

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

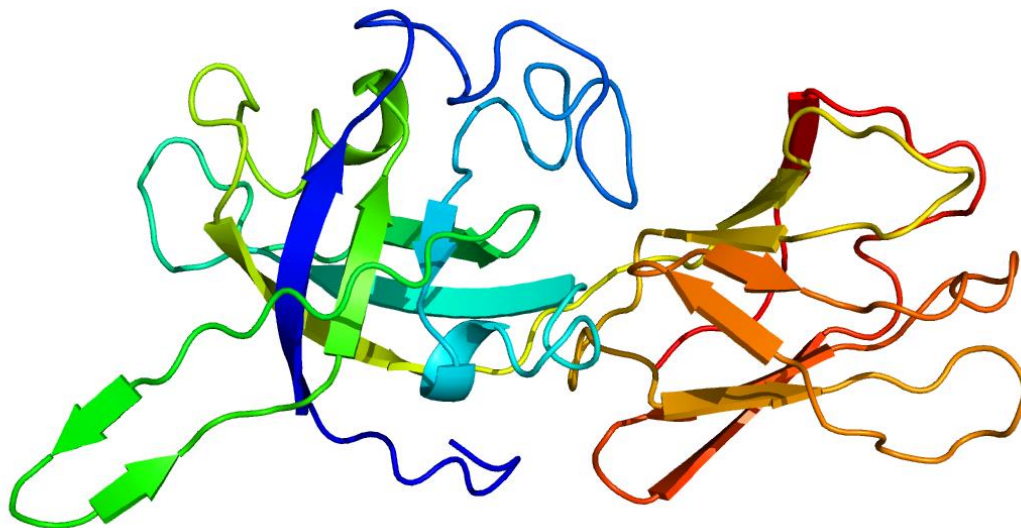
Locus: XP_015069262

Gene Model: XP_015069262.1

Description: SpnEXPA-07

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

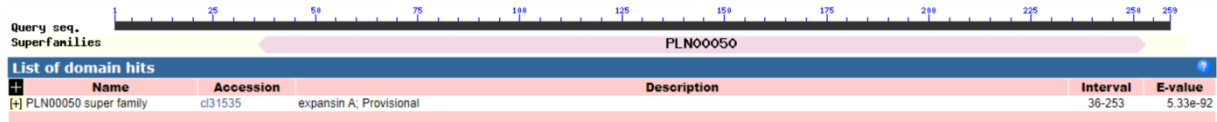
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPA-07

MAKHQIFFILFITFTVIFLVEAFESKEVERNLD EQGWNNARATFYGDMSGNETMQGA
CGYGDLFKQGYGLETAALSTALFNNGATCGACFQIKCVNAPKACHPDQIITITATNFC
PPNYTKTHDIWCNPPQQHF DLSMPMFLKIAEYKAGVVPVYRRVTCQKKGGLKFEIK
GNPNWILVLFVNGGVGDVVNVKIKGSKTQWLPMSRNWQNWQTSVQLGGQSLSF
QVQTS DGKLVQSDNVVDPDNWQFGQTFEAKNNF

CDS (coding sequence)

>SpnEXPA-07

GTATTATTCAAAGCAAATTACCAAGAGAGTTAAAAACTAGTTTAGAGAAAAAAT
AGTTTTAAGCTAAAATGGCTAAACACCAAATTTTTTTCATTTTGTATCACATTT
ACTGTTATTTTTTGGTTGAAGCGTTTGAAAGTAAAGAGGTAGAAAGAAATTTGG
ATGAACAGGGATGGAATAATGCCCGTGCTACATTTTATGGTGACATGAGTGGTAA
CGAAACCATGCAAGGAGCTTGTGGTTATGGAGACTTATTCAAGCAAGGGTATGGC
CTGGAACAGCGGCACTAAGCACAGCGCTGTTTAAACAATGGAGCTACCTGTGGA
GCTTGCTTTCAAATAAAGTGTGTCAATGCTCCTAAAGCATGTCATCCAGACCAA
TCATAACTATAACTGCCACCAATTTCTGCCCTCCAAATTACACAAAAACTCATGA
CATTTGGTGCAATCCACCACAACAACACTTTGATCTGTCAATGCCAATGTTCTTAA
AGATTGCAGAGTACAAAGCAGGGGTTGTGCCAGTTGTTTATAGAAGAGTTACTTG
CCAGAAAAAAGGAGGTCTTAAGTTCGAGATCAAAGGGAATCCTAACTGGATTCTT
GTTCTTGTTCATGTGGGAGGTGTTGGAGATGTTGTTAATGTCAAGATCAAAG
GATCTAAGACTCAATGGCTACCAATGTTCGCGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGA
CTTCTGTGCAGTTGGGAGGACAAAGCTTGTCTTTCCAAGTACAACTAGCGATGG
CAAATTGGTTCAATCTGATAATGTTGTTCTGATAATTGGCAATTTGGTCAGACAT
TTGAAGCCAAGAATAATTTTAATCATCATGAATTTTCGAAAATGAGTAGCTTTTA
GTTTCTGATCAATATAATTTATAATCTTTTCTCCAA

