

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

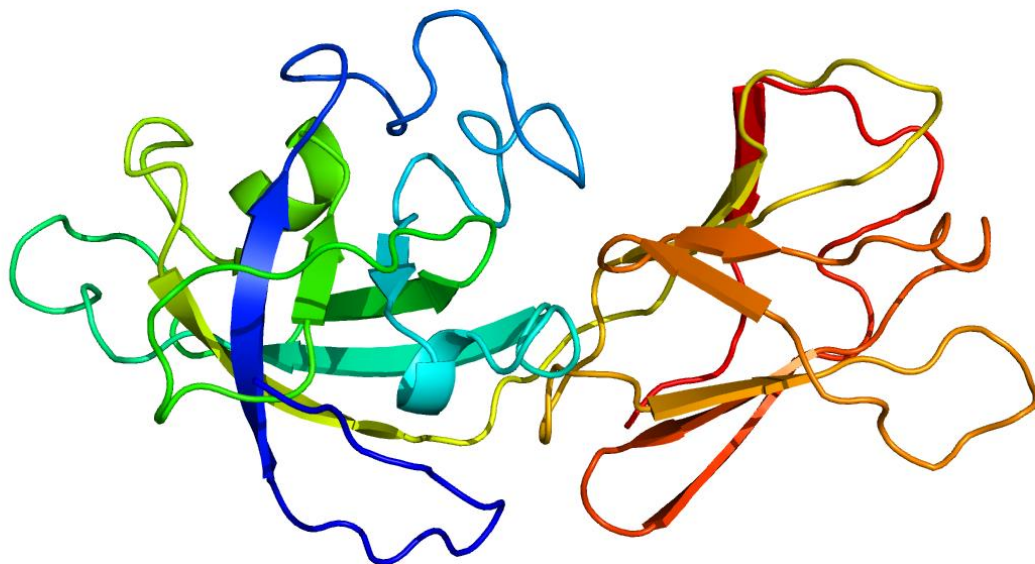
**Locus:** XP\_011082666

**Gene Model:** XP\_011082666.1

**Description:** SinEXPA-12

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

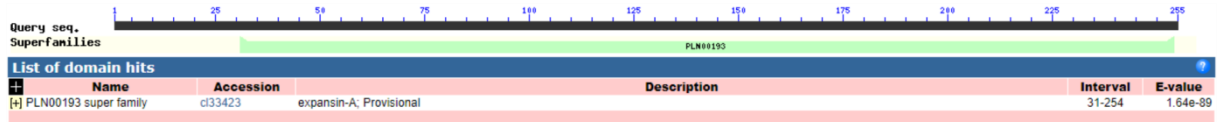
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXPA-12

MANIVSFLCVWFWSFVLVSSVVGLEGINQPSAWLNARATFYGGNQNPNSTLGGACG  
YENTYQAGFGINTAAVSGALFRGGQACGACYQVMCNNRLDRKWCLRRASVTVTAT  
NFCPSNKAGGPPQHFFDMSMPAFFRIARRGNEGIVPVL YRRVACKRRGGVRF TLKGG  
PNFNMIMISNVGGSGDIKSAWIRGSRTRTWNPMQRNWWGANWQTHFDVRAQALSFR  
VTLVDGKTLEFLNVVPSSWNFGQTFASHNQFS

