

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

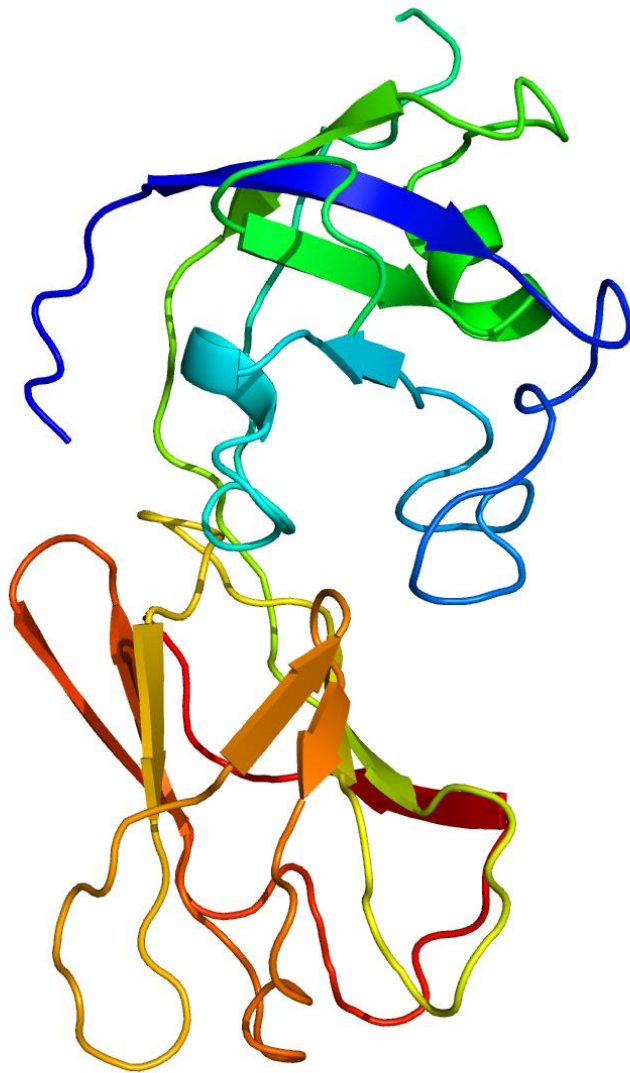
Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA32327

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA32327

Description: TprEXPA-27

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

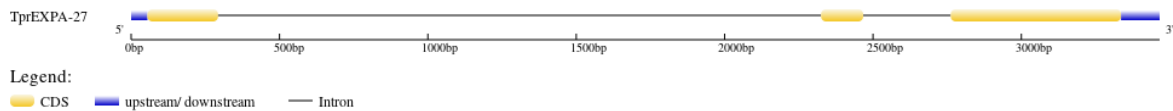
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

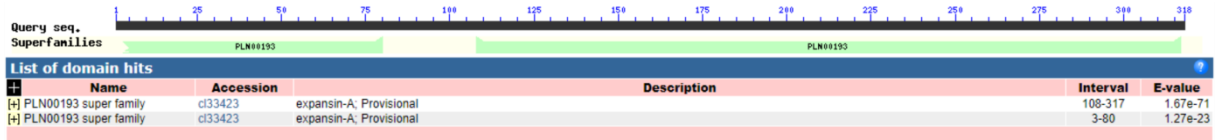
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-27

LFVLVFNVANAGDVSRVSVKGSKTGWIPMKRNFGQKWNTGVNLVVGQALSFQVTTSDGKTLEFYSVSPYNWQFGQTYQSQVMAMSHSFIPLVFFILQLIQAIAGIDLNWYDAHATFYGGPSGAGTMRNYGDLYKQGYGLANTALSTALFNNGATCGACXXXXXXXXXXXXXXXXNFCPPNSAQPACNPPLKHFDLSYKMFTSIAYEKGGIIPVKYRRVSCVKQGGVRFEINGNPNFLVFLVFNVANAGDVSRVSVKGSKTGWIPMKRNFGQKWNTGVNLVVGKALSFQVTTSDGKTLEFYSVSPYNWQFGQTYQSQGNF*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-27

