

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

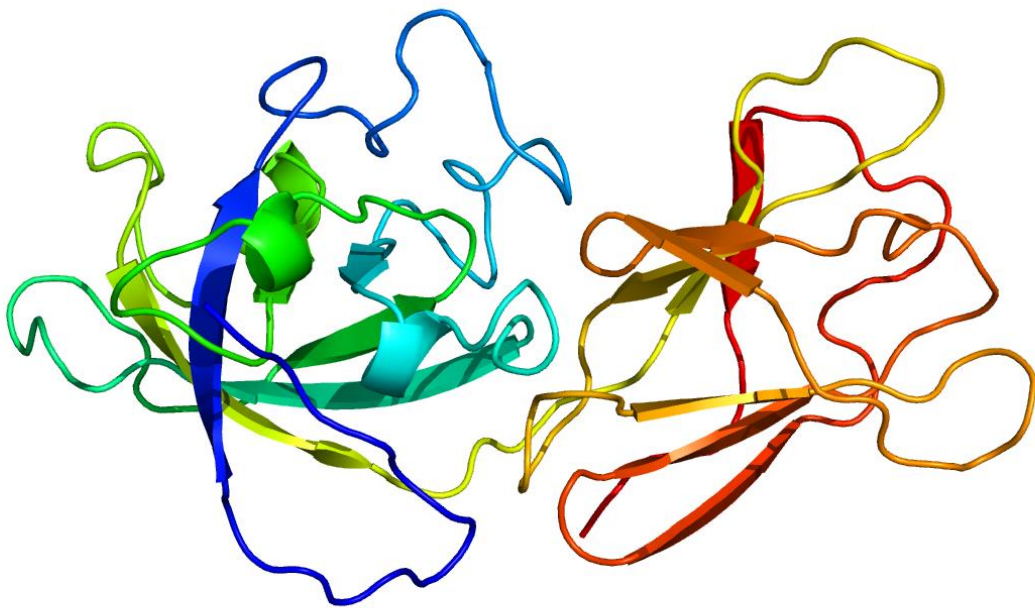
Locus: Ca_10508

Gene Model: Ca_10508

Description: CarEXPA-02

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

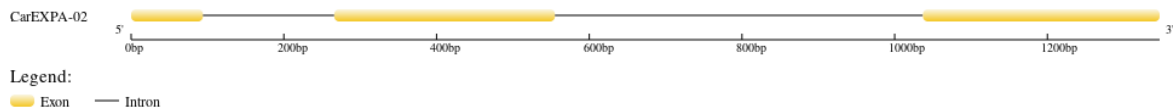
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

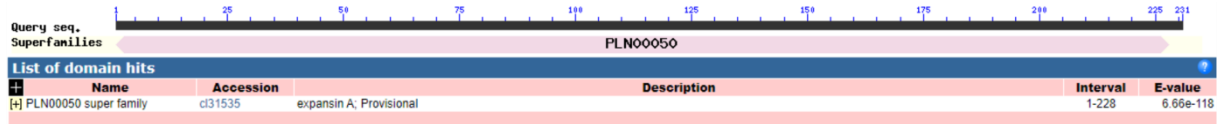
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-02

MISCVYGYGNNWGWINAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYSQGYGTNTAALSSA
LFNGLSCGACYEIKCVNDPKWCLPSSIVVTATNFCPPGGWCDPPNHHFDLSQPVFQ
HIAQYKAGIVPVVYRRVRCRRRGGIRFTINGHSYFNLVLTNVGGAGDVHSVSIKGS
RTRWQAMSRNWGQNWQSN SYLNGQSLSFVVTTSNGHSIVSFNVAPSSWSFGQTYVG
RQFIY*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-02