### CDS (coding sequence)

>SinEXPA-12

GCTGATACCTCCATCGGACGTCATCTCGTCCAAGTTAAGGCGTTTTAATTTAGTTG  
TTTGAAGAAGAAGAGTTTGAGTGAATATGGCAAATATTGTGAGCTTTTTGTGTG  
TTTGGTTTTGGAGTTTTGTATTAGTTAGTAGTGTGTTGTGGGTTTGGAGGGGATTAAT  
GGACAGCCTAGTGCTTGGCTTAATGCTCGTGCCACTTCTATGGGGGAAATCAAA  
ATCCTAGTACTCTTGGTGGAGCTTGTGGGTACGAGAACACCTACCAAGCTGGTTT  
CGGGATAAACACGGCGGGCGGTGAGCGGTGCACTATTCCGAGGTGGGCAGGCTTG  
CGGCGCTTGCTATCAGGTTATGTGCAACAACAGGCTGGACCGAAAATGGTGCCTC  
CGGCGCGCATCGGTGACGGTGACGGCCACCAACTTCTGCCCTCCAATAAGGCGG  
GTGGTCCGCGCAACACCCTTCGACATGTCCATGCCCGCATTCTTTCGCATTGCT  
AGACGCGGAAATGAAGGCATAGTTCCTGTACTTTACAGAAGGGTGGCATGCAAG  
AGAAGAGGGGGAGTCCGGTTCACGTTAAAGGGTCAACCCAATTTCAACATGATC  
ATGATCTCCAACGTGGGCGGGAGTGGCGACATCAAGAGTGCATGGATCCGGGGC  
TCCAGAACCCGTACCTGGAACCCCATGCAACGCAACTGGGGCGCCAATTGGCAA  
ACCCACTTCGACGTCCGGGCCCAAGCCCTGTCTTTCAGGGTCACTTTGGTTCGACG  
GCAAGACACTGGAATTCCTCAACGTCGTACCTTCTTCATGGA ACTTCGGGCAGAC  
CTTTGCTTCCCACAATCAGTTCTCCTAAATTATTAATTTGGATACATATATAATAT  
TAATTA ACTAAGCTTCGATTTCCATGGACATGCACTTTTTGGAATGGTTCATGGA  
TATATAATTATTATTCCTTTCCTTAATATTATATATAATTATATGTATGTTTGCAGT  
TTTTGTTTTCTTAAGTTGAGGAAAATATTATGATTAATATGCAACAATAGAAATA  
ATATTAAGTTGGATTTGTACCAAGACAAGATAACAATCATCTGGATTCATAGATGA  
TTAATTTGTTGTACTCATAAATTAATATGTTATC

