

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

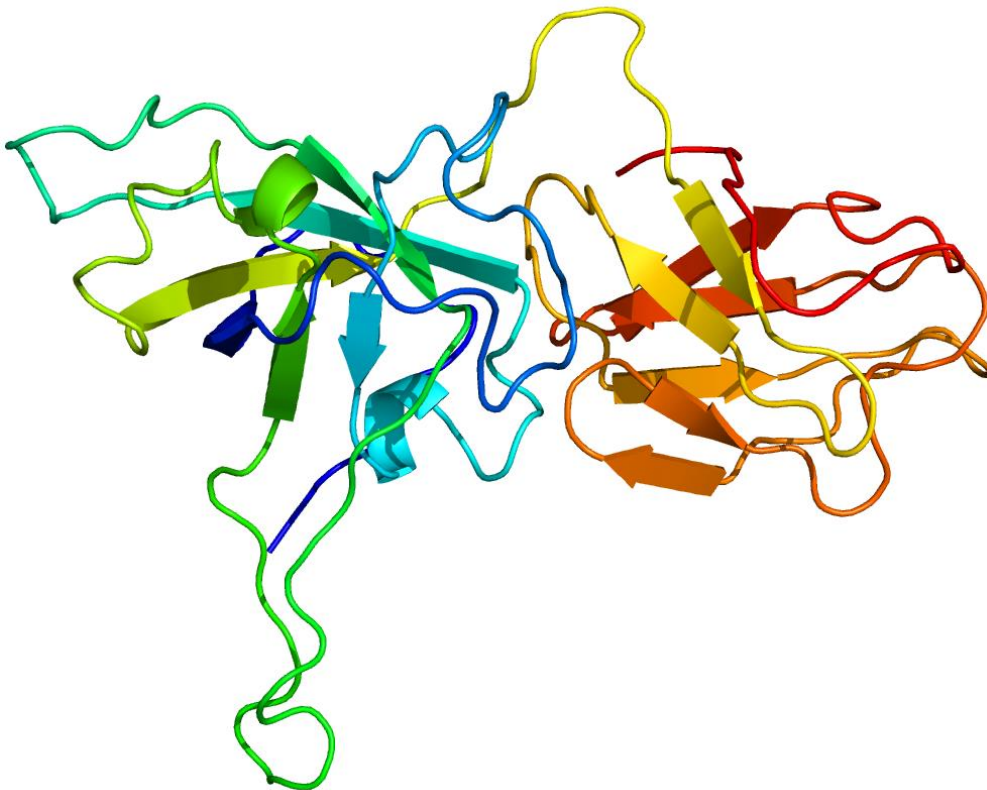
**Locus:** XP\_015948983

**Gene Model:** XP\_015948983.1

**Description:** AdEXPA-01

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

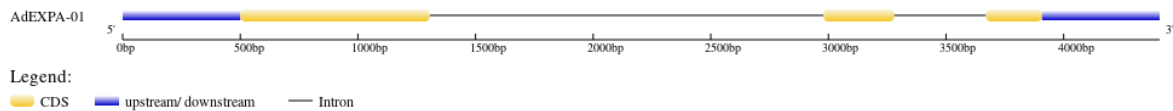
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

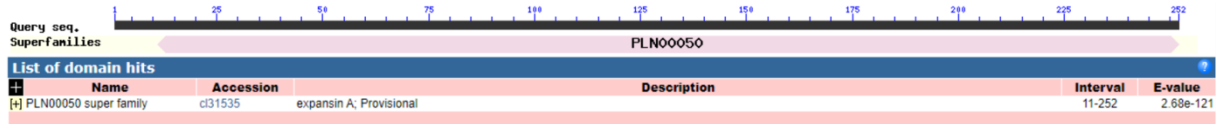
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPA-01

MPQQEFSMALMILLIVLSIDMIIMQGATADYGGWESAHATFYGGGDASGTMGYGNL  
YSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEMKCND DPRWCKPGSIIVTATNFCPPNPAL  
PNNNGGWCNPPLQHFDMAEPAFLQIAEYRAGIVPVAFRRVPCMKKGGIRFTINGHSY  
FNLVLVTNVGGAGDVHSVSIKGSRTGWQSMSRNWQNWQSN SYLNGQTL SFQVTA  
SDGRTVTSFNVAPSNWQFGQTFQGSQF

