

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

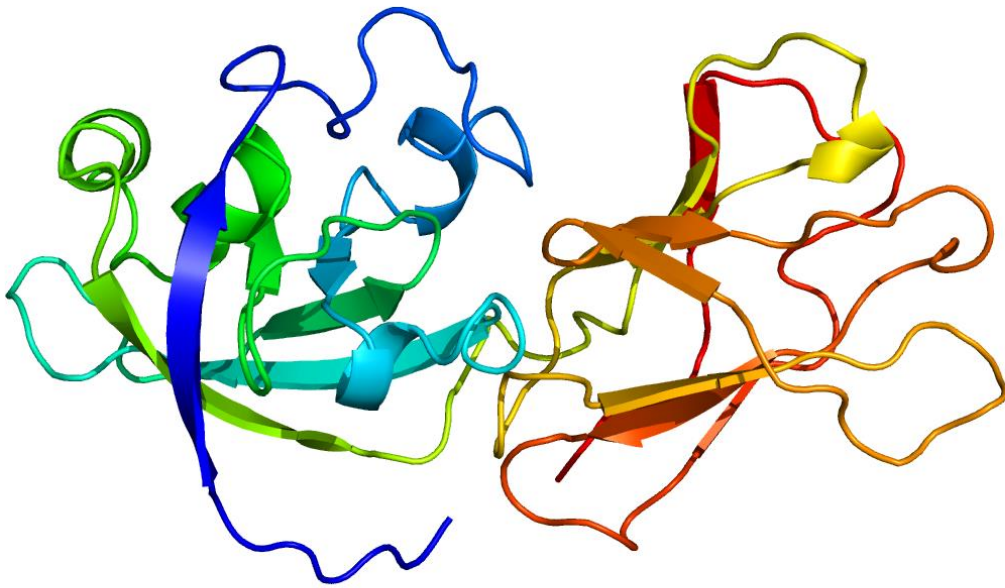
Locus: CsGy3G044780

Gene Model: CsGy3G044780.1

Description: CsEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

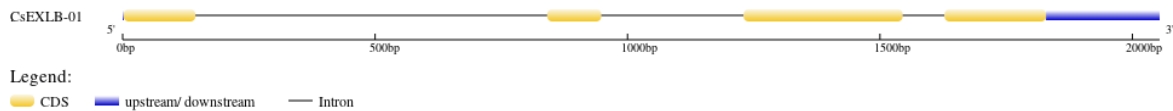
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

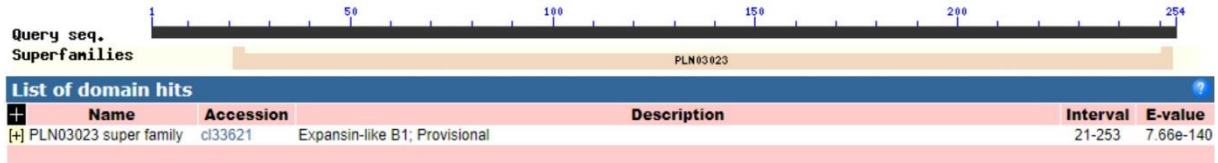
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXLB-01

MEGSTKCGFLGYLFLLLVLLPVMCYSQDNFVYSRATYYGSPDCYGTSPGACGFGEFG
RTVNDGNVAAVSYLYRNGSGCGACYQVRCTNPKYCSGSGAIVVVDHGEVDYTDIFI
LSPRAYAKMAHPNTALQLFSYGVDVEFRRVSCQYPYYSTLKFVHEHSRFPDYLAI
LIYVAGKNDITAVELWQEDCKEKWGMRRSHGAVWDMANPPKDNIKLRFQVSGSM
GYGNWVANNALPNYWKPGVAYDTDINLY

CDS (coding sequence)

>CsEXLB-01

ATGGAGGGTTCAACTAAATGTGGGTTTTTGGGGTACCTATTCTTATTGCTTGTGCT
CTTGCCTGTGATGTGCTATTCTCAAGACAATTTGTTTACTCTAGAGCCACCTATT
ATGGCAGCCCTGATTGCTATGGAACACCATCTGGGGCTTGTGGATTTGGTGAATT
TGGAAGGACAGTGAATGATGGCAACGTTGCTGCAGTTTCATATCTTTATAGGAAT
GGTTCTGGTTGTGGTGCATGTTATCAGGTTAGGTGCACAAATCCAAAATATTGTA
GTGGAAGTGGAGCAATTGTGGTGGTGACAGACCATGGTGAAGGGGATTACACTG
ACTTTATATTAAGCCAAGAGCCTATGCAAAAATGGCTCATCCAAACACAGCCTT
GCAGTTATTTTCATATGGTGTGTTGATGTTGAATTCAGAAGGGTTTCTTGCCAAT
ACCCATATTACAGTACTCTCAAATTTAAGGTTTCATGAACATAGCAGATTCCCTGA
TTATTTGGCCATTCTTATCATTATGTTGCTGGCAAAAATGACATCACTGCTGTTG
AACTGTGGCAGGAGGACTGCAAAGAATGGAAAGGAATGAGGAGATCCCATGGA
GCTGTTTGGGATATGGCAAATCCTCCTAAAGATAACATAAAACTGAGGTTTCAAG
TGAGTGGAAAGTATGGGATATGGAAATTGGGTTGTGGCAAACAATGCTCTCCCAA
TTATTGGAAGCCAGGAGTTGCTTATGACACTGATATTAACCTCTATTAA