Nucleotide

>SpnEXPA-07

AAAATTGGAGCGAGTCAGAAGTCTCAACTAATAAATAGTTGTTATAAAAAAAG
TTCAAAAAAGAAAGTGACTGAACTTCTTTTATAAATTTAATTTTCTCATCCTTG
GTCGAGTATCTTTAATGTTATTAAAAAAGAGGGTAAAAACTATTAGTCGAGCG

ATCGTGATATTA ACTCTCCAATTGAATATAGATTCAGTCATCCAGATTGGCAGGC
TCTAATTTCTTCTTTCAACCATTCTTCTTCTTCATCTCTTCATTCTTTCTGTAAATTC
TTAGAGCAGTCATAAATGGCAGCCTCACAGAATCCAGCAGTCATATTTATTTAAC
GACATTAAATGAGTAATTATCTATTATTCACATGTCATCTTGCTGCTGGTAAAAAT
TTATGTCTAATTTGACTAAAAGTATCTTGATGATCTTTTTTTGTATTTTTCTCG
AGTATTTGCTCAATGCCCACTCAAAAACAGAGAATTTATTTGGAAACAAAAAACT
TGGAGAAAAGATTATAAATTATATTGATCAGAACTAAAAGCTACTCATTTTTCGA
AAATTCATGATGATTA AAAAATTATTCTTGGCTTCAAATGTCTGACCAAATTGCCA
ATTATCAGGAACAACATTATCAGATTGAACCAATTTGCCATCGCTAGTTTGTACTT
GGAAAGACAAGCTTTGTCCTCCCAACTGCACAGAAGTCTGCCAATTTTGTCCCA
ATTCCGCGACATTGGTAGCCATTGAGTCTTAGATCCTTTGATCTTGACATTAACAA
CATCTCCAACACCTCCCACATTGAAAACAAGAACAAGAATCCAGTTAGGATTTCC
TTTGATCTCGAACTTAAGACCTCCTTTTTTCTGGCAAGTAACTCTTCTATAAACAA
CTGGCACAACCCCTGCTTTGTACTCTGCAATCTTTAAGAACATTGGCATTGACAG
ATCAAAGTGTTGTTGTGGTGGATTGCACCAAATGTCATGAGTTTTTGTGTAATTTG
GAGGGCAGAAATTGGTGGCAGTTATAGTTATGATTTGGTCTGGATGACATGCTTT
AGGAGCATTGACACACTTTATTTGAAAGCAAGCTCCACAGGTAGCTCCATTGTTA
AACAGCGCTGTGCTTAGTGCCGCTGTTTCCAGGCCATAACCCTTGCTTGAATAAGTC
TCCATAACCACAAGCTCCTTCTGCAATATAGCATTCAAATAAATTTGTTACAAAT
GTTAATATCTTTGTTACGAAAATATCAGGAATTTGTTTATATTAGATCGGAGGGTG
TACAAAAGAAAAATAACTTACGCATGGTTTCGTTACCACTCATGTCACCATAAAA
TGTAGCACGGGCATTATCCATCCCTGTTTCATCCAAATTTCTTTCTACCTCTTACT
TTCAAACGCTTCAACCAAAAAAATAACAGTAAATGTGATAAACAAAATGAAAAA
AATTTGGTGTTTAGCCATTTTAGCTTAAA ACTATTTTTTCTCTAAACTAGTTTTTAA
CTCTCTTGGTAATTTGCTTTGAATAACTTTTGCTATGGACATACATACTTATAT
GGCCAAAATATTCACTGTGTGATAAATTCAGTTTCAGTTCTTTGCTAAAATTAAT
TGCTTCATTTGACTACTGGTTTAATGTGAAAAGTAGGATAAATGGAAATTTAGTG
GTTTGTACTCTATAGTCTTGGGTCTTTAATGTAATTAATTGTGAATTTAACATAA
TCAGATTATTTGTAGAGGAAGTAAACCAAAACATCATAACTTATAATTGCTTATT
AAATATCTAAAAATAAAAAATAAAAAAAGAATAGATCATAAACTAGAGTGATTA
AAAATTACTGATTTTCGAAAATACATAATCCCTAAAAATTATTCTTTGCTTCAAAT
GTCTGACCAAATTGCCAGTTAGCAGGAGCAACATTATCAGATTGAACCAATTTGC
CATCGCTAGTTTGTACTTGAAGACAAGCTTTGTCCTCCCAACTGCACAGGAGT
CTGCCAATTTTGTCCCAATTCCGCTTCATT