### CDS (coding sequence)

>AdEXPA-01

TACACATTAGA ACTCAGAGCAGAGGAAAGGAACAACAATTTGAACCTTCCCCTGT  
TTCTTGCCAAAGGTTTAGAACAAAGGAGAATGCCACAGCAAGAGTTTTCAATGGC  
TCTAATGATTCTTCTCATTGTTCTCTCCATTGACATGATTATCATGCAAGGTGCCA  
CAGCTGACTATGGTGGTTGGGAGAGTGCTCATGCCACTTTCTATGGTGGTGGTGA  
TGCCTCTGGCACAATGGGATATGGGAATTTGTATAGCCAAGGTTATGGAACGAAC  
ACAGCAGCATTAAAGCACTGCTTTGTTCAACAATGGACTAAGCTGTGGATCATGCT  
ATGAGATGAAGTGTAATGATGACCCAAGATGGTGCAAGCCGGGTTTCGATCATTGT  
CACGGCCACCAACTTCTGCCCCGCCGAACCCGGCTCTGCCCAACAACAATGGTGGT  
TGGTGCAACCCTCCTTTGCAGCACTTTGACATGGCTGAGCCAGCATTCTTGCAAT  
TGCTGAATATAGGGCTGGAATTGTGCCTGTTGCTTTTAGAAGAGTTCCTTG CATGA  
AGAAGGGAGGAATAAGATTCACCATCAATGGCCACTCTTACTTCAACCTAGTTTT  
GGTAACAAACGTTGGAGGTGCTGGTGATGTTTCATTTCAGTTTCCATCAAAGGATCA  
AGAACTGGGTGGCAATCAATGTCAAGAACTGGGGGCAA AATTGGCAAAGCAAC  
TCTTACCTCAATGGTCAAACCCTCTCATTCCAAGTCACCGCCAGTGACGGTAGAA  
CTGTCACAAGCTTCAACGTGGCACCATCTAATTGGCAGTTTGGTCAAACCTTCCA  
AGGAAGCCAATTCTAGATTTTTTTTTTCAATTTGGGTTTAGTCTAGTAAAAAAAAT  
TAAAAAAAACAAGAAGTTTCTATACTTAACGATTTAAGGAAATATATTATTT  
ATACTTATTTTTGTCTCGTAAATTAATTAACACATGTTTTTAATTTTTAGATGAG  
ATATTCAATTCACATAAAATGAATTTTATATCCTATATCTAAAAATAAAAAATAT  
GTATTTACAAGCTAAAATAAGTATATAAAATTTGTTTCCTAAATTAAGTTCCTTAA  
TGACATACCCAAAAGAATGTCATTAGAGGAATTAATTCATATATATAAGTTTGTA  
ATTGGGATTATGAAAGGCCAGTGTTTTTATTTTATTGGTCTGCAAAAATAGCTGA  
GGTGTTTCATATAGCACCCGCTGGTCTCTTCTCATATATAAGATATGGATGTTATA

