

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

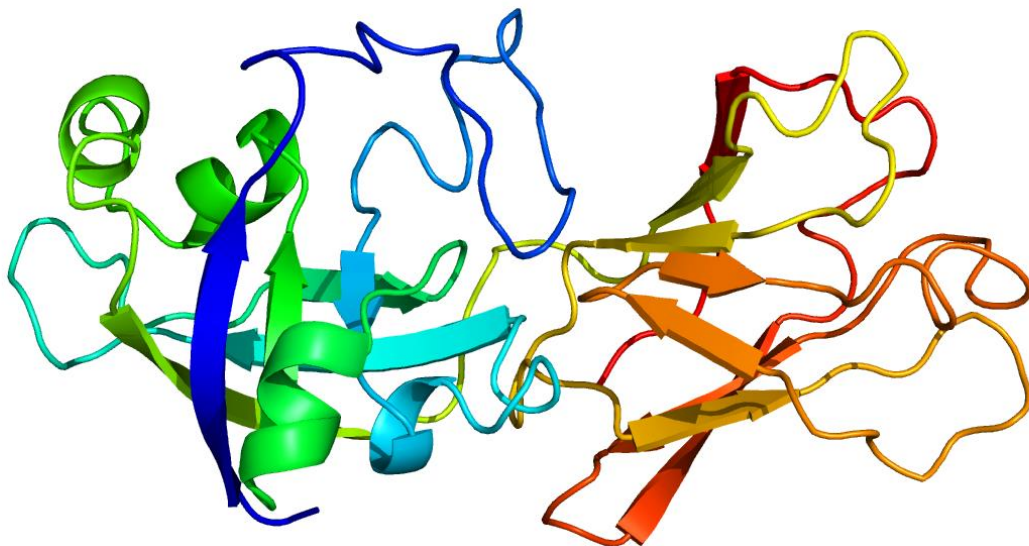
Locus: Oeu000033

Gene Model: Oeu000033.1

Description: OeuEXPB-06

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

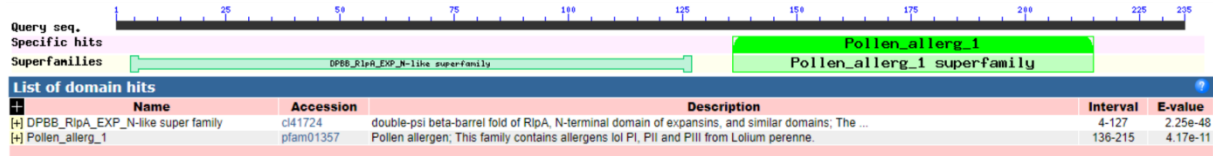
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPB-06

MRAFSPGVATFYAGPNEHAGGSGGACGFEDDGLVAPYNGLTAAGNNDLFKSGAGC
GTCYQVKCTENMECSGYVPITITNECPGACNDQHFHFDLSYKAFRLAKRGQGFAL
QKHGIINIYRVRVQCSYRWTPIVFRIAKGSIRGQYLAFASEFVNGDGDVGAVELIVSK
NNVVLPMTISYGATWATGFSIPDTSIGPYSVRLTTIESGRITLATNVIPADWAPGQEYR
SSVNF*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPB-06

ATGCGAGCTTTCTCCCCAGGTGTAGCAACATTTTATGCTGGCCCTAATGAGCACG
CTGGTGGAAAGTGGTGGAGCCTGTGGATTTGAGGATGATGGATTAGTTGCTCCTTA
TAATGGCTTGACAGCTGCTGGAAATAACGATTTATTTAAATCAGGTGCAGGTTGC
GGAACCTTGCTATCAGGTGAAATGTACCGAAAATATGGAATGCTCAGGATATCCGG
TTCCAATAACAATCACAAATGAGTGTCTGGTGCATGCAACGATCAGCATTTCAC
CTTTGATCTAAGTTACAAAGCTTTTAGACTCTTGGCTAAACGTGGCCAAGGTTTGT
CATTGCAAAAACATGGAATAATCAATATTCAATATCGAAGAGTTCAATGTTTCATA
TCGTTGGACCCCAATAGTGTTCGAATTGCCAAAGGTTCCATCAGAGGGCAATAT
TTAGCCTTCGCGAGTGAGTTTGTAAATGGAGATGGAGATGTTGGTGCAGTCGAGC
TAATTGTTTCGAAAAATAATGTAGTGCTTCCAATGACAATATCATATGGTGAAC
ATGGGCAACTGGGTTCAAGTATCCCAGATACTTCAATTGGCCATACTCTGTGAGA
CTGACTACTATCGAGTCCGGGAGAACAATTTGGCCACCAATGTGATTCCAGCTG
ATTGGGCTCCAGGCCAAGAATATAGATCAAGTGTCAATTTTTGA

Nucleotide

>OeuEXPB-06

ATGCGAGGTGATCATGAGTCTATGTGAAAATTATTTGACATTAATTGATAGGCAA
TCTTACAACCTTTTGGAGAGACTTTCCAAAATAATTTTTTTTCTAAATTCATTTACA
ACCATATGTCTAAAAAAGAAAAAATCATTTCAGAAATAATGCTATTCAG
CACCATAATATCCAGCACCAGTTTGGGTGTCAATTGCACGACATTAATAATAG
TTTTATTTAAATGTAATGTAACATGATTCATTTAATTGAACCTATCAAGTATGTCT
ACCTAGCCTAGCATTTTAGCACCAGTGTGCAAAAATAATATTATTCTTTTTTCAAG

