

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

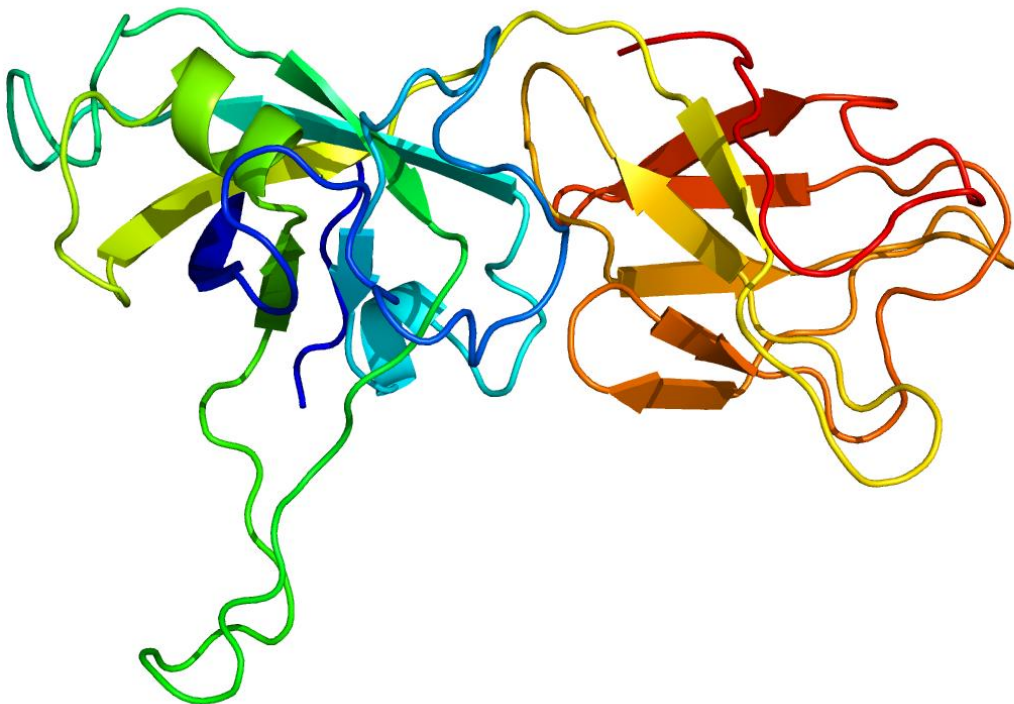
**Locus:** AUR62012104

**Gene Model:** AUR62012104

**Description:** CqEXPA-26

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

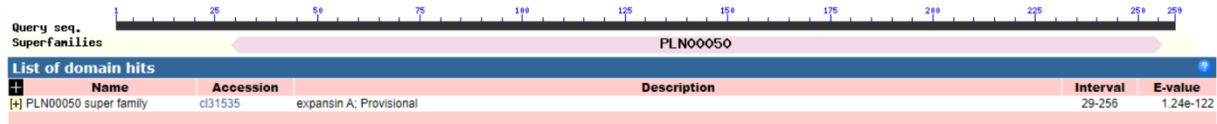
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPA-26

MASIILPLVFLCSYFALVHARIPGVFTGGSWQSAHATFYGGSDASGTMGGACGYGN  
LYSQYGVNTAALSTALFNQSGQSCGACFELKCADDPRWCHPGSPSILITATNFCPPNY  
ALPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPFLKIAEYRAGIVPVAFRRVPCRKKGGIRFTINGFR  
YFNLVLITNVAGAGDLVRASVKGSKTGWMSMSRNWQNWQSNVSLVGQALSFRVT  
ASDRRSSTSWNIAPPNWQFGQTFIGKNFRV\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPA-26

