

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

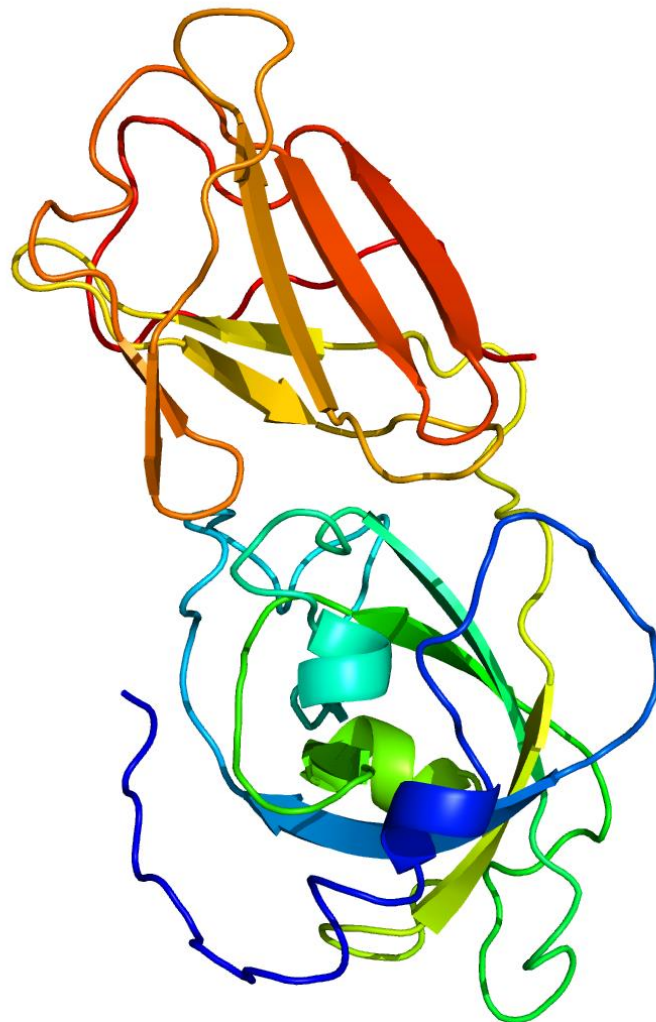
Locus: AH016785

Gene Model: AH016785-RA

Description: AhyEXPA-10

Family: Alpha Expansin

3D structure:



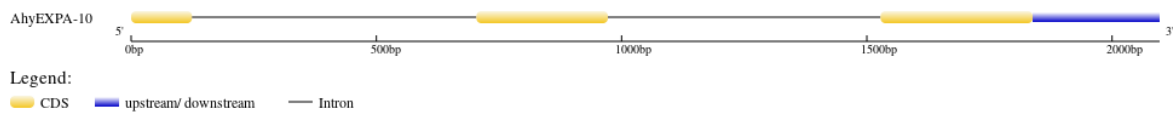
GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

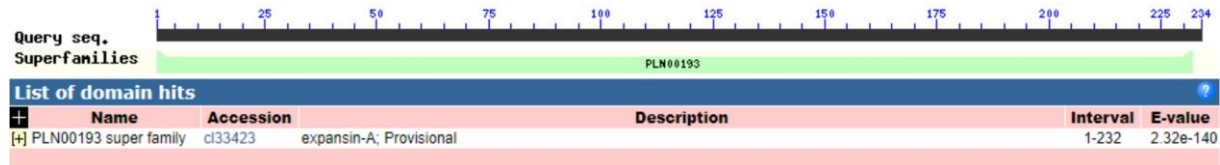
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-10

MNKINLALASSIIIALCFLIMNVNAFRASGWQKAHATFYGGSGACGYGNLYSAGYGT
NTAALSTALFNNGASCQCQYKIMCDYKTDPKWCIKGSSVTITATNFCPPNYALPNNA
GGWCNPPLQHFDMAQPAVPCMKKGGVRFSSINGRDIYFELVLISNVGGAGSIKSVQIKG
SKTNWMAMSRNWGANWQSLAYLNRQSLFRVTLTDGQTQVFNNVIPSNWQFGQTF
SSRVQFK*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-10

ATGAACAAAATAAACTTAGCTTTAGCTAGTTCTATCATCATAGCATTATGCTTTCT
TATTATGAATGTTAATGCCTTTAGAGCTTCTGGATGGCAAAGGCTCATGCTACTT
TCTATGGTGGAAAGTGGAGCTTGTGGGTATGGAAACCTATACTCGGCCGGGTATGG
GACAAACACTGCAGCTCTAAGTACTGCATTGTTCAACAATGGTGCATCATGTGGG
CAGTGTTATAAGATCATGTGTGATTATAAGACTGATCCCAAATGGTGTATTAAGG
GTAGTTCAGTTACTATTACTGCTACCAATTTCTGCCACCAAACACTATGCATTGCCA
AACAAATGCTGGAGGTTGGTGTAAATCCCCCTCTTCAACACTTTGACATGGCTCAAC
CTGCGGTTCCCTTGCATGAAGAAGGGAGGAGTAAGATTCAGCATCAATGGAAGAG
ATTACTTTGAGCTAGTACTAATCAGCAATGTAGGAGGAGCAGGATCAATCAAATC
AGTACAAATCAAGGGCTCTAAACTAACTGGATGGCCATGTCTAGAACTGGGG
TGCTAATTGGCAGTCATTAGCTTACCTTAATAGACAATCCCTTTCCCTTCAGAGTCA
CCTTAACTGATGGACAAACCAAGTTTTCAACAATGTTATTCCTTCTAATTGGCAA
TTTGGTCAGACTTTTTTCGAGTCGAGTTCAGTTCAAGTAA