TTGTTTGTGGTGTTCATGTTGCCAATGCTGGTGATGTTTCTCGTGTTAGTGTC
AAAGGGTCTAAGACTGGATGGATTCCCATGAAGCGCAATTTGGACAAAAGTGG
AATACCGGAGTGAATTTGGTAGGACAAGCTTTGTCATTTCAAGTTACTACAAGTG
ATGGAAAACTTTGGAGTTTTATTCAGTTTCTCCTTACAAGTTACTACAAGTG
ACTTATCAGAGCCAGGTCATGGCTATGTCTCACTCTTTCATTCCTCTGGTCTTTTC
ATATTGCAACTTATACAGGCCATAGCTGGCATTGACCTAAATTGGTATGATGCTC
ATGCAACCTTCTACGGTGGTCCTTCAGGAGCTGGAACCATGCGTAATTATGGTGA
TCTGTACAAACAAGGATATGGACTTGCAAACACAGCACTAAGCACAGCTCTATTC
ATAAATGGAGCTACTTGTGGTGCTTGTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNN
NNNNNNNNNNNNNNNNNNCAAATTTTGTCTCCAAATTCGCCCAGCCCGGTGCTT
GTAACCCACCGCTAAAACACTTTGACTTAAGTTATAAAATGTTCACTTCTATTGCC
TACGAAAAGGAGGTATCATACCCGTTAAATATCGACGTGTTTCATGTGTGAAAC
AAGGGGGTGTAGGTTTGGAGATCAACGGAAACCCTAATTTCTTGTGTTCTGGT
GTTCAATGTTGCCAATGCTGGTGATGTTTCTCGTGTTAGTGTCAAAGGGTCTAAGA
CTGGATGGATTCCCATGAAGCGCAATTTGGACAAAAGTGGAATACTGGAGTGA
ATTTGGTAGGAAAAGCTTTGTCATTTCAAGTTACTACAAGTGATGGAAAACTTT
GGAGTTTTATTCAGTTTCTCCTTACAAGTTGGCAATTTGGACAGACTTATCAGAGCC
AGGGTAATTTTAG

Nucleotide

>TprEXPA-27

CGACGTGTTTCATGTGTGAAACAAGGGGGTGTAGGTTTNGAAACCCTAATTC
TTGTTTGTGGTGTCAATGTTGCCAATGCTGGTGTATGTTCTCGTGTAGTGTC
AAAGGGTCTAAGACTGGATGGATTCCCATGAAGCGCAATTTTGGACAAAAGTGG
AATACCGGAGTGAATTTGGTAGGACAAGCTTTGTCATTTCAAGTTACTACAAGTG
ATGGAAAACTTTGGAGTTTTATTAGTTTTCTCCTTACAACCTGGCAATTTGGACAG
ACTTATCAGAGCCAGGGTAATTTTTAGATAAAAATTTAACTCATAAATATATCAAG
TCCCAAATTATTAGGAGAATTGAGTTAAGAGATAATAATTATTGTGAGTATCAT
GTAATTTCAATTCTAGCATTTTGATGACATAAAAGTCTACGGTTTATAATTTTTAA
AATGGTTTTCTTGTACACCTTTTCGTTGTATAATTTATGTTTAAATGATATTTCCAA
ATCCACTTAGAATTCTAGTTTGTTTTTGCCATTTATATATAAAAAAATACTAATTT
GTTTTTTGGTCAAATTTTCAGACTTATATAAATGACATTTTTCACAAGTGAATT
GTATATAGACTTATAAAAAATTACATATTGTGTAATTCTATATACAATTCATTTGT
TAAAAAAGCTATTTAATACATTCAGACAAATTTAGTTATTATATATATACATGT
GAGTGTATGCGCGCGCATATACTTTTTTATGGTATATATATTCATTAATAGTGTAC
GTAATAGAGTATAGTTGTGCGAAATTTGGGGCATTATCTGTTATTAAAGTTTGCAC
GTCAGTGACAGAGTTGTTCAATGAATCAACCTTATTATCTCATTGTTTCTCGTATT
TCATCGCTAACACGTATAAAAACTGTGGAATATGATTCATTTTCTCCTTATCAAGT
TCCGGAGATGAATCCACTCTCATTCAACTCGAACTCCGAATTATCTATAACTTCC
TTCATGGTACATTAATACGGGGAACACACCCTAACCCCGTTAAAACTTTTGCTCC
AAATAAGCCCATACCACTTTCTACATGGATAATTTTTCTAACTTAGAAAATTAAT
ACCTCTCCGAACACCCTTATTTGAACCCACCAAAAAGAATTCATCATCCTCTCCA
ATTTTTCAACGAGGGATGACGGTAGCAAAAATGTGCTCATATAGTAAGTTGGAAT
AGCTTGAGTCACAAATTTACAAACAAATGACAAGTATCACTAAACTCACATAA
CATTTTCACATGCTCCATTAATTTTTCTTTCTATAGGCAAAGTGACAAATACCAC
TGAAACTTGCATACACAATTGCAAAGTTTCGAGTTTGACCTCGGATGAAAGTAGC
ACCGTTTGAAACATTTTTCTGAGATTTTCATATTATAGAAGAAGGAAATATTACAC
TCACAACCCCTGAAATCTATTTAAATGATATCGACAACCTCCCTCTAGTTTTATAAA
CTTACACTAACCTCCCTTTCTCATTAAATGATGTTTCATTTTCTGTTAACTGTTTTCAT
AGTTATTTTTTTATAAGAACTTTTTTCATAGTTGATCGTTGTTAAATGTTGAAC
ATGTCAACGCAATTTACAATCAAATTAGTTTTATCATTAGTATTATGTTGACGACA
ACCAATTTTGTGATTATCGTTTCAAATAAGTTGTTGTTATATGTTTTAGTTATAGTC
AATTAGCTCTATATCGTCTTTATACCAACAAAATGTAACAAAAGAAAGAGAAA
GGGAATTTGGTTGGAGAAAATAAGAGTTGCTGGGACATAAGATGAAATGGTG
ATGATGTCATTTTATAGAATCTTATTGTGGTGTGTTGCCCTTTTTAGGCCTGGTTTG
TTTCAGACTTTCTAGCAAAAAAAAAAATCCTTTTTTTTTATTTTACTTGTGTTTGT
TCAAATTTTTCAAATCATTTTAGTAAAAGAAAATCATTTTTCTACAAAAT
GAAAAGCTATTTCCAATAGCTTTTTCAAATCTATTATTTGAAAATCATTTTCT
GAGAATTTTTCTATATATGCAAATGTTAATTCTTTATGAATTTATCTTCTTTATT
TTTCGGACAATTGACTTTTTATTAGTCTTGAGAGTTGACTATTATTTTAGTAGTCT
CGAGAATTGACTTTATTTCTTTATTTGTCTTGAGAATTGAAATATATCCTTTTATAT
TTATTTGATTTCTTTAAATACCATCATTATTACCCTCTAACATGCAAATATT
CCACAACCTTATTTGTGCTTTTACGTACCTCAGTCATGGCTATGTCTCACTCTTT
CATTCCTCTGGTCTTTTTCATATTGCAACTTATACAGGCCATAGCTGGCATTGACC
TAAATTGGTATGATGCTCATGCAACCTTCTACGGTGGTCTTCAGGAGCTGGAAC
CATGCGTAAGTTCTAAATTTTTACTTTATAACATTTTAGATGATACATATCGTTT
ATACGTAATTTATTCTCTCAACAATAAAGAACAATGAATCTCAATTATTTTGTGTTG
TCTAATATTCTTACCCACATGCAATTATAAATAAAAATCATATTTCAATTTTTTTT

