

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

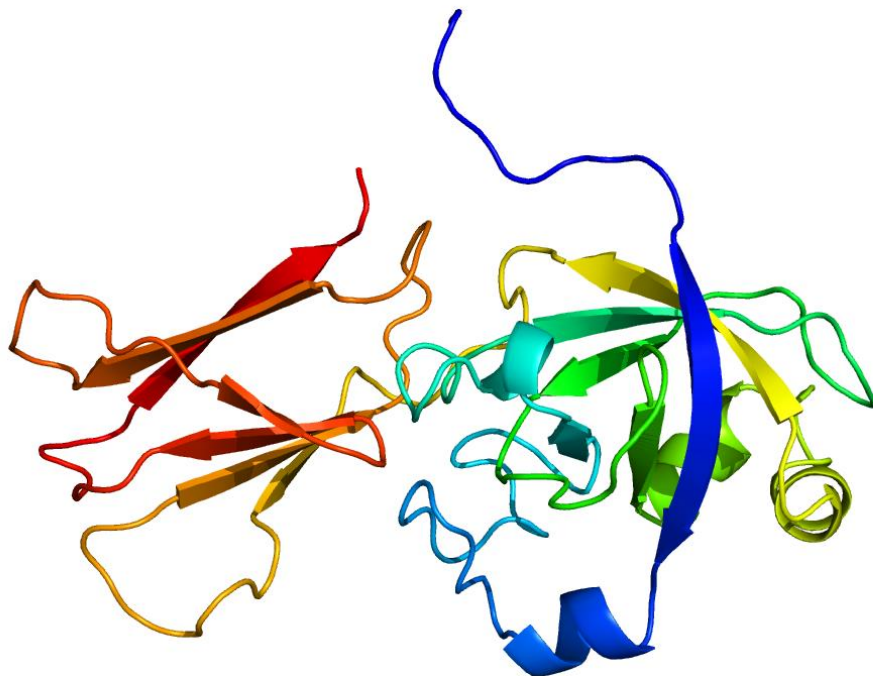
**Locus:** AUR62018850

**Gene Model:** AUR62018850

**Description:** CqEXLB-05

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

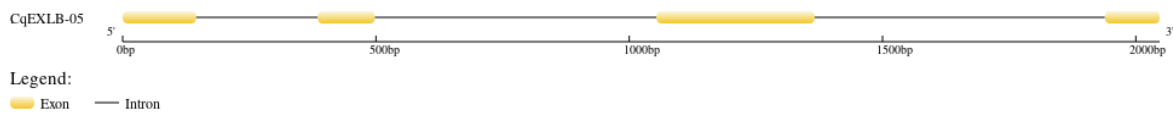
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

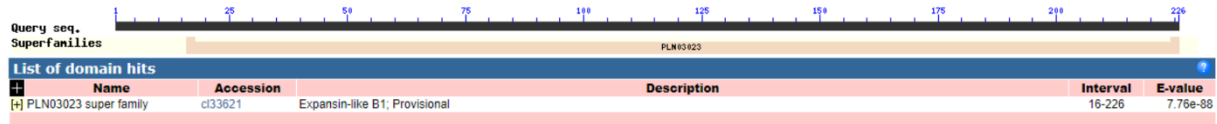
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXLB-05

MGSIHKNYTYDTVVVFLPALICCLEEPIFRSKATYYHAIDGLGTPRGGCGYGEYG  
RIINNGDVAVVTSSKLYKGGASCGACYKVKCKEAVCKEDGVVVMVTDYGVSDGET  
DFILSSNAFNKMAMPNYEKELRDDGRVPIEYQRVACQFPGKSLALKVAEHSRFP  
SYLSFQFLYQAGDADITAVEMFEEEEALEWKRCRRAYGAVWDIANPPRGPLTVRFFLDGS

### CDS (coding sequence)

>CqEXLB-05

ATGGGTTCCATAATTA AAAAATTACACGTATGATACTGTAGTTGTTGTGCTATTTCT  
CCTGCCTGCATTAATTTGTTGCTTAGAAGAGCCCATCTTTCGTTCCAAGGCAACCT  
ATTATCATGCTATTGATGGTCTTGGAACCCCAAGAGGAGGGTGTGGATATGGCGA  
GTATGGAAGAATAATCAACAATGGAGATGTAGCTGTGGTACTTCTTCTAAACTC  
TACAAGGGTGGAGCTAGTTGTGGTGCTTGCTACAAGGTTAAGTGCAAGGAGGCA  
GTATGCAAGGAAGACGGAGTGGTGGTGTATGGTGACAGACTACGGTGTATCAGAC  
GGCGAAACGGACTTCATATTAAGCAGTAATGCATTCAACAAAATGGCAATGCCTA  
ATTATGAGAAGGAGTTAAGGGATGATGGTAGAGTTCCATTGAATACCAAAGAG  
TTGCTTGCCAATTTCTGGA AAAATCTCTAGCACTTAAGGTTGCGGAACATAGCCG  
TTTTCTTCTTATTTGTCATTTCAAGTTCTTGTACCAAGCTGGAGATGCTGATATCAC  
TGCTGTTGAAATGTTTGAGGAAGAAGCCCTAGAGTGGAAGAGATGCCGGAGAGC  
GTACGGAGCAGTTTGGGACATAGCAAATCCACCAAGGGGTCCTCTAACAGTGAG  
GTTCTTTTTAGATGGAAGT