TATGTGAAGAGTTTATATGTAATTTGAGTATTGTGATACTCTTCCTTTAAGAGATG  
TATCTTTTGCTTGTTTTA

### Nucleotide

>AdEXPA-01

AGTGTGCTAAATTTAAAATAACACTTTTTATTATTTAACAATATCTTTTTAAATG  
TTAAAAATATGTTACCAAATATGAAAAAGTGTAATTTTAATTTAATAACACT  
TATAGAGCTACCATAGTCGCATAAACATAGACATATTAATAATTCACCTATATATA  
AATATATTTATTTTATTAATTAATTTCAATCCAACATAAGTTTTACATTTATGAA  
ATCATCAACAATAATTGTGTTTGATGAATCAGGTTATTAAGTTATCTATATATATT  
ATTAGATCATTTGAATATAGTCTCTTTTTCTAGATGAATGAAATGTAATACAAGA  
TACATTTTAATTAGATGTTCTATAATAATAGTCAATGAATCATTTTATATTCTAAG  
AATATCCAAAATTTGACATAGTAAAATAATCATAAGTTTTTCATAATAAGAAATAC  
TAGTATCAAATAAGACACATAATTAATTAATTTTGAAATCTCTTTGCTACAAA  
TAAAACAAGCAAAAGATACATCTCTTAAAGGAAGAGTATCACAATACTCAAATT  
ACATATAAACTCTTCACATATATAACATCCATATCTTATATATGAGAAAGAGACC  
AGCGGGTGCTATATGAACACCTCAGCTATTTTTGCAGACCAATAAAAATAAAAACA  
CTGGCCTTTCATAATCCCAATTACAACTTATATATATGAATTAATTCCTCTAATG  
ACATTCTTTTGGGTATGTCATTAAGGAACTTAATTTAGGAAACAAATTTTATATAC  
TTATTTTAGCTTGTAATAACATATTTTTTATTTTTAGATATAGGATATAAAATTCAT  
TTTATGTGAATTGAATATCTCATCTAAAAATTAACAAACATGTGTTAATTTAATTTA  
CGAGACAAAATAAGTATAAATAATATATTTTCTTAAATCGTTAAGTATAGAAAC  
TTCTTGTTTTTTTTTTTAAATTTTTTTTACTAGACTAAACCCAAATTGAAAAAAA  
ATCTAGAATTGGCTTCCTTGGAAGGTTTGACCAAAGTCCCAATTAGATGGTGCCA  
CGTTGAAGCTTGTGACAGTTCTACCGTCACTGGCGGTGACTTGGAATGAGAGGGT  
TTGACCATTGAGGTAAGAGTTGCTTTGCCAATTTTGCCCCAGTTTCTTGACATTG  
ATTGCCACCCAGTTCTTGATCCTTTGATGGAACTGAATGAACATCACCAGCACC  
TCCAACGTTTGTTACCAAAGTAGGTTGAAGTAAGAGTGGCCATTGATGGTGAAT  
CTTATTCCTCCCTTCTTCATGCAAGGAACTCTATAGTCATAGTCATCACAAAATGA  
TACTAAAGATTAGTTAGGTATGAGGGTAATAATGTATTTAAAAACTAAATATAGA  
TTTTAGAATAAAATATATTTTTTGTCTTTAAAATTTGATAAAATTTTAAAAATACT  
TCTAAGTTTTTTTTGTTTTAATTTTTTTTTTAAATTTTCGATTTATATCAAATATATC  
TCTGACAGCTAATTTTTAAAAAATTTAGAATCAATCTAATAACAATTTTCATAAG  
AACAACTTTGATATAAATAAATCAAGCATAATTTTTATGTATTTTTGTTAGATTA  
GTGCTAAGGTTTCTAAAAAATCAGCCGCAAAGAGTATATTCGATGTGAATAAAAA  
AATTAACAACAAAATAAAATTTAAAGATATTTTTTAAATTTTCGCTAAACTCCAAA  
CAAAAAAATTTACTTTATCCTAAATTTTATTAGATTTTGAAATAGTTTTACATTG  
AAATTCAATTGAATATTTATTTATATTTGTGATTTTTTTTTATAATAAGTGACTATA  
ATTAAGAAAAACATTTTCACTAATATGATAAATTGATAAATTCGAATAAATATT  
TTTGTAAAACTTTTTTTATACATTGACTGTGTGTAAATTAATTTGTTAGCTAAGA  
AATTATCCTATTCCTACCTTTTTAACTCAACATCAATTTTATGGTACCAAAGTTGG  
AACTAACTGTAGACAAGGTAGAACTAACTACACTAGTTTCCCTATGGTCATTA  
ATAGGTCATGTTGTATTGGTACAAGATAATTTTATGGTACAAAATAATTCCTCCAT  
CAACCTATAAGTTTCTCCTTTTTTAAATGTTTTTATACCATGATTAATAATTATATTA  
TTAACTATATATGATCAAATATACCATAAATATGAGAAATTATATTAATTTATCA  
TCTCTTCTTCATTTTGTCTCACAGACTGAAAATCCGCATAAACGGAAAAAATA

