

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

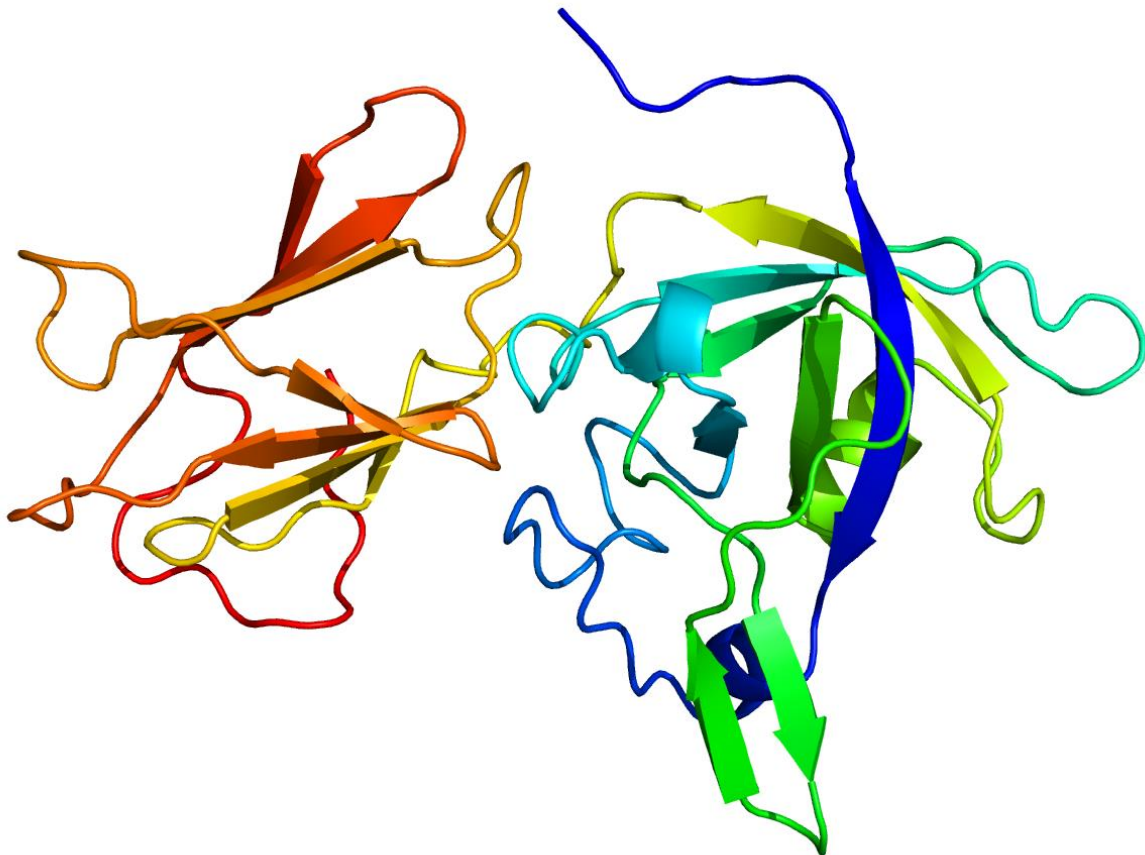
Locus: Oeu027747

Gene Model: Oeu027747.1

Description: OeuEXPA-02

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

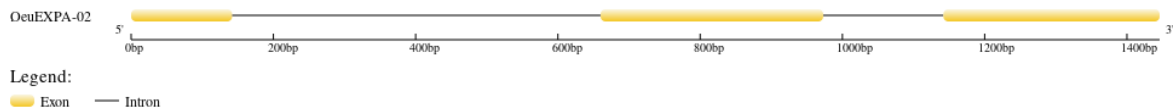
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

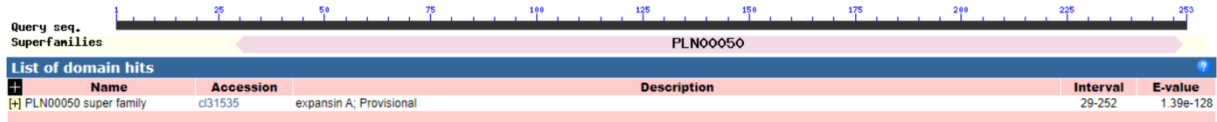
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPA-02

MAFPAVSMVSLVFFFFNFCFQGVFGDYGGWQSAHATFYGGGDASGTMGGACGYGN
LYSQGYGTNTAALSTALFNNGLTGACYEELTCNSDPKWCLSGTITVTATNFCPPNP
PNDNGGWCNPPRQHFDLAQPAFLQIAQYRAGIVPISFRRVPCVKKGGIRFTINGHSYF
NLVLITNVGGAGDVHSVSIKCSRTGWQQMSRNWQNWQSN TYLNGQSLSFQVTTS
DGR TITSNNVVPAGWQFGQTFQGGQF*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPA-02

