

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

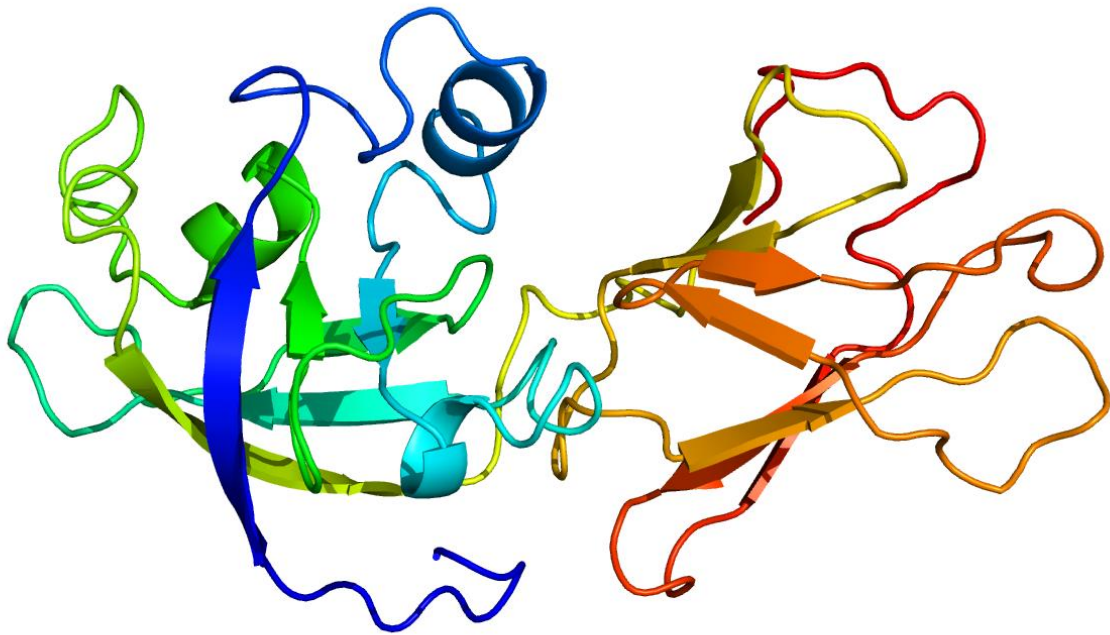
Locus: XP_015957561

Gene Model XP_015957561.1

Description: AdEXLB-01

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

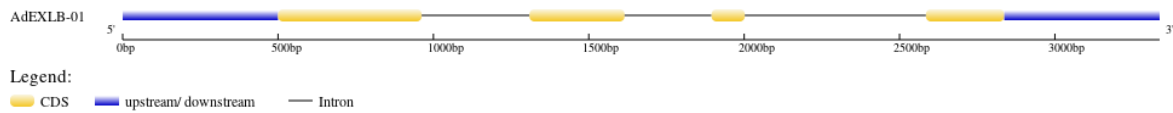
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

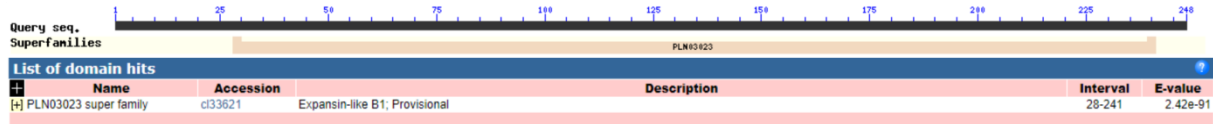
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXLB-01

MELKHQLGLLCVILLLPALSIATNNDYCPLNSYKNSRASYYGTRDGYGTSPGACGFG
EYGRMVNDGKVA AVSGLWKGSGGAC YQVKCKVPILCKVNGVTVVATDYGED
RTDFILSPRAFESLGVSLNASEELKKYGTLDIA YKRVPCNGKIVIKIHESSSNPGYFAM
VLLSHGGLYDVTSVEFWEDSRKQWSPLRRAYGAVFDYANPPRGPLFLRFQVTGCY
AYWQKLNKPIPANWQPKMIFNF

CDS (coding sequence)

