

IDENTIFICATION

Species: *Trifolium pratense*

Locus: Tp57577_TGAC_v2_mRNA27602

Gene Model: Tp57577_TGAC_v2_mRNA27602

Description: TprEXPA-24

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

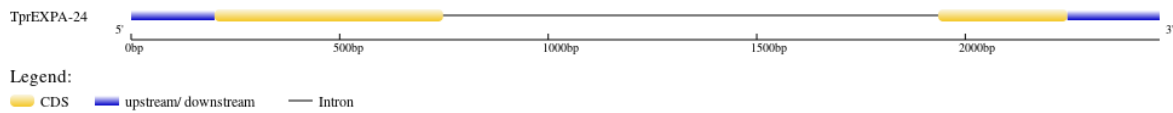
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2

KEGG:-

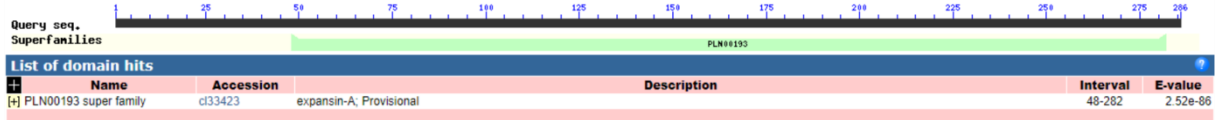
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>TprEXPA-24

MSQRVLISISYIITLQLTSSSTTSHYSSPSPPATPFSESSPEPPSSTVSDWLSAHATYYSA
TDDTRDAVDGACGYGDTHRDGYGITASAALSETLFVRGQICGACFELRCLEEDVFPD
RRWCVSGKSIVVTATNFCAPNYGFDAESEGGHCNPPKQHFVLPVEAFEKIAIWKGGN
MPVKYRRIKCIREGGMRFTITGSGIFNSVLISNVGGIGDIVGVKVKGSRTGWISMGRN
WGQNWVHVNALLQNQPLSFEVTSSDGVTTITSYNAVKNWSFGQTFEGKQFES*

CDS (coding sequence)

>TprEXPA-24

ATGTCACAGCGTGTGTTAATCTCAATCTCAATTTACATTATTACCCTCCAATAAC
TTCATCATCTACTACTTCACATTACTCTTCTCCATCACCACCAGCCACACCATTCT
CCGAATCTTCCCCGAACCTCCCTCCTCCACTGTCTCCGATTGGCTCTCCGCTCAC
GCCACATACTACTCCGCCACCGATGACACCAGAGACGCAGTAGACGGAGCGTGT
GGCTACGGAGACACTCACAGAGACGGTTACGGTATAACGGCATCAGCTGCTCTG
AGTGAAACTCTATTCGTGCGTGGTCAGATCTGTGGTGCGTGCTTTGAGCTTCGATG
TCTTGAGGAGGATGTTCCTTTTGATCGTCGGTGGTGTGTCTCCGGTAAGTCGATTG
TTGTGACTGCTACTAATTTCTGTGCTCCGAATTATGGTTTTGATGCGGAGAGTGAA
GGTGGACATTGTAATCCTCCTAACAGCATTGTTGTGCTTCCGGTTGAAGCTTTTGA
GAAGATTGCCATTTGGAAAGGGGTAATATGCCGGTGAAGTATCGCAGGATAAA
GTGCATAAGGGAAGGTGGAATGCGGTTTACGATTACTGGTTCCGGCATCTTCAAT
TCAGTGCTGATCAGTAATGTGGGTGGCATAGGAGACATTGTTGGTGTCAAAGTTA
AAGTTCAAGAAGTGGTTGGATTTCTATGGGTCGGAATTGGGGTCAAAGTGGCA
TGTAATGCTTTGCTACAAAACCAACCTCTTTCATTTGAGGTCAGTAGTAGTGATG
GGGTAACCATTACATCTTACAATGTAGCTCCCAAGAATTGGAGCTTTGGACAAAC
CTTTGAAGGCAAGCAATTTGAGTCTTAG

Nucleotide

>TprEXPA-24

TAGTAAAAAACAATAACATTTTTCTTCTAGTAAATTGCAGTACACAGTGACACA
AGTGTCAGTACTCAATAACTCAAGTAATAAAAAATTGAACAAAGGTTTGAAAAA
TGTGATGAAGCTATGAACAAACAAGTTCTTCTATCTACTGCTCATTCTTCACTCTC
AAATTCTAACCTCTATAACTAAAAACAAACACAAATGTCACAGCGTGTGTTAAT