Nucleotide

>CsEXLB-01

TAATGGAGGGTTCAACTAAATGTGGGTTTTTGGGGTACCTATTCTTATTGCTTGTG
CTCTTGCCTGTGATGTGCTATTCTCAAGACAATTTGTTTACTCTAGAGCCACCTA
TTATGGCAGCCCTGATTGCTATGGAACACCATGTATGCCATTTCAATTTCTGTTTT
CTTTTTCTATATTTTCTTCTTTCTTTTTTTGTTTAAATTACCAATTTTGGTTTTGTTA
GGAATCTAATCTTTATAATTTTCAAATTAGAATGCAGTGGATGTTTGTGTTGATGA

AATATACCTCATATAAATAGTCTCTATATATACTATGATCAAACCTATTTCTCATAA
ATAGTTCTTAATATAGATTTTATTTACTACTTACTTCTTACCTTAAAAGTGTGACA
CTGAGGTCCTACTTGTTTGATTATATTTTGGTTTCAGTTTTGATTTGACTTCAAGTT
TTGTAATACTATTTATACTTTGAACCGTGTGATGCTTATAAGATTAATCTTTGACT
AAATAGTAATCCAACAGAATTTAATTAATTTTCATTTGACTATATTAAGATAAG
TCAGGAGGAACCTTTCTAAAAGTTTTCTCAATACTGTTAAAATTACCCTTTTTCAAG
ATTTTTCTTAGATATTTTAAAAACACTTAAAAGCAAAGCTTTAAAAGTACTCCGCT
ATTGTTTTTTTTCAAAAGTCTTTCATAGAGAAATTGCTAAAAACATCACCACACTTT
TTTTTTAATATTCACTACTAGAACTTGATCATGTATCTTGATCAGGCAATATTTTT
CTATAAAGTAAAATTTTAAAGTACTCTGATGGTTACGTTATTGTATATTTATCAGCT
GGGGCTTGTGGATTTGGTGAATTTGGAAGGACAGTGAATGATGGCAACGTTGCTG
CAGTTTCATATCTTTATAGGAATGGTTCGTTGTGGTGCATGTTATCAGGTATAT
TTTCATTTGAAATTAATTACTTTTTAACATATATTTATTGAATATCATATTCAAAAT
ATACATATTTATAAAAAATATAAATACTAGTGAATATAAGTCTTTATATAAGGCTTC
AATTTATTTAAATGATTTGTAAAGTTAAACGCTTACTGATCATCTTTAAAATAAT
TTACATCCAAATTATTAATAATCTTGGTGTGTGAATTGTGATGGTATATATATTTTA
TTATTGTCCACTTGCTAATAATTAAGTATTATAAATAAATATATGAACGCAGGTTA
GGTGCACAAATCCAAAATATTGTAGTGGAAAGTGGAGCAATTGTGGTGGTGACAG
ACCATGGTGAAGGGGATTACACTGACTTTATATTAAGCCCAAGAGCCTATGCAAA
AATGGCTCATCCAAACACAGCCTTGCAGTTATTTTCATATGGTGTGTTGATGTTG
AATTCAGAAGGGTTTCTTGCCAATACCCATATTACAGTACTCTCAAATTTAAGGTT
CATGAACATAGCAGATTCCCTGATTATTTGGCCATTCTTATCATTTATGTTGCTGG
CAAAAATGACATCACTGCTGTTGAACTGTGGCAGGTAATTATTAATTAATTAGAC
ACACATATATACTTATTGATCAGCTGCTAATTGTTATTATATAAAATAATATGG
CTGCAGGAGGACTGCAAAGAATGGAAAGGAATGAGGAGATCCCATGGAGCTGTT
TGGGATATGGCAAATCCTCCTAAAGATAACATAAAACTGAGGTTTCAAGTGAGTG
GAAGTATGGGATATGGAAATTGGGTTGTGGCAAACAATGCTCTCCCAAATTATTG
GAAGCCAGGAGTTGCTTATGACACTGATATTAACCTCTATTAATGCAAATCAAAC
TGTAGCAGGAGTTGATCATCAAATTATTATTTAGCATTATATATAAGTTGTTTTTA
TAGATATATGTGGTGATTTTGGCTTTTGGTTTTTATTTAGGGTGAATATTTTAGAA
GTTGCTATGTTTGTGTGATGGGCAATGATGTGATTTGTGTACTTTTGGGAATTAT
GGTATGTGATGGAAAAGAAATATGGAATAAAAAAGTTCAACTTTT