### Nucleotide

>CqEXLB-05

ATGGGTTCCATAATTA AAAAATTACACGTATGATACTGTAGTTGTTGTGCTATTTCT  
CCTGCCTGCATTAATTTGTTGCTTAGAAGAGCCCATCTTTCGTTCCAAGGCAACCT  
ATTATCATGCTATTGATGGTCTTGGAACCCCAAGTATGTTTGTGCTCAATAATTA  
GGAGTAAACATGAATTTTTTTAGCCGTACATATATATACTCGTATAGTCGTATA  
TCATAATATAATTCGTTTCATATATTTGTTTATCATCAATATAAGCTAATTTGTATT  
GTACTTGATTAAGAACAGTTTAATTAATTTGTTTAAATTTGTTTATGTGTACGTA  
GTAATAATTGTTAAATTTGAAATTCAATTTAATGTGTTTGAAAATTAGGAGGAGG  
GTGTGGATATGGCGAGTATGGAAGAATAATCAACAATGGAGATGTAGCTGTGGT

TACTTCTTCTAAACTCTACAAGGGTGGAGCTAGTTGTGGTGCTTGCTACAAGGTA  
ATCTTATTTCTACCTTCGTTACAAATTATGTGCAACTTTTATACATCATTTGTGAG  
ATATATAAATATTCAAAAAGTTGCACATGATATGTAATGGAGTTAGTATTTTTCTAC  
TCTTAACTATTCCAAAAAAGTTTCTTATAGGTTTAAATTTGATTTTCAA  
ATAAGTCCCTCATGATTTTATCTAGCTATTTATTTGAATATATTAGGTAATTTTAA  
TTAAGTTAATTCCTCATATAAACAATTTTGTTTATTTGGGGGTATAATTGTCTTT  
TCAGGTACCAGGGGAGGGGTACATGCGTCTTTTCATGTACTAATTGAGGGGTATA  
TGTGTAATTTCTTACCAAACAGTAAAAGCAAGTTGCAACACAGTAATTGGACAG  
CTACCAAAGTACTGAATAAATAACCACGTTTTTTCAATATATTTACAAAATG  
CAACTAGATTAATAAATAAGTCGTTTATCTGGCAGATAAACTTGTATTTCTCCCTTA  
ATTAGCTTTAATTTACTTTAACTTGAGTAATTGGTTTTGGATACATACATAGGTTA  
AGTGCAAGGAGGCAGTATGCAAGGAAGACGGAGTGGTGGTGATGGTGACAGACT  
ACGGTGTATCAGACGGCGAAACGGACTTCATATTAAGCAGTAATGCATTCAACAA  
AATGGCAATGCCTAATTATGAGAAGGAGTTAAGGGATGATGGTAGAGTTCCCAT  
GAATACCAAAGAGTTGCTTGCCAATTTCTGGAAAATCTCTAGCACTTAAGGTTG  
CGGAACATAGCCGTTTTCTTCTTATTTGTCATTTAGTTCTTGTACCAAGCTGGA  
GATGCTGATATCACTGCTGTTGAAATGTTTGAGGTATATATAACAATAACTTTTATT  
TTTATATATTTTTATATTATAAAGAAAAATATGTTTTTGTAAATTTTCCCTTTAACT  
TCATGCATGGTTCGTTCAAGTTTAACTTTAAACCCTAGAAATAATTATAATGTAT  
ATGTCCAATAGGAAAACAATTAATTTGAATTTGATTATTATTCATTGGAGTGGAG  
AAGTAAACAATAGAAACAAGTTAAAAACCTTTAATTTCTCTCCAAAATTTCTAG  
TATAACCATTCAATGTTGAAATCAATCATAATTTATAAGAGGATTAACATTAAGA  
AATGGTATATAGTTCATGAATAATAATTGATGTATTAATATTTAGTTACCTGTGAT  
AATTAACAATAACAAGTGCAATTCACCACCATTCAATTATATAATAAATTA  
GCAAGTACATTCTGTTTTATTACGATGAAATATATAGATGTGACCGGTTGCATAA  
ATAGATTTTCGTGTAACATTTTGGACACTTATAATGAGAAATCAATTGTAAAAGCT  
CTATCTACGTTTATGTATATCTGGTGATGTCGTGCTTAAAATATGCACAGGAAGA  
AGCCCTAGAGTGGAAGAGATGCCGGAGAGCGTACGGAGCAGTTTGGGACATAGC  
AAATCCACCAAGGGGTCCTCTAACAGTGAGGTTCTTTTTAGATGGAAGT