>AdEXLB-01

CACAAAACCTTCTTTCAATAATATTTGTTATTAGTTAATTATATACCTTCACATAC
TTTGGTTTATTGCATTTACTTACTACATTTCTTACCTCTTTAGATATGGAGCTTAAG
CACCAACTTGGTCTTCTTTGCGTTATATTGCTTTTACCGGCACTAAGCATCGCCAC
TAATAATGACTATTGCCCTTTGAATTCTTATAAGA ACTCTAGGGCATCCTATTATG
GTACCCGTGATGGTTATGGGACTCCAAGTGGAGCATGTGGATTTGGCGAATATGG
AAGGATGGTCAATGATGGCAAGGTTGCAGCGGTATCTGGGCTATGGAAAGGTGG
AAGTGGCTGCGGTGCATGCTATCAGGTTAAATGTAAAGTACCAATATTGTGCAAA
GTCAACGGGGTAACCGTGGTGGCAACAGATTATGGTGAGGGAGACAGAACAGAT
TTCATACTGAGCCCACGCGCTTTTGAGAGTTTGGGTGTGAGTCTTAATGCATCTGA
AGAGCTCAAAAATAACGGTACTCTTGATATTGCATACAAGAGAGTTCCTTGCAAT
GGCAAGATTGTTATTAAGATCCACGAAAGTAGCAGCAACCCTGGATACTTTGCTA
TGGTGCTTCTCAGCCATGGTGGATTATACGATGTCAGTGTGCAATTCTGGGA
GGATTCACGCAAACAATGGAGTCCATTGCGTAGAGCTTATGGGGCAGTGTTTGAC
TATGCTAACCACCAAGGGGTCCACTCTTCTTGAGGTTCCAAGTGACTGGTTGTTA
TGGAGCTTATTGGCAAAA ACTAAATAAACCTATCCCTGCTAATTGGCAGCCGAAA
ATGATTTTTAACTTTTGACAATGGACTTCAGCTTAATAATTAATACTTAAACTT
CATACTTTGGGCCTGGAATCATATAATATATCATAAATAAATAAATAGCCACTCT
TATTCAGATGAAATTCTGATCTGGTTCTACGAATAATGGTGAGTGTGTCTGTGTGG
TGTGTGTATTGTTGGGTGAATTTTTTTTGTATGTTAGTCTTTGTGGAGACTACAAT
AATATGTATTCTTGTACTTGTGAAATAAATTGTCAATAAATAAATAAATACATAG
TGTCATTTTGTGGGCAA