ATGATTTTCATGTGTTTATGGTTATGGTAACAATTGGGGTTGGATTAATGCACATGC
AACTTTCTATGGTGGCAGTGATGCTTCTGGCACAATGGGTGGGGCATGTGGATAT
GGAAATTTGTACAGTCAAGGTTATGGGACTAATACAGCAGCACTTAGCAGTGCAT
TATCAACAATGGTTTGAGTTGTGGTGCATGCTATGAAATTAATGTGTTAATGAT
CCAAAATGGTGTCTCCCTAGTTCCATTGTTGTCACTGCCACTAATTTCTGTCCCC
TGGTGGTTGGTGTGACCCCTCCTAATCATCATTGATCTCTCTCAACCTGTTTTTCA
ACACATTGCTCAATATAAAGCTGGTATTGTTCCCTGTTGTTTATAGAAGGGTAAGG
TGTAGAAGAAGAGGTGGAATAAGATTCATAAATGGCCATTCTTATTTCAACT
TAGTCCTTGTGACTAATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTTCATTCTGTTTCCATCAA
GGTTCAAGGACTAGATGGCAAGCTATGTCAAGGAATTGGGGGCAAATTGGCAA
AGCAACTCTTATTTGAATGGACAAAGTCTTTCATTTGTAGTCACAAGTAGTAATG
GTCATAGTATTGTGTCATTTAATGTTGCCCATCTAGTTGGTCCTTTGGACAAACC
TACGTTGGAAGACAATTCATCTACTAA

Nucleotide

>CarEXPA-02

ATGATTTTCATGTGTTTATGGTTATGGTAACAATTGGGGTTGGATTAATGCACATGC
AACTTTCTATGGTGGCAGTGATGCTTCTGGCACAATGGGTATGTTTTATATGTAAT
TAATGTCTGCATAAACATAAGCTACAAAATTGTCACAAGCAGATAGTTCCGGTTAT
GACAACAACAACAAAAAAAAAAAAACAAATTTTTATGATAAAGTTTTGTGCTTTAT
GTCCTATAGTTTGTATGGGTATGTAACAAAAATAAAAAATTTTCAGGTGGGGCATGT
GGATATGGAAATTTGTACAGTCAAGGTTATGGGACTAATACAGCAGCACTTAGCA
GTGCATTATTCAACAATGGTTTGAGTTGTGGTGCATGCTATGAAATTAATGTGTT

AATGATCCAAAATGGTGTCTCCCTAGTTCCATTGTTGTCACTGCCACTAATTTCTG
TCCCCCTGGTGGTTGGTGTGACCCTCCTAATCATCATTTTGATCTCTCTCAACCTG
TTTTTCAACACATTGCTCAATATAAAGCTGGTATTGTTCCCTGTTGTTTATAGAAGG
TAATTTGATTTTCTTAATTTTGTTTTACTTTATCCTTAATAACATGTGAGGTAAGT
GAGAGTCTTGGTTCAAGGGTAAGCTTGATTTTCATGTGGCATGCAAGTTGCAGGTT
CAAATCTTGAAAATAATAAGATTTTGATAGAGGAACCTAAATTGATTGATATTATT
TAAGGGATTAATTTGCTATTTTATAAATTCGAGATACTAAATCGATTGATTTTTGC
AATTTCAAAGACTTATTAACAACACTATATACTTGAAAATAATTGCTCCACTTAG
CACTATTTAGATTCATTTTGTTAAAAAAAAGTTACAATAAGATCTTACAAAATGA
GTTGTATGTAAGTGTAATTTGTGCAAATATCATTAATCTTTTACTACACATGTTTG
TTGGCCTTTTAAACTAACACTTTTCTTTTCTTCTTTTTTTTTTTGTTCAAAGCTAAC
GTTTTTTTTCTTAATGCATGGTTTTTTTATTAAAGGGTAAGGTGTAGAAGAAGAGG
TGGAATAAGATTCACTATAAATGGCCATTCTTATTTCAACTTAGTCCTTGTGACTA
ATGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTTCATTCTGTTTCCATCAAAGGTTCAAGGACTAG
ATGGCAAGCTATGTCAAGGAATTGGGGGCAAATTGGCAAAGCAACTCTTATTTG
AATGGACAAAGTCTTTCATTTGTAGTCACAACCTAGTAATGGTCATAGTATTGTGTC
ATTAATGTTGCCCATCTAGTTGGTCCTTTGGACAAACCTACGTTGGAAGACAAT
TCATCTACTAA