ATGGCCTCTATTATCCTACCTTTGGTTTTCTCTCTATGTTTCATATTTTGCTCTAGTC  
CATGCTAGGATCCCTGGTGTTTTTACCGGGGGCAGCTGGCAAAGCGCTCATGCTA  
CCTTTTACGGTGGCTCTGACGCTTCCGGA ACTATGGGGGGTGCTTGTGGTTACGG  
AACTTGTATAGTCAAGGGTACGGGGTGAATACGGCTGCACTCAGTACCGCCCTG  
TTCAACAGTGGCCAGAGTTGCGGGGCGTGCTTCGAGCTCAAGTGTGCTGATGACC  
CGCGCTGGTGCCACCCAGGAAGCCCTTCCATCCTCATCACCGCCACCAATTTTTGC  
CCGCCAAATTACGCGTTGCCTAGTGATAATGGCGGTTGGTGTAAACCCACCTCGCC  
CACATTTGACCTCGCTATGCCAATGTTTCTTAAGATTGCTGAATATCGTGCCGGC  
ATTGTACCTGTTGCCTTCCGCAGGGTTCATGCCGAAAGAAGGGTGGTATTCGAT  
TCACCATCAACGGTTTCCGATACTTCAACTTGGTGCTAATCACCAATGTCGCGGGT  
GCCGGTGATTTGGTAAGGGCGAGTGTCAAAGGATCAAAGACTGGATGGATGAGT  
ATGAGCCGTA ACTGGGGTCAGAATTGGCAATCCA ACTCCGTA CTGTTGGTCAAG  
CACTTTCATTCCGTGTTACGGCTAGTGACCGTAGAAGTTCAACCTCTTGGAACATT  
GCCCTCCTAATTGGCAATTTGGTCAAACATTCATTGGCAAAA ACTTTAGGGTCT  
AA

### Nucleotide

>CqEXPA-26

ACACCACCTCATACTCTCTACACAACACAACTACTTTCCCACTACTTCCCCTTTA  
TTTCTTCCCTAATGGCCTCTATTATCCTACCTTTGGTTTTCTCTCTATGTTTCATATTTT  
GCTCTAGTCCATGCTAGGATCCCTGGTGTTTTTACCGGGGGCAGCTGGCAAAGCG  
CTCATGCTACCTTTTACGGTGGCTCTGACGCTTCCGGA ACTATGGGTATGTACATT  
AATTAGTGTTATGTCCC GGCTCTAGTGGTCCGTATGTTCTTTTAACTGTTTGGT