Nucleotide

>AhyEXPA-10

ATGAACAAAATAAACTTAGCTTTAGCTAGTTCTATCATCATAGCATTATGCTTTCT
TATTATGAATGTTAATGCCTTTAGAGCTTCTGGATGGCAAAGGCTCATGCTACTT
TCTATGGTGGAAAGTGGAGCTTGTGGGTATGGGTATGTTCTTCTTTCCCTTTCTC
TATTTTTATATCGAATTCAGATCAAACAAGTGTCAATTTAAGTGAAGCGCG
CATACCGGTTTCATCCCTATTTACATGTGTCAACCAACCACAATGACATCACGCT

GTTTGATCAGAACTAATTTTATTAGAGTATATAACATATCTTGGGGCCTCAAGTCC
TCAACCATTAGCTTAAGTTTTTGGTTGAGTTAGTTCATTGACATGGTATCAGAAGC
CAGTGTGACAAGAGGTCACAGGTTCAAATCTCAACCACCCCTCATTAAAAAGTGG
AATATTTAGCACCAGGTATGAGGAGGACTTGTGTTGCATCCACACTTCTAGCCCA
AAGGGCTCTCGTGTGAGGGGGCGTGTTAGAGTATATAACATATCTTGGGGCCTCA
AGTCCTCAACCATTAGCTTAAGCTTTTTGGTTGAGTTAGTTTCTTGACAAATTTCT
ATTTATCTTTTGGGTAAAATTGTGTATATTCGATGTTTGTAGAATGTTGTATTGAA
GCGACATAGGGCTGAATCTTGAGTGTGTAATGCAGGTGGAGCTTGTGGGTATGGA
AACCTATACTCGGCCGGGTATGGGACAAACACTGCAGCTCTAAGTACTGCATTGT
TCAACAATGGTGCATCATGTGGGCAGTGTATAAGATCATGTGTGATTATAAGAC
TGATCCCAAATGGTGTATTAAGGGTAGTTCAGTTACTATTACTGCTACCAATTTCT
GCCACCAAACCTATGCATTGCCAAACAATGCTGGAGGTTGGTGTAAATCCCCCTCT
TCAACACTTTGACATGGCTCAACCTGCGTGGCAGAAGATTGGGATTTACAGAGGT
GGAATTATTCCCGTCTTATTCCAAGGTTAGAATTTTTTCATTTTAATTATTCAAAT
ACTTTGGACCGGAGGCGTTCATAACTGATCCGACGATCTAATATTTAATCGACCT
TTTAATCAAACCTGACTTCAAATTGAATTCATATTATATAAAAATCAATTTGGAC
ATAAGACCCAATTTGAGCTAATTAACCTAATGACCCGAATAAACACCTCTACTT
GGAACATCTCATCGTACATGCTTCTTGTGTATTTAAATGACATAATAAACATAGT
ATTTGCAATTAATGTGTTAAAAGATTATCTTTTTGGCAATATTCGAGTCGAGGGT
GTCCCTTCAATCCTAACATTTCCGTGATGATTATATTGGTCGGCCTTCTTTCCAC
CCTAACAGACCTTGCCTTGGGGTGGGAGATGATGAAAAGAATAAGATCGTGCA
GATTAGGTTGTATTAGATTGACACAAAAACAGAGAATTGGGTTTCTACACAACAT
TTTTCTGATCAAGATATGAAAATGTAACAGGGTTCCTTGCATGAAGAAGGGAGGA
GTAAGATTCAGCATCAATGGAAGAGATTACTTTGAGCTAGTACTAATCAGCAATG
TAGGAGGAGCAGGATCAATCAAATCAGTACAAATCAAGGGCTCTAAACTAACT
GGATGGCCATGTCTAGAAACTGGGGTGTAAATTGGCAGTCATTAGCTTACCTTAA
TAGACAATCCCTTTCCTTCAGAGTCACCTTAACTGATGGACAAACCCAAGTTTTCA
ACAATGTTATTCCTTCTAATTGGCAATTTGGTCAGACTTTTTTCGAGTCGAGTTCAG
TTCAAGTAAAATCACAATGCAAGGCTTTATGCAGTAACAGTTTGTGGGTTTTTTTA
TAGTATATAACATATCATTAGACTTCAATTAAGCCGAGAAAACATTCATAGGCAG
AGGCATGCTCATTGCTTTTTTATTTCTCTGAAGCAGCCCGCCAAATTCTCATTGGAA
TGGTTTGTGGTTAACAATGGAGGATAACCCATGAACTTAAGTATACTGCTAGTGC
TTATTTCATACAAAAAATGGGGATTTAATTAATCCTATACCATTA