

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana sylvestris*

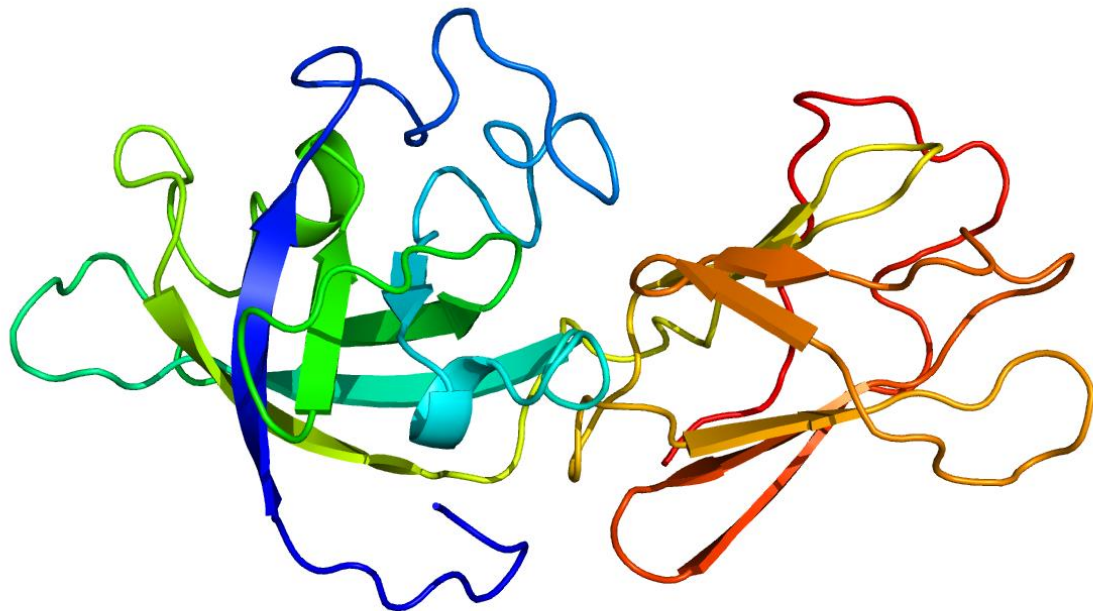
Locus: XP_009789307

Gene Model: XP_009789307.1

Description: NsEXPA-26

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

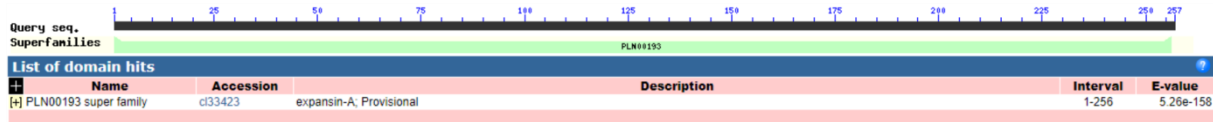
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-26

MAKCDILALGFIIGFFSLFFNANAFTASGWMRAHATFYGGADASGTMGGACGYGNL
YSTGYGTRSAALSTALFNSSGGSCGQCYKIICDFYAEPRWCKKGVSVTITATNFCPPNY
ALPSDNGGWCNPPRQHFDMAQPAWEKIGVYRGGIIPVFYQRPVCKKRGGVRFITNGR
DYFELVLVSNVGGAGSVRSVQIKGSRTNWMTMSNNWGANFQSNTYLNQSLSFRV
TTPDGVTKTFLNIVPANWRFGQTFSSPTQFS

