

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

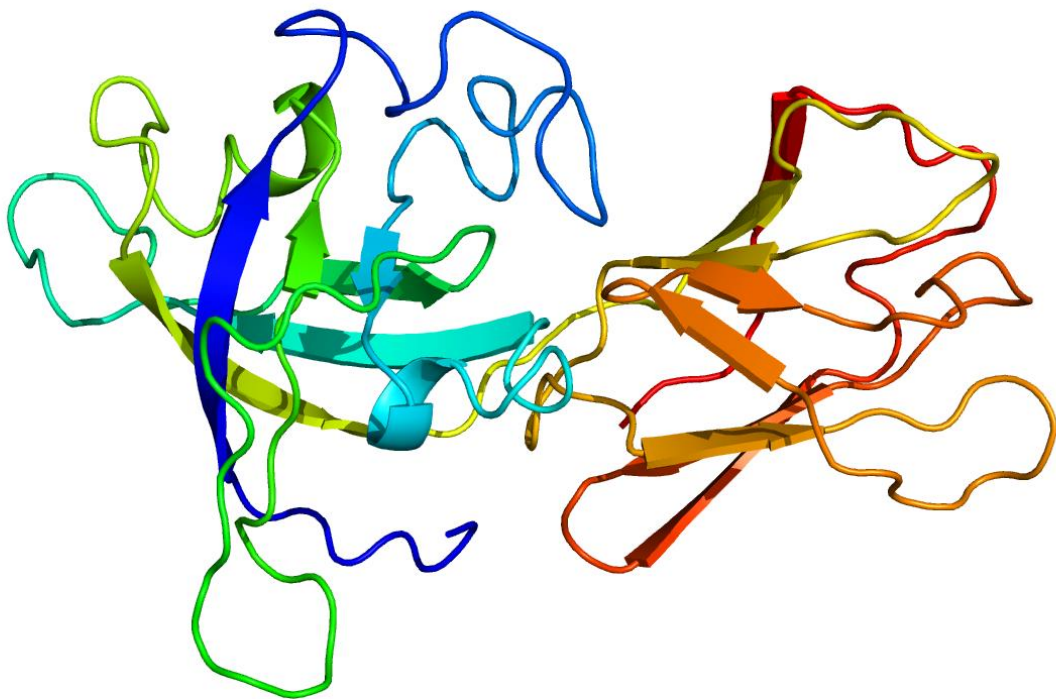
Locus: Ca_15754

Gene Model: Ca_15754

Description: CarEXPA-17

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

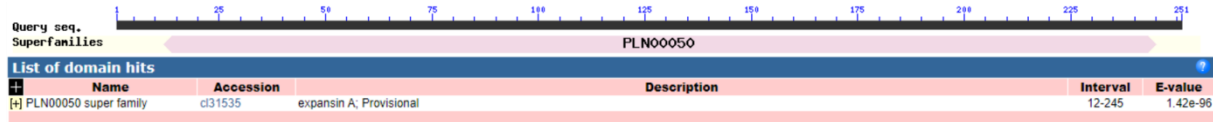
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-17

MSHSLPLAFFVILLVQVVVAVDPNWYDARATFYGDEGGAETMQGACGYGDLFKQ
GYGLATTALSTALFHNGATCGACFEIICVNDPQWCIEGAGSIIIVTATNFCPPNYTKPKE
IWCNPPQKHFDLSYKMFTTIKYEAGVIPVKYRRVPCIKSGGVRFELNGNPYFVIVLV
YNVANAGDVTRMSVKGSNWIPMSRNWQNWNLGNSNLVGQALSFVVTSDGKA
LEFSSVAPSNWQFGQTYEGNGNFL*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-17