ATAATCAATAATATTATATTTTTCAAATGACATAATATTTTTTTAAAAGAAAAAAT  
AAAAAAAAGTTTCTAACAATTATGAATGAAAAGAATTAAGATAAGAAATACT  
ATCATTTATAAAAAAATGTACACAAAAAATCAACTGCCAATATAAAATACATGTT  
ATGTGCACATAAATAGTATTCTTTACAAAAATATTGCTAATAGTGGTTCTAAACG  
TACTTCTTAATATTATTTATAAGGAAAAGTATATGAAACCAACTAATAATCAGTC  
AAGAATGAAACAATATAATTAATTATAATTAGTTTTATTAATTTATAATTTAATTT  
GTTTGTTAAATTATTGTTGACTACGTTAGTGTACGAGAGAATCACGGAACATAT  
GCTTTGATCATTATTAGTTGATTCCATATAATTAATTATGTTTTATTAATGCGTA  
ACACATGAAACATAGAAATTATATCCAAAACCATCCAATTTATAAGAAAAAGAA  
ATATCCGTGTGCCTATTAGTAGCAACATCCGTTACCAGTTGGCTGATTCTTGACTT  
ATATAGAGTTGGTTCCTAGCATTGTTGTATTTATAATGAAAACTTGGAAAGTTTTT  
TTGTTGAATAAAGATTAACACATTTGTATTTACTAGTAAGGGAATTAATGAAAGC  
TTAATTAAGAGCATAAGATAATTTGCACACTAACAAACCTTCTAAAAGCAACAGG  
CACAATTCAGCCCTATATTCAGCAATTTGCAAGAATGCTGGCTCAGCCATGTCA  
AAGTGCTGCAAAGGAGGGTTGCACCAACCACCATTGTTGTTGGGCAGAGCCGGG  
TTCGGCGGGCAGAAGTTGGTGGCCGTGACAATGATCGAACCCGGCTTGCACCATC  
TTGGGTCATCATTACACTTCATCTCATAGCATGATCCACAGCTTAGTCCATTGTTG  
AACAAAGCAGTGCTTAATGCTGCTGTGTTTCGTTCCATAACCTTGGCTATACAAATT  
CCCATATCCTAGAAAATAGAATAAATAAAAAATTTACTAATGTATTAGGAAATAA  
CATTTCACTGTATTATCTATAATAATTTTTTTCTAATAATAAGCACAGAAAAATAT  
TAAAAATATAATTGTTTACGTAATTTTTTATTAGTTTAAATTTTTTAAGATAAATAA  
TTTTTTAATATAATATCAAAACTTCTATAACCAAAAAAGTTTAAAATTTGATTCTT  
TATCTCAAAAAAAGAAAAAGAATGTGAAAGAACATGTTAAAATTTATTAGGTG  
CATCTTTTTATCTGATTAACTTTTGAGATAAACGATTTTATAACAAACAAAACAT  
GGTTTACAAACTATTATTCAAATATACTAAGAAAAAAGAAAAGAAAGAGAAGA  
TAAAAACTGACCCATTGTGCCAGAGGCATCACCACCACCATAGAAAGTGGCATG  
AGCACTCTCCAACCACCATAGTCAGCTGTGGCACCTTGCATGATAATCATGTCA  
ATGGAGAGAACAATGAGAAGAATCATTAGAGCCATTGAAAACCTTGTCTGTGGC  
ATTCTCCTTTGTTCTAAACCTTTGGCAAGAAACAGGGGAAGGTTCAAATTGTTGTT  
CCTTTCCTCTGCTCTGAGTTCTAATGTGTATGAGGGACCCCTATTTATAACTAACT  
TTTTTTTATAATTTAACATGTATTTAAGTTTGGGCGCCTTTTTTTTCATTTTTTCATTT  
AACAACTTTTGTGTTGGAAAATTTCTCATTATTTTTTAATTGTGTTTGAGTTTGCA  
GAAAAAGCAAAAAAATAAATAAAAAATACAAGACAAAATTCTTAAGACT  
TAAAATTAATAATGAATTCATCTTGTATAATTTTTTAATAGGACAAATTTATCTAC  
TACCATAAAAAATTGATATATTTTTTTTTCTAATATGTGTGTAAATAACTAATTC  
GTCATATAAATCCTAAAGAACTAATTGAGGTTAATTTTTTAAAAAATGGACAAAC  
ATGGTGTGTTATCCACTATTATGAGTAGGTTAAGTTTTATTTTTTAATGTATAAAT  
AAAAAATTTAATGGTAAAATTTTACAAGTATATAAATTAGAGGGTCAAATTTAT  
AATTTTAAAATGATAAAAAAATTATAA