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-26

TCAATCTTATTTCTATTTCTGTTACTTTGCATATACAAAGGAAATGGCCAAATGTG
ACATTCTTGCACTGGGTTTTATAATCGGTTTCTTTAGCCTTTTCTTCAATGCAAATG
CTTTCACAGCTTCTGGATGGATGAGAGCTCATGCCACCTTTTATGGTGGGGCTGAT
GCTTCTGGCACAATGGGGGGTGCTTGTGGATACGGCAACTTGTACTCGACAGGGT
ATGGAACAAGAAGTGCTGCATTGAGCACTGCCTGTTCAACAGTGGAGGATCTTG
TGGGCAATGCTACAAGATCATCTGTGATTTCTATGCAGAACCGCGATGGTGCAAG
AAAGGAGTATCTGTTACCATCACTGCTACGAACCTTTTGTCCACCAAATTATGCACT
TCCTAGCGACAATGGAGGCTGGTGTAAACCCTCCTCGACAACATTTTCGATATGGCT
CAACCTGCTTGGGAAAAGATTGGCGTTTATAGAGGTGGCATTATTCTGTATTCT
ACCAAAGGGTTCATGCAAGAAACGTGGTGGAGTTAGATTCACAATCAATGGAA
GGGACTATTTTGAGCTAGTATTGGTAAGCAATGTAGGAGGGGCTGGATCAGTTCG
ATCTGTTCAAATCAAAGGCTCAAGAAACAATTGGATGACAATGTCTAACAACCTGG
GGAGCCAATTTTCAATCCAACACTTATCTTAATGGACAATCACTTTCCTTCAGGGT
TACTACACCAGATGGTGTCAAAAAACATTCTTAAACATTGTCCCAGCCAATTGG
CGATTCGGGCAGACATTCTCAAGTCCTACTCAGTTCTCGTAAAGAAAAGGACTTT
AGAGTTCTTGGATTCATAGGCAGTGGTGTGCTTACATTTTAAACGAAAGCATCCCT
ACCCTGACCTTTGCTTTTCTTTTTTTGTTTTCTGGAGTCTTGATTATTGAGGATTC
TCCCTCGAGGAGGTCTGCGTACCCACTACCCTCCCAGACTCCACTTATGTAATCA
CACTGGGTTGTTGTTGTTGATTTTTGAGGAGCTAGAGGTAAATAAGCCCATGAAC
TCTAGTCCAAAGTTGGTGTGATAAAGTTGTTGAAATACTTATTCTTTGTTTGTAGA
CTGGTATTTCTCTGTAGTAGAAGATTAATAAGACATTTTGCCTCAGCTGCAATCTT
GAAGCTGAATACATGTGCTTTATATTTGTAACCTTTTCAATATGATAATTTTCATGT
TA