ATGTCTCATTCTTTGCTTCCTTTAGCCTTTTTTTGTGATCCTACTCGTACAGGTCGTG
GTTGCCGTTGACCCAAATTGGTATGATGCTCGTGCAACCTTCTATGGTGACGAGG
GAGGTGCTGAAACCATGCAGGGGGCTTGTGGTTATGGTGATCTATTCAAACAAGG
ATATGGACTTGCAACTACAGCACTAAGCACAGCTCTATTCCATAATGGAGCTACT
TGTGGTGCATGTTTTGAGATCATATGCGTCAATGATCCACAATGGTGCATAGAGG
GTGCAGGCTCAATCATAGTAACCGCAACAAATTTTTGTCTCCAAATTACACCAA
GCCTAAAGAAATTTGGTGTAATCCTCCACAAAACACTTTGACTTATCATACAAA
ATGTTTACCACTATTGCAAAATATGAAGCTGGTGTTCATCCCCGTTAAATATAGAC
GTGTTCCATGCATCAAAAGTGGGGGGGTTAGATTTGAGCTAAATGGAAACCCTTA
TTTTGTAATTGTTTTAGTGTATAATGTTGCTAATGCTGGTGATGTTACTCGTATGA
GTGTTAAAGGTTCTAACACTGGATGGATTCCCATGTCACGCAATTGGGGACAAA
TTGGAACCTTGGAAAGTAATTTGGTTGGACAAGCATTGTCATTTTGGGTTACTACA
AGTGATGAAAAGCTTTGGAGTTTAGTTCGGTTGCTCCTTCCAATTGGCAATTTGG
TCAAACCTATGAGGGCAATGGAAATTTTTTATGA

Nucleotide

>CarEXPA-17

ATGTCTCATTCTTTGCTTCCTTTAGCCTTTTTTTGTGATCCTACTCGTACAGGTCGTG
GTTGCCGTTGACCCAAATTGGTATGATGCTCGTGCAACCTTCTATGGTGACGAGG
GAGGTGCTGAAACCATGCGTAAGTCATCATAAAATTACACTCCCTTTTTCTTTCTT
TAAATAACATTTTATCATTACCAACCCCAATTAACAAAACATAGTATAAAATGA
AAATCCTCTTATCTTTCGCAAGTTATTTTTCGTGATTGATTTTATGGGCTATTTGGA
TTCTCAACAATAAACAACCGTAAATATTAGTTATTAATAAAAATCAGACGACTT

ATATTTAAAAATATATATTTAAAATTGATATATTAGTAATATCAATATAAAAAGTCG
TCTATTCTTCGTCCAAACATTGAGATCACCATGTGTATGACTGTCACCCTTTTTGA
AAAATTTGTGCCTCAAACACGATTATTATCGAGAAAAAAAATATTATTTAATTAT
TTACTTTTTTTATTTGATATATAACATGGAGACTCCTTTTATCAAAAAAATGTGG
ACTTTTATGGTCCCAGTCCAAAAAATAAGGGACCGTCCCATTTTTTATATTTTGTG
TTAAGTGAAATTAATTAATTTTTTGTGAAAATTTATATATTTATTTAAATAGTAT
TTAAGATGTTAATTAATAAATTCTTAATCAATTTATTTTTTCATATTTACAATTTATGT
CTAATTTCAATGTATTTATAATGTTAACAGTAAATTCAAAAAGTATTTAAAAGTA
ATTTAAGTAGCCACAAAAGTTTTTTAGTATTCAATCTTTTGTTCCTTAAAAAAA
AAAAGTTTTTTGCTATTACTTCAAATAAAAATAACTAGACCGTTCTGTATATTTTGG
ACCGGAACCATAGAACTTGTCATATAAGATATAGTTTATTTGTATTCAGAGGGGG
CTTGTGGTTATGGTGATCTATTCAAACAAGGATATGGACTTGCAACTACAGCACT
AAGCACAGCTCTATTCCATAATGGAGCTACTTGTGGTGCATGTTTTGAGATCATAT
GCGTCAATGATCCACAATGGTGCATAGAGGGTGCAGGCTCAATCATAGTAACCGC
AACAAATTTTTGTCCTCCAAATTACACCAAGCCTAAAGAAATTTGGTGTAAATCCT
CCACAAAAACACTTTGACTTATCATACAAAATGTTTACCACTATTGCAAAATATG
AAGCTGGTGTGCATCCCCGTTAAATATAGACGTGTTCCATGCATCAAAGTGGGGG
GGTTAGATTTGAGCTAAATGGAAACCCTTATTTTGTAAATTGTTTTAGTGTATAATG
TTGCTAATGCTGGTGTGTTACTCGTATGAGTGTTAAAGGTTCTAACACTGGATG
GATTCCCATGTCACGCAATTGGGGACAAAATTGGAACCTTGGAAGTAATTTGGTT
GGACAAGCATTGTCATTTTGGGTTACTACAAGTGATGGAAAAGCTTTGGAGTTTA
GTTTCGGTTGCTCCTTCCAATTGGCAATTTGGTCAAACCTATGAGGGCAATGGAAA
TTTTTTATGA