ATATCATATGGTATGCGTTAGATGAAGTTCAGATGACTAATCCTTATTAGTTATTA
TTTATACATGAATGAAGAATAAATGACCAACAAATCGTGCCACTAATCCTTTCTT
GTATTTGTGCATAGGGGGCTTGTAGTTATGGTGATCTGTACAAACAAGGATATGG
ACTTGCAAACACAGCACTAAGCACAGCTCTATTCAATAATGGAGCTACTTGTGGT
GCTTGTTTNNNCAA
TTTTGTCTCCAAATTCCGCCAGCCGGTGCTTGTAACCCACCGCTAAAACACT
TTGACTTAAGTTATAAAATGTTCACTTCTATTGCCTACGAAAAAGGAGGTATCAT
ACCCGTTAAATATCGACGTGTTTCATGTGTGAAACAAGGGGGTGTTAGGTTTGAG
ATCAACGAAACCCTAATTTCTTGTTTGTCTGGTGTTC AATGTTGCCAATGCTGG
TGATGTTTCTCGTGTTAGTGTCAAAGGGTCTAAGACTGGATGGATTCCCATGAAG
CGCAATTTTGGACAAAAGTGAATACTGGAGTGAATTTGGTAGGAAAAGCTTTGT
CATTTC AAGTTACTACAAGTGATGGAAAACTTTGGAGTTTTATT CAGTTTCTCCT
TACA ACTGGCAATTTGGACAGACTTATCAGAGCCAGGGTAATTTTTAGATAAAAT
TTAACTCATAAATATATCAAGTCACAAAATTATTAGGAGAATTGAGTTAAGAGAT
AATAATTATTGTGAGTATCGTGTAATTTCAATTCTAGCATTTTGATGAAATAAAAG
TCTACGATTTAT