGGGDASGTMGGACGY
GNLYSQGYGTSTAALSTALFNGLSCGACFEMRCVNDARWCLPGSIIVTATNFCPPN
NALPNNAGGWCNPPLKHFDLAQPVFQQAQYKAGIVPVSFRRVPCRKKGGIRFTING
HSYFNLVLITN VGGAGDVHAASIKGSRTNWQPM SRNWGQNWQSN SYLNGQTL SFK
VTASDGRTVTALNVAPPNWSFGQTYTGGQF*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-13

ATGTCTCACGTTCTCCTCCTTCTCACCATTTTCTCTCTCCTCTCTTTCTCCTCCTTCG
CTCGCCACGGCCACGGTGGCGGTCACATTGCCGGTGCTTGGACTGACGCTCACGC
CACCTTTTATGGCGGCGGCACGCTTCTGGA ACTATGGGAGGAGCATGTGGATAT
GGAAATTTATATAGCCAAGGATATGGTACGAGTACGGCAGCGTTGAGCACTGCTC
TGTTCAACAATGGTTTGAGCTGTGGTGCATGTTTCGAAATGCGGTGTGTGAATGA
CGCGAGATGGTGTGTTTGCCGGGTTCAATTATAGTCACAGCTACTAATTTCTGTCCGC
CAAACAATGCCTTACCTAATAACGCAGGAGGATGGTGCAACCCTCCGTTGAAACA
CTTTGACCTTGCTCAACCTGTTTTTCAGCAGATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTG
TCCCTGTTTCGTT CAGAAGGGTACCATGCAGGAAAAAGGGAGGAATCAGATTCAC
AATCAACGGCCATTCTTACTTCAATTTGGTATTAATCACC AACGTTGGAGGTGCA
GGTGATGTACATGCAGCCTCAATCAAAGGGTCCAGAACTAATTGGCAACCTATGT
CTAGAAACTGGGGTCAAAATTGGCAAAGCAACTCTTACCTCAATGGCCAAACCCT
ATCTTTTAAGGTTACAGCCAGTGACGGCCGCACCGTCACTGCTCTTAACGTGGCT
CCTCCTAACTGGTCCTTTGGTCAGACTTACACAGGTGGCCAATTTTAA

Nucleotide

>AhyEXPA-13

TCTCAGTCCTCACTTTTTCCCTCTATTTATTTCCCTTACTCCCCTCCCATTTTTCC
TCACCTTGCTTCCC ACTTCCAACCCCTCTTACTCCTTTCACAATTCACCCCTTTT
CCAACCTTTCTCTCTCTCTAAACCATGTCTCACGTTCTCCTCCTTCTCACCATTTT
CTCTCTCCTCTCTTTCTCCTCCTTCGCTCGCCACGGCCACGGTGGCGGTCACATTG