Nucleotide

>AdEXLB-01

ACTTGCTGGTTAGTTGTGCGGAATTACATAGTGTGAGTGTAATTTTCGTACACCAG
ATAATGAATTAGATGAATTGAGTTAGCTTCATATATGCATTACAATGGTTAAAGG
GTAGCTGTTTCATGATATAGAGACAGTAACATCCCTAACCAACTAACACGCTAAGA
CTCTAACTAACTAAACAGTTATACACTAAGTTCTTGCACTTCTTTCTTCTTGT
CATCTATCTTTTTTCTTTTCTTCTTAAATATTTTTGCTAGAAAGTTACTTTTAGTTTATAA
CATAAATTATTTTAGAAGTATTAAGAGTTGAAACTTACGTCGAAATCAGACAAGT
GTAAAAAATAGATTATTATCTCACTAAGCCGGAGATCTAATCTGAATCTAACTCA
ATTCAATATATTTGATAAATTTATTTTAAAGTTTTCAGCTAAAAATAGTTAAATCTG
AACATAATTTTCAAATTTATGTTAATAAACCATAAATTTCTGCTAATTATTAATAT
TGCCCAAACAATAAGACTATGTATTTATTTTATTATTGACAATTTATTTTACAA
GTACAAGAATACATATTATTGTAGTCTCCACAAAGACTAACATACAAAAAAAT
CACCCAACAATACACACACCACACAGACACACTCACCATTATTCGTAGAACCAGA
TCAGAATTTTCATCTGAATAAGAGTGGCTATTTATTTATTTATGATATATTATATGA
TTCCAGGCCCAAAGTATGAAGTTTTAAGTATTAATTATTAAGCTGAAGTCCATT
GTCAAAGTTAAAAATCATTTCGGGCTGCCAATTAGCAGGGGATAGGTTTATTTAG
TTTTTGCCAATAAGCTCCATAACAACCAGTCACTTGGAACCTCAAGAAGAGTGGA
CCCCTTGGTGGGTTAGCATAGTCAAACACTGCCCCATAAGCTCTACGCAATGGAC
TCCATTGTTTGCCTGAATCCTGCAAAATTAGAGAGGTAGAATATAATATAAATAT
GTAATTATATTGATGTTACAGCTCCAACATTGAAAATAACTTAATAATCAAATTA
TATAACTAGCTAAGCCAACTGGTGAAAATCATCTCCAGTCAATTTTACATAAAG
TTGATAGGTGACAACCTATTAATAATTTGACTAATTTTACTAAATTTTTATTTAAA
AGTTTTTAACTATCAGTTTCACGTGAAATTGACTGTATTTGAGTTTCTGCCAAGCC
AATAAATTATTAGAATCTCAATATTAACCTTTGGTTTCAAATAACAGCCAGCTTAT
TTAGTTTTCAACCAATTAACCTATATATATGTACCTCCCAGAATTCGACACTAGTGA
CATCGTATAATCCACCATGGCTGAGAAGCACCATAGCAAAGTATCCAGGGTTGCT
GCTACTTTCGTGGATCTTAATAACAATCTTGCCATTGCAAGGAACTCTCTTGTATG
CAATATCAAGAGTACCGTATTTTTTTGAGCTCTTCAGATGCATTAAGACTCACACCC
AACTCTCAAAGCGCGTGGGCTCAGTATGAAATCTGTTCTGTCTCCCTCACCAT
AATCTGTTGCCACCACGGTTACCCCGTTGACTTTGCACAATATTGGTACTTTACAT
TTAACCTGAATTACCATTATTTATTATTTTATATTATTTGAAGAATAAACAAGT
GTGAAAAAGATGACATAGAAAATTTATTATATATTCTTACAATTTTATTATATAC
ATACAATAATATATATATGATACAAATAAGATTACAATAATTTATATATATTTAAA
TATTAATAAAGTACCTGAGGATTAACCTTTAATTTGCCTCCTCTCTAACATCCTTT
TAAACCAAATCTAGAACACTAACCTGAGGATTATTATAACGAGGAGTTGAGAGG
GAAACGTACCTGATAGCATGCACCGCAGCCACTTCCACCTTTCCATAGCCCAGAT
ACCGCTGCAACCTTGCCATCATTGACCATCCTTCCATATTCGCCAAATCCACATGC
TCCACCTAAATATATAGGAGAGAGCGTGATGATCAAAAAATAAGTTCATAAAA
TATATTCTTAGAGAAAAGGAAAAAGACATCATATATTAGTTATCATTACCATGTT
CACTAGTGAACTAAACATGAAAAATGTGTAAGGAAAACTTACATTGGTACA
AAGTATAACAAAAATATTTTTATAAAAAATAACTCAAATGAATATTTTTATTGT
ATTTATTTGCAATTTGAGGCAACACTCATAAATTTATGTTTTTTCATAGTTTTAAA
AATCAGATCGAGTTGATTGATACAATTGGATTAATCGAAAATCAGTCACTACATC
AGTTTGATTCATTTAAAAAGTCAATTGGCAATAAATTGATTAAAAAATTTAAAAA
AGACAATAACAAAATGAGTTAACCGATCGGAGTTATGTAATTTTTTAATAATTA
CTAATTTAAAATAATAAAAACATAAAAAATTTTCTTTTATCAGAACAGAACCTTGT

TTTTTTATTAAAAGGGTTGACCTCTCCTAGCATGCACTCCTCAAATATATTGCAT
GATATGTGTAAATTAATTAAGGAGGGTAATAACATACTTGGAGTCCCATAACCA
TCACGGGTACCATAATAGGATGCCCTAGAGTTCTTATAAGAATTCAAAGGGCAAT
AGTCATTATTAGTGGCGATGCTTAGTGCCGGTAAAAGCAATATAACGCAAAGAA
GACCAAGTTGGTGCTTAAGCTCCATATCTAAAGAGGTAAGAAATGTAGTAAGTAA
ATGCAATAAACCAAAGTATGTGAAGGTATATAATTAACATAAACAATATTATT
GAAAGAAGGTTTTGTGAGATTACAAGGATAGATAGTTGTCATATTTATAGTGCTG
CCTTAGGTATAGATACCAGTGGTAGTATGAGCCCATTTGGGATCATAGGAATAAT
ACGTTTTAAGATTGGATTGGTGATGTGGACCAGTAAGCATTGACCTTAACCTAAC
CAGGGAATAAGTTACGTTATAATAATATCCGTACTGAAATACTACAAGAAAGAA
CTAACTTTGTTTATAGCGCATGGTATACCATGCAGGAAGAAAATAAAGTGGCGGA
CAACTTGAGAAGTGAAGCGGATCTTGAGAAGCGAAAAAGAATTCAATTCTTATG
GTAATATTTTAATAATATGATTATATGAAAGGTATTTGCTAGAAAGTTTAAATGG
ATTGTCCTATGTATTAACAATTATACTAATACTAAAATTAATCACTAAAAT
CAGTTATTAATATAAAATATATATATTAATAATAAAATACATATTAATAATAA
TTAAATTATATATATTTATATAA