Nucleotide

>NsEXPA-26

TTAGGTACAAAGTCATATCGGATATAGAAAAGAATGAGCACATAGTATAAGGTA
CAAGAATTGCATATTATTGGACTTGGAAGATCAAGTTAAAAAGAATATATTCACC
AACATGCATGTGCTAATACATGAAAATGATGGAACATAAGAATGTAAAGTCAA
GCAAAGGCATGTGAATTTGCATACAAATTCAAGGCAATATATATTTTATGTCGCA
AGTGAGCTAGTCTTTTGTTCATAAATAGAACTGATTAATTCACGGCTTATCTGTT
GGGAAAACAGTGTGGACTTTGAGGGAAAGGTAACGAACGTGGGAATAATTGATT
TAATTCTGCAGAGAGAATTCATTTTCAATATAAAATATTTTTTTATCCTAGCCCCT
CACCCCCACTTGCAGTGATTGGGCATGTGAGGTGGTTGCATTAAACAAACTGAGC
ACCTATTTAAGTAGCAGCTACTTTTCTTGGTAAACCCATTCATACATTTAATTCCA
TTTCTCAATCTTATTTCTATTTCTGTTACTTTGCATATACAAAGGAAATGGCCAA
ATGTGACATTCTTGCCTGGGTTTTATAATCGGTTTCTTTAGCCTTTTCTTCAATGC
AAATGCTTTCACAGCTTCTGGATGGATGAGAGCTCATGCCACCTTTTATGGTGGG
GCTGATGCTTCTGGCACAATGGGTAAGTACCAATATTTTCCAACTACTCTACCT
TACCATATTATATCAACTATTTACGTATAACCTCAAACACTAGTTCAGGTGCGACTATA
TGAATATAGTTTGACTATTTTTGTGTAACGTGCGACAGGGGGTGCTTGTGGATAC
GGCAACTTGTACTCGACAGGGTATGGAACAAGAAGTGCTGCATTGAGCACTGCA
CTGTTCAACAGTGGAGGATCTTGTGGGCAATGCTACAAGATCATCTGTGATTTCT
ATGCAGAACC GCGATGGTGCAAGAAAGGAGTATCTGTTACCATCACTGCTACGA
ACTTTTGTCCACCAAATTATGCACTTCCTAGCGACAATGGAGGCTGGTGTAAACCC
TCCTCGACAACATTTGATATGGCTCAACCTGCTTGGGAAAAGATTGGCGTTTAT
AGAGGTGGCATTATTCCTGTATTCTACCAAAGGTAGACTAATATCTTCTTAAAGA
AAATAGTTTTGCTTGATTCAAGATTCTTGCCTCGAATAATATCACTCAATTTACAG
GGTTCAACCAGCAATAGTAGTACTTAAAAGTGACTTTAACTTCTATACACTCACA
TTGTATAAAAGTTTTTAAATGATACTCCACCTTAGCGATCTGGAAAATAAGATAG
GTTATCTACTATAACATGTTAAAATACTGATAGCGTAAAAGTTCTTTTCCAGTGCG
TCTGTATATAAGCTAAATCCTATAAAAAACATGTGCACTTGCTCATTCAATGACTT
AAATAAATTACTTATTATAGCTCAACTATGAATAAGATTCTTGGCAGTTAATACT
AACTTTTTAGGCAAGTAAATCTGACAAAGTAGGTGTTTATTTTTTTATTTTTTTGG
TGCAGGGTTCCATGCAAGAAACGTGGTGGAGTTAGATTCACAATCAATGGAAGG
GACTATTTTGAGCTAGTATTGGTAAGCAATGTAGGAGGGGCTGGATCAGTTCGAT
CTGTTCAAATCAAAGGCTCAAGAACAAATTGGATGACAATGTCTAACAACCTGGG
GAGCCAATTTTCAATCCAACACTTATCTTAATGGACAATCACTTTTCTTCAGGGTT
ACTACACCAGATGGTGTCACAAAAACATTCTTAAACATTGTCCCAGCCAATTGGC
GATTCGGGCAGACATTCTCAAGTCCTACTCAGTTCTCGTAAAGAAAAGGACTTTA
GAGTTCTTGGATTCATAGGCAGTGGTGTGCTTACATTTTAACGAAAGCATCCCTA
CCCTGACCTTTGCTTTTCTTTTTTTGTTTTCTGGAGTCTTGATTATTGAGGATTTCT
CCCTCGAGGAGGTCTGCGTACCCACTACCCTCCCAGACTCCACTTATGTAATCA
CACTGGGTTGTTGTTGTTGATTTTTGAGGAGCTAGAGGTAAATAAGCCCATGAAC
TCTAGTCCAAAGTTGGTGTGATAAAGTTGTTGAAATACTTATTCTTTGTTTTGTAGA
CTGGTATTTCTCTGTAGTAGAAGATTAATAAGACATTTTGCCTCAGCTGCAATCTT
GAAGCTGAATACATGTGCTTTATATTTGTAACCTTTTCAATATGATAATTTTCATGT
TATACATATTGTACCAATTGCCCTACTGTATTTTCTGCTATGTATAGCAGTAGTAG
TACGTGTGAACTAGCTCTGGTTTCCCATATTTGTATATTATACATCCTGTACTAAG
TGTCCTCTTTTGGGTGCTTAAGTATTTGTACAGGCTTGTTC AATTGGTAAAACAC

TTCTGCCCAACAACCGTTAGGTCCTAGGTTTCGAGTTCCCCTGGAAGAGAAGTGTGG
AAACACTATAGATAGATCCGTCAAAGGGGCTTAACCTGTGAGGCCAGTCCAAC
CCAGCCCGTTACTTGGATAGGGTTGGACTAGGATTTTTTGAGCCATTTAAACT
GAGGCTTATAAGCCTTGCCCAAGTCAGCCCGCTGGCCCTTGAGGCTTGACCGAGG
CTAGGCCTAGGCCAGGCCGTGGGCTAAAAATTAACAAATTAATTAATTATAAT
ATTAATATTTTAAAAAGTAAAACTAATAAAAACTATTAACTATGATTCCCATT
CCCCA