### Nucleotide

>SinEXPA-12

CATCCCTATCAGCTCAATTTTTGTATATTCTATTTTACTTTTTGTATATAGGTCGAC  
CAACACAGATCCAAAGGAAATATGCTAGAGATTGTCAAGTATGATGAGTTCTCAA  
ATATCAAGAATGTGTATGACATGGCATTATATATTGTTTGCTGAGTCATCATGTT  
GTATCGAGTTTGTTTTTGCACTAGCCAAATTAATATAAATACAAAAATAATGAGT  
TTGATACCTTATTCTTGGGCCAACAGATCAAGCATGCTAGGGTGGTCAGTGAGAG  
TCCACTTCTTTATTTTGGACTTTAAAAAAAATAGTTGAAGGATATCCAAAAAAA  
AAGTTTATCCTTGTAATTAATTTATTGTTGGTGTTTTTATTACACCCATCAATG  
CACAATATATATATATATATATGTATGTATGTATTGAATAGATCGGTGATGGA  
GAAAGCTAAAAATAATTAGTCTGAGGAAAAAGTACGAGATATCAGAATTGTA  
TGGATAACATATTAATTTATGAGTACAACAAATTAATCATCTATGAATCCAGATG  
ATTGTATCTTGTCTTGGTACAAATCCAATTAATATTATTCTATTGTTGCATATTA  
ATCATAATATTTTCTCAACTTAAGAAAACAAAACTGCAAACATACATATAATT  
ATATATAATATTAAGGAAAGGAATAATAATTATATATCCATGAACCATTCCAAAA  
AGTGCATGTCCATGGAAAATCGAAGCTTAGTTAATTAATATTATATATGTATCCA  
AATTAATAATTTAGGAGAAGTATTGTGGGAAGCAAAGGTCTGCCCGAAGTTCCA  
TGAAGAAGGTACGACGTTGAGGAATTCCAGTGTCTTGCCGTCGACCAAAGTGACC  
CTGAAAGACAGGGCTTGGGCCCGGACGTCGAAGTGGGTTTGCCAATTGGCGCCCC  
AGTTGCGTTGCATGGGGTTCCAGGTACGGGTTCTGGAGCCCCGGATCCATGCACT  
CTTGATGTCGCCACTCCCGCCACGTTGGAGATCATGATCATGTTGAAATTGGGTT  
GACCCTTAAACGTGAACCGGACTCCCCCTTCTCTTGCATGCCACCCTGTAATTA  
ATTAATTAATAATTTTGGAGTTATTAATACATGTAAATAACTAACTAATTATAGTTAA  
TTTGGTAGTGCTACGTACGTACCTTCTGTAAAGTACAGGAACTATGCCTTCATTTT  
CGCGTCTAGCAATGCGAAAGAATGCGGGCATGGACATGTCGAAGTGGTGTGCG  
GCGGACCACCCGCCTTATTGGAGGGGCAGAAGTTGGTGGCCGTCACCGTCACCGA  
TGCGCGCCGGAGGCACCATTTTCGGTCCAGCCTGTTGTTGCACATAACCTGATAG  
CAAGCGCCGCAAGCCTGCCACCTCGGAATAGTGCACCGCTCACCGCCCGCGTGT  
TTATCCCGAAACCAGCTTGGTAGGTGTTCTCGTACCCACAAGCTCCACCTGACAA  
ATTAATTCATCTTCATTTAAAAAACTAAGTACCAAATAGAATTCATTCATTCATG  
CATTTCGTTTTAATTAATTAATTATATATCTATTAATTTGAACTAAAATAAGTGCA  
TATATATATATAGTCTTATTATTTCTTTCAACCTACAAGTTAAATGTTGTCAATAA  
AGTACATATTGGATTTTTTATTTTCAACTTATATATTACATCTTTTATTTTATTTA  
ATATATATACGTTGCATATATTATATTAAAAAAAAAGATTATTTTTTTTAGTTTTTT  
GCACAACTTAATTTTCATTCATTATATTACATAATCAGTACAATTGCACCTCTCA  
TTTCAAAAAAATGTAAATAACCTCTAAAATTCATGATCAATCATCCCTCCGATCG  
GTCTCTAAGAAAATGACTATAATCATCAACATATAAATTGAAAAAAAATAATTT  
TACCCACAACAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGCAAAGCAATAATAATCT  
TACCAAGAGTACTAGGATTTTGTATTTCCCCATAGAAAGTGGCACGAGCATTAAAG  
CCAAGCACTAGGCTGTCCATTAATCCCCTCAAACCCACAACACTACTAACTAAT  
ACAAAACCTCAAACCAAACACACAAAAAGCTCACAATATTTGCCATATTCACTC  
AAACTCTTCTTCTTTCAAACAATAAATTAACGCCTTAACCTGGACGAGATGA  
CGTCCGATGGAGGTATCAGCTCTCATTATATAGACTTGTCCGAAGCATGTTTCATGT  
CTATGGTACGCGTTTGTACCTCTGACGTCGGTGATTAATGTTTATATCAGATTCCA  
ATTTCAATTATGCAACGCATTTAATGAGGTAACGGTTTTTCTTCTTTTAGAAACG  
CGTTTTCTCACAGTACGGAAAAGGGTACGAATTATAGTATTGGATGGATGATGTG  
CCAATAATAATCAGTAAGAAAGCAGGAGCATGTGAGGGTCAGTTTTTGCACATCT

GTTTCGGATTTACTTGTCGGTGATGATTCTTGGCCCAATTATTCAATCATAAACT  
ATAGCTAGTAATCGTGTTTTAGAGGCCTCTATCTAAAGCGCGATTTCTTGTA  
ACTCCGATTCATAAGATATTTATATCCAAGGGAAGAAGTTGCTATATATACATATGTC  
TAGCTACATAGTATCCAAGTAGGGAATTTCCAAGTCTATGTATTAATAAATTTAC  
ATATGGGCAGATATTAGTCA