TGACTCAATAGTTTTATCACACATTCTTCAAAAAATTAATTATTCCCCAAAAATGT
CTCTTTCAAACAAATGCTTTAAGAATGTGGATCCTGCTTAAAATAACATATCAAT
GAATATGAGTACCACTTAAATGCACATTACTATAGATATTATTATGTAAAATATT
ATGAAAATTGTCCATATTTCAAGCATCTTGGCTAACTTTATGCTATTTGGACTAAG
AAATTTAGCAATTATCTAGACTCGTGTTAAGGACTAGAGATGCTACATCATATTT
ACTCAGTTTAATATTATGAAAATTGTTAGATTTCTAGTATCTCAATTATATCTATG
CTATCTTTTGATTTAGAAAAGATAACTATTTCAATTTTTTGATTATAAAAATCCAT
CCATGTACCATAAAAATCAACCACCAACCTCTAATAGTTCTCTAGCATAAGTATTA
TTAATTTTTGAAAATAAATTAGCAAAATGTTTACTCATAAAAATCTCTCAACCTTTAT
CTCTGTTGACTTTGCTAACCATTTCACTAGCCCAAATTA ACTATTGTTCTTGATA
AATGCCAAATCACTCAATTTTTCTGTGCTTCAGCTTTCTCCCAGGTGTAGCAAC
ATTTTATGCTGGCCCTAATGAGCACGCTGGTGGAAAGTGGTAAAAGTTCAACCCAT
GCGCGTTGAAAATTA AAAATGAAACAGGGGCATTTTGATACCACCCAGAACAGGA
ACTTTACATTA AATCGAAAAA A A A A A A A A A TCTCTATTTTCTTTATTCATTTATAGGATT
TTTATCTCTTATGACTGTTTAATTAATTATTTTAGGTGGAGCCTGTGGATTTGAGG
ATGATGGATTAGTTGCTCCTTATAATGGCTTGACAGCTGCTGGAAATAACGATTT
ATTTAAATCAGGTGCAGGTTGCGGA ACTTGCTATCAGGTGCTGATATTGTTTTTAA
CTATTCATTTGTGTATTTTGTATTATTTATTATGAAAATGTCTTTCTCAAGTATAGT
TTCAGATGATCTCTATGGGTTTGATCCATTTTGATCAAGGACGGACCTTGAGTATG
AACTTAGTCCTGGTTGAACTCTTGTTTGCAA AATTAATTGCAATTCGTATGCAGGT
GAAATGTACCGAAAATATGGAATGCTCAGGATATCCGGTTCCAATAACAATCACA
AATGAGTGTCTGTTGCATGCAACGATCAGCATTTTCACTTTGATCTAAGTTACA
AAGCTTTTAGACTCTTGGCTAAACGTGGCCAAGGTTTTGCATTGCAAAAACATGG
AATAATCAATATTCAATATCGAAGGTGAGCAATTCATATTGAACACAAATATATA
AGTTAACAAGCATCATCTAAGTTTCTGGTTTTTCGTTTTATATAAATGCCATCTTCC
ATCGTACTTTTGTGGAAGAAATGGATTGAAGGGCTGATTTTGGCATAAATTTTG
AGAGGGACTTGTTTTTTTATTTTGGAAAGATCAAGATTGATTTGTATTCTTCTCCAT
GAGAACATCGAACTCATATATTTATTTGCCAAAAATGATGCTCAGGTGAATGAGA
AATTGTAGTTCAAAGTGATGCATTGAAAGATGTTTCGTATTGGAAGGAAA ACTAA
TTTAAAGTTATCCCACATAGAAAATAGATAAAGTTAATGACTACTTTAAATATG
ATCACACTTTGAAAGGGTGTAATCATGTGCAGCATAGGAGTTTTCTCTACTTGCTC
GCGCAAGCGGTGCAAATCATAGACTAAAATAAAAATAGGCTTTGGA ACTTGA ACTT
GTGTGCGCAGGTTGCAATGGATTGAATGAACTAAA AACTGACCCTTTATGAGAGT
TCATGTTTTGCCTTTATTTTATTATTTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAACACCTTTCA
AATTCTTTTTACTCCTGAAACTCATGATTATGTCTGTGTTAATGGAGAGATTAACA
GCCGTGTTAATGGTGGTTAATGGTATAACTCTTGACCTGTTAATTCTCATATACAA
CCTATTTACCGAGTTCTTTTCTCCCTTATAGACACACGAAAACTCATTCTCAG
CATAATTTGACTTTCGCTACATAATAATTTACTTTCTTTCAAGGTATTGGTG
ATAGTTTTCGGATACTAAGTCAATTCGTCGGAGTAGTGTCTGTAGTGCTCGAGGT
CTACTTTTTCCATTGTATTATGAAAATAGATGCACAACTAACTTCAAGCACC
TATAGTGAGGGGGTGAATCTATTTTAGGGAAATTGTGTTTACACAGATCTCGATT
GGAAGTTCATTTGCTCTTTTATTATTTTCTTACAATTTTAGATTACTTGTTTTGTCT
TATTGTAATTAATAAAAATTATTTTAATCTGCAATATTTTCTTAACATTTTCTATATT
TGGAATTTGCAGAGTTC AATGTT CATATCGTTGGACCCAATAGTGTTTCGAATTG
CCAAAGGTTCCATCAGAGGGCAATATTTAGCCTTCGCGAGTGAGTTTGTAATGG
AGATGGAGATGTTGGTGCAGTCGAGCTAATTGTTTCGAAAAATAATGTAGTGCTT
CCAATGACAATATCATATGGTGCAACATGGGCAACTGGGTT CAGTATCCCAGATA

CTTCAATTGGCCATACTCTGTGAGACTGACTACTATCGAGTCCGGGAGAACAAT
TTTGGCCACCAATGTGATTCCAGCTGATTGGGCTCCAGGCCAAGAATATAGATCA
AGTGTCAATTTTGA