CCGGTGCTTGGACTGACGCTCACGCCACCTTTTATGGCGGGCGGCGACGCTTCTGG
AACTATGGGTATTATGCTTTGTTATTGTAATTTCCCTTCTATTTTTGTAATTAGTTCC
TCTGAAATACAGTTAATTTTGCGGTAATAATGATGAAGATGCAATTA AATTGAAA
TTTTCAGGAGGAGCATGTGGATATGGAAATTTATATAGCCAAGGATATGGTACGA
GTACGGCAGCGTTGAGCACTGCTCTGTTCAACAATGGTTTGAGCTGTGGTGCATG
TTTCGAAATGCGGTGTGTGAATGACGCGAGATGGTGTGTTGCCGGGTTC AATTATA
GTCACAGCTACTAATTTCTGTCCGCCAAACAATGCCTTACCTAATAACGCAGGAG
GATGGTGCAACCCTCCGTTGAAACACTTTGACCTTGCTCAACCTGTTTTTTCAGCAG
ATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTCCCTGTTTCGTTTCAGAAGGTACTCTTTTCT
ACTTTATTATCTCCTTTAAAAGCTTAGGAATTGTGAAATTTATTTTTAATTTGTTTA
TATTTAAGTTTTAAAGTTTTTAACCATAACTTTATTTTAGCCTAGCTATCCTGTAC
TAGTAACTTAGCTAAGGGCCTAAGGCTAGTCTAAATATTTTTGAGATGTAATTCA
CTTTTTTAAGCTGGGGTCGTTGTTTCTAGTAAGACTATCTTTTTTCTTCACTTTTG
TTAGATGTGCACACCATTCTGTA AATAGAACTTTAAAGGCATTAGCTTTACCATG
CAATTA ACTTCTAGAGTTGTTTTACTCTAATAACTAATAATTAATAGTTAATTCAA
ATTATAAGTATGAGCAAACATGAGTGTGTTTGCATATGACTAATAGCTAACA ACT
TTGTATTTTATCTAAGTAGCTGATTTGATATTTTAAACATGCCATTAAGA ACTTAT
TAGCTTATTCATAGCAATTAATTATTTCAAATTGCTAAATTACTAGACACTAAATT
TAGATGACTTGGACATGTTAACTTTATCAATTTATTTTTACTAACTTAACTTTCTC
ATATCTTTACCCCTATTAATCTCACATTGCCATTA AAAATTTTTAAA ACTCTAATCA
TAAATTGAGAGTGTCTGGATGATTGACCGTTTAATATCTATTTATGTC A AATTAAT
ATAAAAATTATTAATAAAACCCTTTTGTGAAACATCTATAAAGCAAAAAAATGGAA
ATATTAAGTAAATTTAGAGAAAAAACAAGATATTTAGTGTCCTTGTATATTA
CTCTCTCTATTCTATAACTTGCTAGTTTTAACTTTTTTTACACAATCTAATCTAC
TATTTGTTCAATTTATATGTTGAATTATATACATTTAAA AATTATAGTAAATTTAT
ATTATGATAGTACTCCCTCCTATTCAAAATAAATGTCCACTTTCCTTATTTGGTAA
AGTCTCTTACTTGTCCACTTTCTATTTTTGGCAAACTTTTTACCTAAATACCCCC
AACTATCCCAACTTATATTATTTAATAATACCCACCTACCACCTTTTCAATTATT
ATAATCACTTAAAATACCCCACTACCACCTTTTCAATTATTATAATCACTTAAAAT
ACCCCACTACCACCTTTTCAATTATTATAATCACTTAAAATACCCCACTACCATTT
TTTCTTAAAATCCGATCCAAACCCAAAGTGGACAATTTAATTGAATAGGAGGGAG
TATTTGATTAGACCATTCAAACAAGATCTCATTGACTATATTACTTGCATAT
TAGCCGTAATATATAAAAATAAATTTAAACGATGAATAATGTGAGGGAATTTTTTT
GTCTAAATTTAAGGTAATTC AAGGGAATTACACTAAATTATGCACGCATCGGTTG
GAAAAATTTGATAAAAATGTCATTA AAAAGTGGTACCCTATATTATGTGACTTGTG
AAAATGGTGAGCACAAAATTGGTTAAAGATACTGAACCTCTGAATACTTGTACAG
GGTACCATGCAGGAAAAAGGGAGGAATCAGATTCACAATCAACGGCCATTCTTA
CTTCAATTTGGTATTAATCACCAACGTTGGAGGTGCAGGTGATGTACATGCAGCC
TCAATCAAAGGGTCCAGA ACTAATTGGCAACCTATGTCTAGAACTGGGGTCAA
ATTGGCAAAGCAACTCTTACCTCAATGGCCAAACCCTATCTTTTAAGGTTACAGC
CAGTGACGGCCGCACCGTCACTGCTCTTAACGTGGCTCCTCCTAACTGGTCCTTTG
GTCAGACTTACACAGGTGGCCAATTTTTAAACA AACACCACTGTCTGTCTCCATAA
TTTTACAAAATGGGTCATAGGGTAATTTTATCTTTATTTTTTTAAGGGGTCCAATG
GTAAGGGTTAATTTTAGAGTGATCTTTATCATATTTTCATATTATTATATATTATAT
ATATATCAGTCCTGAATTAAGATATATGATAATTTGGGCTTTTTATTTCAATTTAGC
CCATACTAATATCATTATATTTTAATTCAGTTATGGGTTAAAGGGTAATTGGGTTA
TTTTAAGTTGTGTCCTGATATTATTATGGGACACAATATATATAGGCATTAGGCAG

GGGTGGGTCTTTTACCACCCGCCATTAATAATATGGGGATTTTAGAAATTGTGAGG
TTTTTCTTTTCTTTTAAATTCGAGGAATATTTAGGTTTCAGATGTTTCTAATT
GAGTTTAGTAGTTTGTTGTTTGAGCTAAATCAAGTGTAATTGGGACTGATTTGTA
TCAGGTATAATTATGTAATTTGGACCTACTATGTTTCAAATTTAAATATAATGTG
GTTCTTGAAA