ATGGCTTTCCTGCAGTATCCATGGTTTCTCTTGTATTTTTCTTTTTCAACTTTTGC
TTTCAAGGAGTGTTTGGTGATTACGGAGGATGGCAGAGTGCTCATGCTACCTTCT
ATGGCGGAGGGGATGCGTCCGGCACAATGGGGGGTGCTTGTGGGTATGGCAACT
TGTACAGCCAAGGTTATGGTACAAACACTGCAGCATTAAAGTACTGCTCTATTCAA
CAATGGGTAAACATGTGGTGCGTGCTACGAGCTAACTTGCAATAGTGACCCCAA
TGGTGCCCTCTCGGGGACCATAACAGTCACGGCAACAAATTTTTGCCCTCCTAAC
CATCTCTGCCAAATGACAATGGTGGATGGTGCAATCCGCCCCGACAACACTTCGA
TTTGGCCCAGCCGGCTTTCTTGCAAATTGCTCAATATCGTGCTGGAATTGTGCCAA
TTTCTTTCCGAAGGGTGCCATGCGTAAAGAAGGGGGGAATAAGGTTTACAATAA
ACGGTCACTCCTACTTCAACCTTGTGTTGATCACCAATGTTGGTGGTGCCGGTGAC
GTCCATTCAGTGTCTATTAAGTGTTC AAGAACAGGATGGCAACAAATGTCGAGAA
ATTGGGGCCAAA ACTGGCAGAGCAACACCTATCTCAATGGTCAAAGCCTCTCATT
TCAAGTCACCACTAGTGATGGAAGAACAATTACTAGTAACAACGTTGTCCAGCT
GGTTGGCAATTTCGGACAAACATTCCAAGGAGGACAATTTTAG

Nucleotide

>OeuEXPA-02

ATGGCTTTCCTGCAGTATCCATGGTTTCTCTTGTATTTTTCTTTTTCAACTTTTGC
TTTCAAGGAGTGTTTGGTGATTACGGAGGATGGCAGAGTGCTCATGCTACCTTCT
ATGGCGGAGGGGATGCGTCCGGCACAATGGGTATGTTTGTTCGCATGTGTGCTCG
ATAATGCTTGGTACATTCAACTAGACATTATATATGGACCTTTTTTTTATGGGATT
AGGATTAGATTTTTATTAAATTTTGAGAAAACGTTACGAAATGTGTGATTGAAA
GTTGTGGATCCATAATAAAATATATGTTTAAAATTAATTCTTAATTTTACTTAG

ATTAAAATTTAAATTTTGAACCCCTATCATATAGGGGCACGATAGTAAAATTGAT
CACCGGTTCTATTCAATGATGTGTAATAAATATGCACTGGTATGATTATTGACATT
ATTTAAAATTTGAGTTTCATCTTAAAAAATCAACATTGTTAACAAAAGTATTCCA
AACCTATATATTTGTTAGTATTTTTATACTTAATCGATGTGATTTTTACCTTAACA
TGTATTAAATTCTAACAAATACGAGTTATAGTAATATTTTCAACAAATTTAGAGTC
GGGGCAAGTCTTACAGAATTATGCTAAAAAATGATGTGCATATACAGGGGGTGCT
TGTGGGTATGGCAACTTGTACAGCCAAGGTTATGGTACAAACACTGCAGCATTAA
GTACTGCTCTATTCAACAATGGGTAAACATGTGGTGCGTGCTACGAGCTAACTTG
CAATAGTGACCCCAAATGGTGCCTCTCGGGGACCATAACAGTCACGGCAACAAA
TTTTTGCCCTCCTAACCCATCTCTGCCAAATGACAATGGTGGATGGTGCAATCCGC
CCCGACAACACTTCGATTTGGCCCAGCCGGCTTTCTTGCAAATTGCTCAATATCGT
GCTGGAATTGTGCCAATTTCTTTCCGAAGGTTAGA ACTTTAAGCACTTATTCTTCC
TATCCAAAAAATTATGGTTATGAGGACATATTTGAAGAGATTATAATATTTTTAC
ACTTTATTTTAAGACCTTACCATCCACTATTGCCTTGGTCAAGCTTTGAAGATTC
TTGCTAAAAGATTGTTTGGTGGTATTTATAGGGTGCCATGCGTAAAGAAGGGGGG
AATAAGGTTCAATAAACGGTCACTCCTACTTCAACCTTGTGTTGATCACCAAT
GTTGGTGGTGCCGGTGACGTCCATTCAGTGTCTATTAAGTGTTCAAGAACAGGAT
GGCAACAAATGTCGAGAAATTGGGGCCAAAACCTGGCAGAGCAACACCTATCTCA
ATGGTCAAAGCCTCTCATTTC AAGTCACCACTAGTGATGGAAGAACAATTACTAG
TAACAACGTTGTCCCAGCTGGTTGGCAATTCGGACAAACATTCCAAGGAGGACAA
TTTTAG