CTCAATCTCAATTTACATTATTACCCTCCAACCTTCATCATCTACTACTTCAC
ATTACTCTTCTCCATCACCACCAGCCACACCATTCTCCGAATCTTCCCCCGAACCT
CCCTCCTCCACTGTCTCCGATTGGCTCTCCGCTCACGCCACATACTACTCCGCCAC
CGATGACACCAGAGACGCAGTAGACGGAGCGTGTGGCTACGGAGACACTCACAG
AGACGGTTACGGTATAACGGCATCAGCTGCTCTGAGTGAACTCTATTCGTGCGT
GGTCAGATCTGTGGTGCCTTTGAGCTTCGATGTCTTGAGGAGGATGTTCCCTTT
TGATCGTCGGTGGTGTGTCTCCGGTAAGTCGATTGTTGTGACTGCTACTAATTTCT
GTGCTCCGAATTATGGTTTTGATGCGGAGAGTGAAGGTGGACATTGTAATCCTCC
TAAACAGCATTTTGTGCTTCCGGTTGAAGCTTTTGAGAAGATTGCCATTTGGAAA
GGGGTAATATGCCGGTGAAGTATCGCAGGTACAATGCTCATTCTTTCTAAAT
TTTGAATATTATGGATGAATGAATGAATGTGTGACAACCTATTAACCTTGATTACC
ATGTTTATTANNN
NN
NN
NN
NN
NNNA
GATTGCTATTTGGAAAGGGGGTAATATGCCGGTGAAGTATCGCAGGTACAATGCT
CATTCTTTCTAAATTTTGAATATTTTATGAATGAATGAATGTGTGACAACCTATT
AACTTGATTACCATGTTTATTAAGTGCATCCCGTGCGATGACTAGCTCAACTGAT
TGAACATAAAGTTAACGGTTAAAAGAGTTGGGGTAAGCTTCATCATAGGTTAC
CATTTGGGAGACCAATTTAAATAATCAATGATTAATAAATCAATATGATAGT
ACCCAAAATGATCACTATGAAACCAACGGATACATTTTTTCATTAAAAGGAAAGC
TGCCCTACCAAAGTATGAGCAAACCACCGAAATCTTTCCTTTGTATGAGATTGA
TTACTTACACATCATTCCCCTTTTACAAGAATAAACTTACAAGTTATATTCCTTAA
TACTAATACTAAGTATTAATAAAGTCTTTGATTTTACAAACAATAAATTGATTCAA
ATGGTATGAGACTTTAGTCCTTTATGCTGGTGGTCAGAGATTCAATCCGTCTTATA
CTAAAGGAAATTGAAAACCTTCATATATAAAAAAGTCTTTGACATGCAATTAAG
ATTGAATATGAAATTAATTTTTTAATGTTTAGATTTCTTTTAAATTTGTTTGAAGC
TTTTCTGCCTGAAGTAAATTTATACTGAAATATATGTAGTACATCATTCTTAATTT
CATTCTTCAACTTCCAAGTTTAAACATTTCTTAAAAATAAACGTGATTTTCGATGG
TATTTTTTGGAGCAGGATAAAGTGCATAAGGGAAGGTGGAATGCGGTTTACGATT
ACTGGTTCGGCATCTTCAATTCAGTGCTGATCAGTAATGTGGGTGGCATAGGAG
ACATTGTTGGTGTCAAAGTTAAAGGTTCAAGAACTGGTTGGATTTCTATGGGTCG
GAATTGGGGTCAAACTGGCATGTAAATGCTTTGCTACAAAACCAACCTCTTTCA
TTTGAGGTCACTAGTAGTGATGGGGTAACCATTACATCTTACAATGTAGCTCCCA
AGAATTGGAGCTTTGGACAAACCTTTGAAGGCAAGCAATTTGAGTCTTAGAAAAA
GCATGAGAACTTAACTTGTTTCAAAGGACCATAAATTAGGATTATTATCAGTTTT
GATCAGTTCAACATGACTTCTTGTCACATATCCTATTTTCCGAGTTTGAGGGAATG
AAATAATAGGTTTTTTTAGACATAAAACCACTTTATACCTACCAATGATAAACAC
TACTTAAATGACAAGAAAAAACTAATTCTTATAAATATGGTCATCTAAC