TTGGGAACACCGGGACATCCCAAACCAAAGAACATACGGAACCACTAGTATTA  
TTTTTAAAAGAACTACGAAGTATAATTGTTGAATGATTTATTTTATTGTTTTTTTTT  
TGGGGTTTGTAGGGGGTGCTTGTGGTTACGGAACTTGTATAGTCAAGGGTACGG  
GGTGAATACGGCTGCACTCAGTACCGCCCTGTTCAACAGTGGCCAGAGTTGCGGG  
GCGTGCTTCGAGCTCAAGTGTGCTGATGACCCGCGCTGGTGCCACCCAGGAAGCC  
CTTCCATCCTCATCACCGCCACCAATTTTTGCCCGCCAAATTACGCGTTCCTAGT  
GATAATGGCGGTTGGTGTAAACCCACCTCGCCACATTTGACCTCGCTATGCCAA  
TGTTTCTTAAGATTGCTGAATATCGTGCCGGCATTGTACCTGTTGCCTCCGCGAGG  
TAATTTTTTTTTTCTTCTTTCCTCTGTTTTTGTCTGTTTTGTGTGGTATTATTTAC  
TCTGTTTTGGTGCTTTGTTTTATTTTTGTGAAAGAGAAATACAGTGTCTGTTTTGTC  
TACTGTGATGATTTACCAATTAATATGTGACAGTTGAGAAAGTTGCGTAAGTTAT  
AAATAACCTTATGTTACGGTCTACTGGTCTAGTAATATTGTTGTAAGTAAATGAC  
AAGTTTTTAGTATAATTAGTCCGCATTCGTCCAATAAAAATAAGACGGTTATGA  
TACTTGCAATCCTTTAACTATTAATAATGGAAATTCTAAAAGGTAAAATACTTATA  
GTTATACGACAATACTATATATTGTGTCATTCCAATCAAATTAATAATAATAAT  
TATGTATCGTGTTATCAATGTTTTAACATTTTATATTATTTCAATTTAACTTTTT  
AAGAGATTTATTTTACACCCCAAGAGTCTCAATTCTAAATGTTTGTATTGTCTTA  
GTGTGTAATTTTAAGAGAGAATAAGCTGTATCAGCTTACAATACTAATGCAATTG  
TCTAAAATTTGTAAATTTAAAGCCTTTCCTTTTTATGGAAAAAGCATCTCTAAT  
TGTTGAGTTCAGGCTTTTCTTTTTTGAAGTTGTTATGAATTTTGGCTTTAGAGAAA  
GAAAAAAATAGAAGTCTGATTATATTTGTTGCATCTCTTTTGCATGGATGAAA  
GGCTGCCCTTGAATCTTATTCAATTTTAAAGAGTACTTTGTATAGTACTAGACCA  
ACTAGCATCCTACCTTTTTTATTTGTCATTTTCATTTAATTGTCCAAAAATTTATTG  
AATTATGATGTTACATTGTTACATAGTTTACAAAAACATTGGAATATATTTATGT  
TACAGAGTTTACAAAAATTTATTTGGATTTTTTTTTAAAAAAAATTGTTACAAATG  
GTTATCTTAGGTATTCAACAAAGGAAAAGCCATTTTTGTAAAAGAGTTTTCGTTTA  
ATAAATCACATCTTATCACTCATTAACTTCTTTCAAAAAGATATATTCTTGACTC  
TAAGGTGGAAGTAAGATCAAACCTTTGCTTGACTTTTGCCCAATTGATAAGGAT  
AATTTGGAGTAAATATTCCATGTTCCCTAATAAAAAGAAGGATTCTATACATATGTA  
TTTATGCATAATAGGAGTACTATGATTAATTGAGTAAATTGATCAACTTTTTACTG  
GCATCTTTATTTTAAATGGAACTAAAGTACTAAAATGAAAAGAATTATTATTATT  
CTTTTTTATTTTAAACATGCATCAAGCCATCAATTAGAATAGATAGTTCATCAAG  
TACATAAAAGTAGAGTTTGTAAAGAGTAAGATTTTCAAACATTACTCAACACAAC  
ATGTATCACACACTAACCTCATGAGGACGTGACCTAATATGCCACACAAGTATTA  
TATATATATATTTTTTTTTTAAAACGTGGTTTGATGGATAAATATGATTAATATAG  
GGTTCCATGCCGAAAGAAGGGTGGTATTTCGATTCACCATCAACGGTTTCCGATAC  
TTCAACTTGGTGCTAATACCAATGTCGCGGGTGCCGGTGATTTGGTAAGGGCGA  
GTGTCAAAGGATCAAAGACTGGATGGATGAGTATGAGCCGTAACCTGGGGTCAGA  
ATTGGCAATCCAACCTCCGTACTTGTGGTCAAGCACTTTCATTCCGTGTTACGGCT  
AGTGACCGTAGAAGTTCAACCTCTTGGAACATTGCCCTCCTAATTGGCAATTTG  
GTCAAACATTCATTGGCAAAAATTTAGGGTCTAATAAAGTCTTAATAGTATTTG  
AAATACCAATTGTACCCCTATTAGTTGTCAATTTTCTTTTATTTTTCTTCCCTAAT  
TTGAGGGAAATGGGAGGAAAATTTGGGGGTGTTTTTGTCTTTTGATAGTCAAGTG  
TCTTTTTGACTTTGTAGGTGTGATTGGAAAAGAATGAGTTTGGGAAAATTGTA  
AAGTCGAAGCGGCTAAAAGAAATGGTGATGAAGCCCGCGACTTTGCTTATACTA  
GTTTGTGTTATAGTTGACTAATATATGAATACAAGTATTTAATCTTAGCTTATTGG